



**UNIVERSIDAD
DE GRANADA**

**TRABAJO FIN DE GRADO
INGENIERÍA INFORMÁTICA**

**Dockerización de Aplicación Paralela y
Distribuida para Clasificación de EEGs:
Análisis de Viabilidad y Rendimiento**

DockEEG

Autor

Fernando Cuesta Bueno

Tutor

Juan José Escobar Pérez



**ESCUELA TÉCNICA SUPERIOR DE INGENIERÍAS INFORMÁTICA Y DE
TELECOMUNICACIÓN**

—
Granada, junio de 2025

Palabras clave: Contenerización, Computación de Altas Prestaciones, Tarjeta Gráfica, Electroencefalograma, Rendimiento, Escalabilidad, Portabilidad

Resumen

Este trabajo presenta un estudio exhaustivo sobre la viabilidad y el rendimiento de la contenerización de aplicaciones paralelas y distribuidas en el ámbito del procesamiento de señales EEG. Para ello, se ha desarrollado y evaluado DockEEG, una solución basada en contenedores (Docker y Podman) que permite la ejecución eficiente y portable en distintos sistemas operativos (Ubuntu, Windows, MacOS) y arquitecturas (CPU y GPU).

A lo largo del trabajo se han realizado experimentos sistemáticos para analizar el impacto de la contenerización en el rendimiento, la escalabilidad y la portabilidad. Se ha comparado la ejecución nativa y contenerizada en escenarios multihebra y multiproceso, evaluando así las diferencias y ventajas de cada enfoque.

El estudio identifica el punto óptimo de paralelismo en torno a 8 hebras por proceso y resalta la importancia de ajustar el número de procesos para evitar sobrecargas de coordinación. Asimismo, se analiza el impacto de la aceleración por GPU, que ofrece mejoras significativas en entornos multihebra, aunque su escalabilidad resulta limitada en escenarios distribuidos.

Los resultados muestran que el uso de contenedores no introduce penalizaciones relevantes, permitiendo mantener un rendimiento muy similar al de la ejecución nativa y facilitando la reproducibilidad y el despliegue en entornos heterogéneos. Finalmente, se proponen líneas de trabajo futuro orientadas a mejorar la escalabilidad multinodo, la gestión avanzada de recursos heterogéneos, la automatización del ciclo experimental, la validación en clústeres HPC y la explotación combinada de CPU y GPU en sistemas Mac. DockEEG, demuestra así que los contenedores son una herramienta eficaz y portable para la investigación y desarrollo de aplicaciones científicas.

Keywords: Containerization, High-Performance Computing, Graphics Processing Unit, Electroencephalogram, Performance, Scalability, Portability

Abstract

This work presents a comprehensive study on the feasibility and performance of containerizing parallel and distributed applications in the field of EEG signal processing. To this end, DockEEG has been developed and evaluated: a container-based solution (Docker and Podman) that enables efficient and portable execution across different operating systems and architectures (CPU and GPU).

Throughout this work, systematic experiments have been carried out to analyze the impact of containerization on performance, scalability, and portability. Native and containerized execution have been compared in multithreaded and multiprocess scenarios, thus assessing the differences and advantages of each approach.

The study identifies the optimal point of parallelism around 8 threads per process and highlights the importance of tuning the number of processes to avoid coordination overhead. Likewise, the impact of GPU acceleration is analyzed, showing significant improvements in multithreaded environments, although its scalability proves limited in distributed scenarios.

The results show that the use of containers does not introduce relevant overhead, allowing performance to remain very close to that of native execution while facilitating reproducibility and deployment in heterogeneous environments. Finally, future work directions are proposed, aimed at improving multinode scalability, advanced management of heterogeneous resources, automation of the experimental cycle, validation on HPC clusters, and combined exploitation of CPU and GPU in Mac systems. This demonstrates that containers are an effective and portable tool for research and development of scientific applications.

Yo, **Fernando Cuesta Bueno**, alumno de la titulación Graduado en Ingeniería Informática de la **Escuela Técnica Superior de Ingenierías Informática y de Telecomunicación de la Universidad de Granada**, con DNI 77150866B, autorizo la ubicación de la siguiente copia de mi Trabajo Fin de Grado en la biblioteca del centro para que pueda ser consultada por las personas que lo deseen.

Fdo: Fernando Cuesta Bueno

Granada a 5 de septiembre de 2025.

D. **Juan José Escobar Pérez**, Profesor del Departamento de Lenguajes y Sistemas Informáticos de la Universidad de Granada.

Informa:

Que el presente trabajo, titulado ***Dockerización de Aplicación Paralela y Distribuida para Clasificación de EEGs: Análisis de Viabilidad y Rendimiento***, ha sido realizado bajo su supervisión por **Fernando Cuesta Bueno**, y autorizo la defensa de dicho trabajo ante el tribunal que corresponda.

Y para que conste, expiden y firman el presente informe en Granada a 5 de septiembre de 2025.

El tutor:

Juan José Escobar Pérez

Agradecimientos

A mi madre Mercedes y a mi hermana Marta, todo lo que soy es gracias a vosotras. Todo lo que seré será por vosotras. Gracias por vuestro apoyo incondicional y por estar siempre ahí.

Índice general

Acrónimos	1
1. Introducción	3
1.1. Motivación	5
1.2. Objetivos	5
1.2.1. Objetivos específicos	6
2. Gestión del Proyecto	7
2.1. Tareas	7
2.2. Planificación temporal	9
2.3. Estimación de costes	10
2.3.1. Recursos humanos	11
2.3.2. Coste total del proyecto	11
3. Estado del arte	13
3.1. Computación de alto rendimiento (HPC)	13
3.2. Portabilidad y reproducibilidad científica	14
3.2.1. Cómo los contenedores facilitan la portabilidad de aplicaciones HPC	15
3.2.2. Reproducibilidad de experimentos científicos usando contenedores	16
4. DockEEG	17
4.1. Aplicación de punto de partida: HPMoon	17
4.1.1. Origen y contexto	17
4.1.2. Arquitectura y funcionamiento	18
4.1.3. Justificación de la elección para este TFG	18
4.1.4. Configuración y parámetros de compilación y ejecución	19
4.1.5. Selección de parámetros de estudio	22
4.1.6. Diseño de los experimentos	23
4.2. Herramientas y scripts utilizados	26
4.2.1. Compilación y preparación	27
4.2.2. Pruebas de escalabilidad	27
4.2.3. Automatización total y orquestación	27

4.2.4. Valor añadido e innovación	28
5. Experimentación	29
5.1. Experimentos preliminares	29
5.1.1. Determinación del número óptimo de subpoblaciones y hebras	29
5.1.2. Estudio del rendimiento al requerir más hebras de las disponibles	31
5.1.3. Estudio del rendimiento al utilizar la misma GPU en distintos nodos	35
5.1.4. Análisis de los experimentos preliminares	37
5.2. Pruebas mononodo	38
5.2.1. Ejecución en Ubuntu en nativo	38
5.2.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu	42
5.2.3. Ejecución en contenedores de Windows	50
5.2.4. Ejecución en contenedores de Mac	52
5.3. Pruebas multinodo	55
5.3.1. Ejecución en Ubuntu en nativo	55
5.3.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu	60
5.3.3. Ejecución en contenedores de Windows	68
5.3.4. Ejecución en contenedores de Mac	70
5.4. Pruebas de barrido de hebras	73
5.4.1. Ejecución en Ubuntu en nativo	73
5.4.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu	80
5.4.3. Ejecución en contenedores de Windows	87
5.4.4. Ejecución en contenedores de Mac	91
6. Conclusiones y trabajo futuro	95
6.1. Conclusiones	95
6.2. Retos y trabajo futuro	97
Bibliografía	100

Índice de figuras

2.1. Diagrama de Gantt del proyecto realizado en Online Gantt . . .	10
5.1. Gráficas de ejecución de las pruebas variando el número de subpoblaciones y hebras.	30
5.2. Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, con límite de 16 hebras.	32
5.3. Gráfica de uso de CPU en función del número de hebras por nodo, con límite de 16 hebras.	32
5.4. Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, sin límite en el número de hebras.	33
5.5. Gráfica de uso de CPU en función del número de hebras por nodo, sin límite en el número de hebras.	33
5.6. Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, con la GPU limitada a un único nodo.	35
5.7. Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, permitiendo el uso de la GPU en todos los nodos.	36
5.8. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).	38
5.9. Uso de CPU en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).	39
5.10. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU + GPU).	40
5.11. Comparativa de tiempo de ejecución entre CPU y CPU + GPU en función del número de hebras en Ubuntu nativo. . .	41
5.12. Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu (CPU).	43
5.13. Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU).	44
5.14. Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).	45
5.15. Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU + GPU).	46

5.16. Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de hebras, para CPU.	47
5.17. Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de hebras, para CPU + GPU.	49
5.18. Tiempo de ejecución en un único nodo con Docker en Windows (CPU).	50
5.19. Tiempo de ejecución en un único nodo con Podman en Windows (CPU).	51
5.20. Tiempo de ejecución en un único nodo con Docker en Mac (CPU).	52
5.21. Tiempo de ejecución en un único nodo con Podman en Mac (CPU).	54
5.22. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.	55
5.23. Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de nodos en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.	56
5.24. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU + GPU) en entorno multinodo.	57
5.25. Comparativa de tiempo de ejecución entre CPU y CPU + GPU en función del número de nodos en Ubuntu nativo en entorno multinodo.	59
5.26. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU) en entorno multinodo.	60
5.27. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.	61
5.28. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU) en entorno multinodo.	63
5.29. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU) en entorno multinodo.	64
5.30. Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU).	65
5.31. Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU + GPU).	67
5.32. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Windows (CPU) en entorno multinodo.	68
5.33. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.	69
5.34. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Mac (CPU) en entorno multinodo.	71
5.35. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.	72

5.36. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).	73
5.37. Uso de CPU en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).	75
5.38. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).	77
5.39. Uso de CPU en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).	79
5.40. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU).	81
5.41. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).	82
5.42. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).	84
5.43. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU).	86
5.44. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores Docker de Windows (CPU).	88
5.45. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).	89
5.46. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores Docker de Mac (CPU).	91
5.47. Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).	93

Índice de tablas

2.1. Planificación temporal de tareas y horas estimadas	10
2.2. Costes estimados de hardware para el proyecto	11
2.3. Costes estimados de recursos humanos para el proyecto . . .	11
2.4. Coste total estimado del proyecto	11
4.1. Rango de valores de los parámetros de entrada y su uso desde la línea de argumentos (si está disponible).	21
4.2. Valores por defecto de los principales parámetros de configu- ración de <i>HPMoon</i>	24
5.1. Tiempos de ejecución en segundos de las pruebas variando el número de subpoblaciones y hebras.	30
5.2. Porcentaje de reducción del tiempo de ejecución respecto a la configuración base para distintas combinaciones de hebras y subpoblaciones	30
5.3. Resumen de configuraciones de nodos, hebras y uso de CPU .	34
5.4. Resumen de tiempos de ejecución para distintas combinacio- nes de nodos y hebras, comparando el uso de la GPU limitada a un nodo frente a su uso en todos los nodos.	36
5.5. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Ubuntu nativo (CPU).	38
5.6. Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).	39
5.7. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Ubuntu nativo (CPU + GPU).	41
5.8. Comparativa de tiempos de ejecución y variación porcentual entre CPU y CPU+GPU en Ubuntu nativo.	42
5.9. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu (CPU).	43
5.10. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU).	44

5.11. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).	45
5.12. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU + GPU).	47
5.13. Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de hebras y variación porcentual respecto a nativo (CPU, mononodo).	48
5.14. Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de hebras y variación porcentual respecto a nativo (CPU + GPU, mononodo).	49
5.15. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Docker sobre Windows (CPU).	50
5.16. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Podman sobre Windows (CPU).	52
5.17. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Docker sobre Mac (CPU).	53
5.18. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Podman sobre Mac (CPU).	54
5.19. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo Ubuntu nativo (CPU).	55
5.20. Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de nodos en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.	56
5.21. Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo Ubuntu nativo (CPU + GPU).	58
5.22. Comparativa de tiempos de ejecución entre CPU y CPU+GPU en función del número de nodos en Ubuntu nativo (multinodo) y variación porcentual.	59
5.23. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Ubuntu (CPU).	60
5.24. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman (CPU).	62
5.25. Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).	63
5.26. Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman (CPU + GPU).	64
5.27. Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU) y variación porcentual respecto a nativo.	66
5.28. Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU+GPU) y variación porcentual respecto a nativo.	67

5.29. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Windows (CPU).	69
5.30. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman en Windows (CPU).	70
5.31. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Mac (CPU).	71
5.32. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman en Mac (CPU).	72
5.33. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).	74
5.34. Valores de uso de CPU, máximo teórico y eficiencia para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).	76
5.35. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).	78
5.36. Valores de uso de CPU, uso máximo teórico y eficiencia para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).	80
5.37. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Ubuntu (CPU).	82
5.38. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman (CPU).	83
5.39. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Ubuntu (CPU + GPU).	85
5.40. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU).	87
5.41. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Windows (CPU).	89
5.42. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman sobre Windows (CPU).	90
5.43. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Mac (CPU).	92

5.44. Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en con- tenedores de Podman sobre Mac (CPU).	94
--	----

Acrónimos

PLC	Programmable Logic Controller
HPC	High-Performance Computing
EEG	Electroencephalogram
BCI	Brain-Computer Interface
MOFS	Multi-Objective Feature Selection
MPI	Message Passing Interface
OpenMP	Open Multi-Processing
OpenCL	Open Computing Language
MOGA	Multi-Objective Genetic Algorithm
NSGA-II	Non-dominated Sorting Genetic Algorithm II
WCSS	Within-Cluster Sum of Squares
BCSS	Between-Cluster Sum of Squares
GPU	Graphics Processing Unit

Capítulo 1

Introducción

En el ámbito biomédico y de la bioingeniería, el análisis de señales de electroencefalograma (EEG) para el desarrollo de Interfaces Cerebro-Computadora (BCI) constituye un reto de gran relevancia. Las BCI permiten a personas con discapacidades motoras recuperar capacidades de comunicación y control sobre dispositivos externos, facilitando su autonomía y mejorando su calidad de vida. Asimismo, estas tecnologías se están explorando para aplicaciones médicas avanzadas, como la rehabilitación neurológica, la detección temprana de trastornos cerebrales y el control de prótesis inteligentes, lo que convierte el procesamiento eficiente de datos EEG en un requisito crítico para traducir los avances científicos en beneficios tangibles para la sociedad [1, 2].

La gran cantidad de datos generados que suponen los EEG y la necesidad de procesarlos en tiempo real requieren infraestructuras de cómputo altamente eficientes. En este contexto, la Computación de Alto Rendimiento (HPC) constituye un pilar fundamental. Gracias a su capacidad para ejecutar cálculos masivos en tiempos reducidos, la HPC ha permitido abordar problemas antes inabordables, desde la simulación de fenómenos climáticos hasta el entrenamiento de modelos de inteligencia artificial de gran escala, y en particular el procesamiento de datos EEG para BCI [3].

Sin embargo, la utilización de los sistemas HPC para procesar datos EEG no está exenta de desafíos. El análisis de señales cerebrales de gran volumen y alta complejidad requiere paralelismo multinivel, arquitecturas heterogéneas y escalabilidad, además de una cuidadosa optimización de recursos para mantener la precisión en la clasificación mientras se minimizan los tiempos de procesamiento. Trabajos recientes han demostrado que la combinación de técnicas de reducción de dimensionalidad con infraestructuras HPC puede acelerar el procesamiento entre 1,5 y 4 veces sin sacrificar la precisión [1, 2, 3], lo que evidencia la necesidad de entornos HPC eficientes y configurados adecuadamente.

Esta complejidad en la gestión de recursos y entornos de ejecución se ve agravada por dos problemas adicionales que limitan la eficacia de la ciencia computacional moderna: la creciente heterogeneidad de las arquitecturas y la falta de portabilidad y reproducibilidad de las aplicaciones. En numerosos casos, un software científico que funciona correctamente en un sistema falla en otro debido a diferencias en el hardware (como CPU o GPU) o en las configuraciones de software (versiones de librerías, compiladores y dependencias del sistema), como pueden ser las versiones de bibliotecas. Esta situación no solo dificulta la verificación de resultados, sino que también limita la colaboración y el avance científico a gran escala.

En este contexto, la tecnología de contenedores ha emergido como una solución prometedora. Los contenedores permiten encapsular aplicaciones junto con todas sus dependencias en unidades portables y aisladas. De este modo, se garantiza que el software se ejecute de manera consistente en cualquier entorno, reduciendo la complejidad de despliegue y mejorando la reproducibilidad. Frente a las máquinas virtuales tradicionales, los contenedores presentan una sobrecarga mínima y ofrecen un rendimiento cercano al nativo, lo que los convierte en una alternativa atractiva para entornos HPC. En particular, *Docker* se reconoce como la tecnología líder en contenerización debido a su baja sobrecarga, flexibilidad, portabilidad y capacidad de garantizar reproducibilidad [4].

No obstante, diversos estudios han puesto de manifiesto que, en escenarios de computación de alto rendimiento, *Docker* todavía presenta ciertas limitaciones relacionadas con la seguridad y la latencia de red [5, 6]. Estas restricciones abren un espacio de investigación particularmente relevante: evaluar hasta qué punto los contenedores pueden ser adoptados en entornos HPC sin comprometer el rendimiento ni la eficiencia, y bajo qué condiciones pueden convertirse en un elemento clave para mejorar la portabilidad y la reproducibilidad científica en sistemas heterogéneos.

Para poner a prueba esta propuesta, se ha seleccionado como caso de estudio el software *HPMoon*, desarrollado en el marco de una tesis doctoral para la clasificación no supervisada de señales EEG. *HPMoon* constituye un escenario experimental idóneo al incorporar múltiples niveles de paralelismo (MPI, OpenMP, OpenCL), estar diseñado para arquitecturas heterogéneas con CPUs y GPUs, y contar con una base científica consolidada. Evaluar su ejecución tanto en entornos nativos como contenerizados permitirá analizar de manera rigurosa las ventajas, limitaciones y retos que supone la contenerización en aplicaciones HPC reales.

Este trabajo se enmarca, por tanto, en el estudio de la viabilidad y el impacto del uso de contenedores en aplicaciones científicas de alto rendimiento. La investigación realizada pretende contribuir a la mejora de la portabilidad, reproducibilidad y adopción de este tipo de aplicaciones en

la comunidad científica, sin comprometer su rendimiento en arquitecturas modernas y heterogéneas.

1.1. Motivación

La motivación principal de este trabajo surge de la necesidad de conciliar dos objetivos que, en ocasiones, parecen contrapuestos en la investigación científica computacional: por un lado, maximizar el rendimiento mediante arquitecturas HPC cada vez más complejas y heterogéneas, y por otro, garantizar la portabilidad y reproducibilidad de las aplicaciones en entornos diversos.

La contenerización representa una oportunidad única para cerrar esta brecha. Su adopción en entornos de HPC aún no es generalizada, en parte debido a la percepción de que puede introducir sobrecargas o limitar el acceso eficiente a los recursos de hardware, especialmente en configuraciones multinodo con GPU. Este trabajo busca arrojar luz sobre esta problemática mediante un análisis experimental detallado, aplicando la contenerización a un caso de uso real y exigente como *HPMoon*.

En este sentido, en el proyecto se realiza una contenerización de *HPMoon* donde el correcto funcionamiento de las tecnologías *MPI*, *OpenMP* y *OpenCL* resulta fundamental. La evaluación no solo se centra en medir tiempos de ejecución, sino en evaluar de manera integral la escalabilidad, la eficiencia en arquitecturas heterogéneas y la capacidad de reproducir resultados en múltiples plataformas. Con ello, se pretende ofrecer una contribución práctica y útil para la comunidad científica, ayudando a sentar las bases para una adopción más amplia y fundamentada de los contenedores en HPC.

De este modo, los apartados siguientes se centran en definir los objetivos concretos que guían esta investigación, tanto generales como específicos, y que permitirán estructurar el análisis y validar las hipótesis planteadas.

1.2. Objetivos

Analizar la viabilidad y las limitaciones del uso de contenedores, concretamente *Docker*, para encapsular y ejecutar aplicaciones de alto rendimiento (HPC) en arquitecturas heterogéneas modernas y entornos multiplataforma, con el fin de facilitar su portabilidad, uso y adopción por parte de la comunidad científica.

1.2.1. Objetivos específicos

- **OB1.** Realizar la correcta contenerización de una aplicación científica de alto rendimiento que utilice paralelismo multinivel y esté diseñada para arquitecturas heterogéneas, asegurando su funcionalidad en diferentes sistemas operativos y arquitecturas de hardware.
- **OB2.** Diseñar e implementar un conjunto de experimentos para evaluar el rendimiento de aplicaciones HPC contenerizadas en diferentes arquitecturas y plataformas.
- **OB3.** Comparar el rendimiento de las aplicaciones contenerizadas en diferentes entornos y arquitecturas, identificando las ventajas y desventajas de cada enfoque.
- **OB4.** Analizar los resultados obtenidos en los experimentos para identificar las limitaciones y desafíos asociados al uso de contenedores en entornos HPC, así como establecer futuras líneas de investigación.

Capítulo 2

Gestión del Proyecto

2.1. Tareas

T1: Estudio del estado del arte

- **T1.1: Revisión del estado del arte en entornos HPC**
Estudiar la evolución histórica y tendencias actuales en la computación de alto rendimiento.
- **T1.2: Análisis del uso de contenedores en entornos HPC**
Revisar tecnologías de contenedores aplicadas a entornos científicos y de alto rendimiento. Comparar contenedores frente a máquinas virtuales en cuanto a eficiencia, overhead y portabilidad en sistemas HPC.
- **T1.3: Estudio del uso de GPU en aplicaciones entornos HPC**
Revisar el papel de las GPUs en la aceleración de aplicaciones científicas y de ingeniería. Identificar librerías y frameworks para programación en GPU. Analizar casos de éxito en la integración de GPU en entornos HPC.
- **T1.4: Investigación sobre el soporte de GPU en contenedores**
Revisar soluciones actuales para ejecutar GPUs dentro de contenedores. Analizar el grado de compatibilidad con diferentes sistemas operativos y arquitecturas. Estudiar el impacto en rendimiento del uso de GPUs en entornos contenerizados en comparación con la ejecución nativa.

T2: Diseño e implementación de la propuesta

- **T2.1: Selección de la aplicación o problema HPC a estudiar**
Se seleccionará una aplicación representativa del ámbito HPC, justificando su elección en función de su relevancia científica, disponibilidad de código abierto y viabilidad técnica para su ejecución en diferentes

plataformas y entornos contenerizados.

- **T2.2: Preparar entornos y dependencias**

Se identificarán y documentarán las librerías y herramientas necesarias, incluyendo MPI, OpenMP y CUDA. Se garantizará la homogeneidad de las configuraciones en todos los sistemas de prueba y se detallarán los requisitos específicos para cada plataforma (Linux, Windows, macOS).

- **T2.3: Diseñar y construir imágenes de contenedor**

Se desarrollarán Dockerfiles reproducibles que incluyan todas las dependencias necesarias, asegurando soporte para GPU mediante NVIDIA Container Toolkit. Las imágenes serán versionadas y almacenadas en un registro para facilitar su reutilización y trazabilidad.

- **T2.4: Definir casos de prueba y parámetros de ejecución**

Se establecerán experimentos mononodo variando el número de hebras, experimentos multinodo con diferentes cantidades de nodos y casos combinados que exploren el espacio de parámetros hebras \times nodos.

- **T2.5: Automatización y orquestación**

Se implementarán scripts en para automatizar la ejecución de lotes de pruebas, así como la recogida y almacenamiento de logs y resultados.

- **T2.6: Instrumentación y métricas**

Se instrumentará la aplicación para medir tiempos totales de ejecución, uso de CPU y otros recursos. Se calcularán métricas como aceleración, eficiencia, y *overhead* comparando la ejecución en contenedor frente a la nativa. Se generarán gráficos comparativos para el análisis de resultados.

- **T2.7: Reproducibilidad y trazabilidad**

Se mantendrá un repositorio con los Dockerfiles, scripts y documentación del proyecto. Se etiquetarán las versiones de las imágenes y dependencias para asegurar la reproducibilidad de los experimentos.

T3: Evaluación de rendimiento

- **T3.1: Ejecución de pruebas comparativas**

Se ejecutarán las mismas baterías de experimentos tanto en modo nativo como en contenedor. Se registrarán logs completos de cada ejecución.

- **T3.2: Recopilación y organización de resultados**

Se guardarán los tiempos de ejecución y métricas de uso de recursos, clasificando los datos según plataforma (Linux, Windows y macOS) y tipo de acelerador (CPU y/o GPU). Se establecerá un formato homogéneo para los ficheros de resultados (CSV o base de datos).

- **T3.3: Visualización de resultados comparativos**

Se generarán gráficos y tablas que destaquen los casos extremos (me-

jores y peores comportamientos), facilitando la interpretación de los resultados.

T4: Análisis de resultados

- **T4.1: Revisión sistemática de los resultados experimentales**

Se analizarán de manera estructurada los datos obtenidos en las pruebas, comparando el rendimiento entre ejecución nativa y contenerizada en las distintas plataformas (Linux, Windows y macOS) y ante el uso o no de aceleradores (CPU y/o GPU). Se identificarán tendencias generales, anomalías y comportamientos consistentes.

- **T4.2: Análisis cuantitativo del rendimiento**

Se calcularán diferencias absolutas y relativas entre ejecución nativa y contenerizada, estimando overheads medios y por caso. Se evaluará la escalabilidad en cada escenario y se aplicará análisis estadístico para validar la significancia de las diferencias observadas.

- **T4.3: Análisis cualitativo**

Se identificarán ventajas no estrictamente de rendimiento, como portabilidad, reproducibilidad y facilidad de despliegue, así como limitaciones observadas relacionadas con drivers de GPU, gestión de red en contenedores y problemas de compatibilidad.

- **T4.4: Detección de desafíos en la adopción de contenedores en entornos HPC**

Se evaluará la complejidad asociada a la configuración, despliegue y mantenimiento de entornos contenerizados en sistemas HPC, incluyendo la integración de aceleradores como GPU y la gestión de dependencias específicas.

- **T4.5: Propuesta de líneas de investigación futura**

A partir de los resultados y desafíos identificados, se propondrán posibles líneas de trabajo futuro.

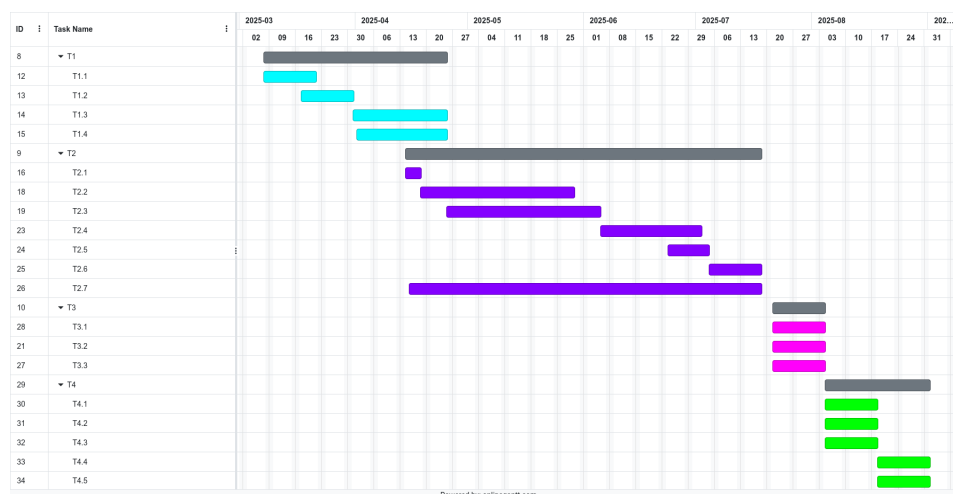
2.2. Planificación temporal

En la tabla 2.1 se presenta una estimación del tiempo necesario para completar cada una de las tareas principales del proyecto, desglosado en horas dedicadas por el desarrollador y el tutor.

En la imagen 2.1 se muestra un diagrama de Gantt que ilustra la distribución temporal de las tareas a lo largo del proyecto.

Tarea	Desarrollador (h)	Tutor (h)
Estado del arte	50	10
Implementación	95	8
Evaluación	65	7
Análisis	40	5
Total	250	50

Tabla 2.1: Planificación temporal de tareas y horas estimadas

Figura 2.1: Diagrama de Gantt del proyecto realizado en Online Gantt¹

2.3. Estimación de costes

A continuación, se detallan los recursos necesarios para llevar a cabo el proyecto, incluyendo hardware, software y recursos humanos, junto con una estimación de los costes asociados.

Hardware

- Ordenador portátil LG Gram 14Z90Q-G.AA75B, este equipo se utilizará para el desarrollo general del trabajo: creación del código para las pruebas y creación de la memoria.
- Ordenador portátil Lenovo Legion 5, utilizado como plataforma principal para la ejecución de pruebas de rendimiento.
- Ordenador Apple Mac Mini M4, utilizado como plataforma de pruebas para la ejecución y validación de aplicaciones HPC en entornos macOS.

2.3.1. Recursos humanos

Dispositivo	Descripción	Coste (€)
LG Gram 14Z90Q-G.AA75B	Portátil principal de desarrollo	1 000
Lenovo Legion 5	Portátil de pruebas	500
Apple Mac Mini M4	Dispositivo de pruebas Apple	599
Total		2 099

Tabla 2.2: Costes estimados de hardware para el proyecto

En la tabla 2.3 se detalla el coste por hora, las horas estimadas y el coste total de los recursos humanos necesarios para llevar a cabo el proyecto.

Recurso	Puesto	€/h	Horas	Total (€)
Fernando Cuesta Bueno	Desarrollador	15	260	3 750
Juan José Escobar Pérez	Tutor/Supervisor	25	50	1 750
Total				5 500

Tabla 2.3: Costes estimados de recursos humanos para el proyecto

El coste por hora del desarrollador ha sido obtenido a partir del salario medio por hora indicado en la página web [7]. Esta página recoge datos de diversas fuentes para calcular el salario medio en España para un ingeniero informático, que es de 17,98€/h. Dado que el proyecto se realiza en el ámbito académico y no profesional, se ha estimado un coste por hora de 15€/h para el desarrollador. Por otro lado, el coste por hora del tutor se ha estimado en 25€/h, considerando su experiencia y rol de supervisión en el proyecto.

2.3.2. Coste total del proyecto

En el supuesto de que el proyecto se realizara en un entorno profesional, habría que considerar una cuota empresarial de un 30 % sobre el coste mostrado en la tabla 2.3.

El coste total del proyecto se calcula sumando los costes de hardware y de recursos humanos. En la tabla 2.4 se detalla el coste total estimado.

Concepto	Coste (€)
Hardware	2 099
Recursos humanos	5 500
Cuota empresarial	1 650
Total	9 249

Tabla 2.4: Coste total estimado del proyecto

Capítulo 3

Estado del arte

3.1. Computación de alto rendimiento (HPC)

La computación de alto rendimiento (HPC) se refiere a la práctica de agregar poder de cómputo para lograr un rendimiento mucho mayor que el que se podría obtener con una computadora convencional, con el objetivo de resolver problemas complejos en ciencias, ingeniería o negocios [8].

Objetivos principales de los sistemas HPC

El propósito fundamental de la infraestructura HPC es acelerar la resolución de problemas complejos, alcanzando resultados en tiempos factibles que de otra manera requerirían semanas o meses. Para ello, la HPC se apoya en dos conceptos centrales: paralelización y escalabilidad.

Paralelización La paralelización consiste en descomponer un problema en múltiples tareas que puedan ejecutarse simultáneamente en distintos núcleos de procesamiento, ya sean CPUs o GPUs. Este enfoque permite aprovechar todos los recursos del sistema para reducir significativamente el tiempo de ejecución de las aplicaciones. Existen distintos niveles de paralelización:

- **Paralelización a nivel de instrucción:** el procesador ejecuta varias instrucciones de manera simultánea mediante pipelines y unidades vectoriales.
- **Paralelización a nivel de hilo o thread:** diferentes hilos de ejecución procesan tareas concurrentes dentro de un mismo núcleo o CPU.
- **Paralelización a nivel de proceso o nodo:** tareas completas se distribuyen entre múltiples nodos de un clúster, cada uno con su propio

conjunto de recursos.

Escalabilidad La escalabilidad se refiere a la capacidad de un sistema para mejorar su rendimiento al añadir más recursos de cómputo. Se distingue entre:

- **Escalabilidad fuerte:** mejora del tiempo de ejecución de un problema de tamaño fijo al incrementar el número de recursos.
- **Escalabilidad débil:** capacidad de mantener constante el tiempo de ejecución al aumentar simultáneamente el tamaño del problema y los recursos de manera proporcional.

Lograr buena escalabilidad es crítico, especialmente en entornos multinode, donde la comunicación entre nodos y la sincronización de tareas pueden generar cuellos de botella.

Arquitecturas comunes en HPC

Los sistemas HPC modernos pueden clasificarse en función de su arquitectura:

- **Sistemas homogéneos:** utilizan múltiples CPUs idénticas interconectadas. Esto simplifica la planificación de tareas y el balance de carga, aunque no aprovecha posibles ventajas de eficiencia energética de núcleos especializados.
- **Sistemas heterogéneos:** combinan distintos tipos de núcleos de procesamiento o aceleradores especializados, como GPUs, FPGAs o núcleos de eficiencia energética tipo *big.LITTLE*. Estas arquitecturas permiten un mayor rendimiento por watt y mejor aprovechamiento de recursos, pero requieren técnicas avanzadas de programación y planificación.
- **Clústeres y supercomputadores:** integran múltiples nodos interconectados mediante redes de alta velocidad (Infiniband, Omni-Path). Soportan aplicaciones distribuidas que requieren comunicación intensiva entre nodos, siendo los supercomputadores clústeres de alto rendimiento con características avanzadas de interconexión, memoria y almacenamiento.

3.2. Portabilidad y reproducibilidad científica

La portabilidad y la reproducibilidad son aspectos fundamentales en la computación científica moderna. La creciente heterogeneidad de platafor-

mas, que abarca desde supercomputadores tradicionales hasta infraestructuras en la nube o clústeres híbridos CPU-GPU, dificulta que una aplicación pueda ejecutarse sin modificaciones en distintos entornos. Además, la reproducibilidad de resultados experimentales se ha convertido en un reto central, ya que incluso pequeñas diferencias en el entorno de ejecución pueden conducir a variaciones significativas en los resultados obtenidos.

En este contexto, la contenerización emerge como una solución tecnológica que no solo aporta ventajas en términos de gestión e infraestructura, sino que también permite garantizar que las aplicaciones sean fácilmente portables y que los experimentos científicos puedan reproducirse bajo condiciones controladas y consistentes.

3.2.1. Cómo los contenedores facilitan la portabilidad de aplicaciones HPC

En el contexto de HPC, la portabilidad se refiere a la capacidad de ejecutar una misma aplicación en diferentes sistemas de cómputo sin necesidad de modificar su código fuente ni su configuración. Los contenedores facilitan esta portabilidad al encapsular la aplicación junto con todas sus dependencias, incluyendo bibliotecas, compiladores, intérpretes, librerías de comunicación como MPI y entornos de ejecución específicos. De esta manera, se reduce significativamente la fricción que surge cuando un código funciona en un sistema pero falla en otro.

Mediante la creación de una única imagen de contenedor, es posible desplegar la misma aplicación en múltiples entornos, siempre que exista soporte para la tecnología de contenedores utilizada. Esto asegura consistencia entre plataformas, ya que el mismo contenedor puede ejecutarse en distintos sistemas operativos y arquitecturas, minimizando incompatibilidades. Asimismo, disminuye el tiempo de despliegue, ya que los usuarios no necesitan adaptar ni recompilar el software para cada infraestructura, y facilita el acceso a entornos heterogéneos que combinan CPUs y GPUs, donde la gestión de drivers y librerías suele ser crítica. Otro beneficio es la compatibilidad con diversos entornos, desde clusters virtuales autoescalables en la nube hasta infraestructuras HPC tradicionales o equipos personales, garantizando un entorno reproducible y consistente [9].

Además, el uso de gestores de paquetes como Nix dentro de contenedores permite fijar versiones exactas de bibliotecas y dependencias, asegurando lo que se denomina *pureza funcional*. Esto garantiza que cualquier ejecución posterior del contenedor produzca resultados idénticos, independientemente de la plataforma en la que se ejecute [9].

3.2.2. Reproducibilidad de experimentos científicos usando contenedores

La reproducibilidad científica implica que los resultados de un experimento puedan replicarse bajo las mismas condiciones. En computación científica, factores como la evolución de bibliotecas, diferencias entre compiladores o cambios en sistemas operativos suelen comprometer esta reproducibilidad, dificultando la verificación de resultados a lo largo del tiempo.

Los contenedores abordan estos problemas al encapsular no solo el código de la aplicación, sino también todo el contexto de ejecución. De este modo, se puede garantizar que los experimentos se ejecuten en entornos idénticos, independientemente de la infraestructura subyacente. Por ejemplo, mediante tecnologías como Nix dentro de Docker o Singularity, es posible fijar versiones exactas de paquetes y librerías, asegurando reproducibilidad incluso años después [9].

Otra ventaja es la transparencia: al compartir la imagen del contenedor junto con el código y los datos, otros investigadores pueden verificar que los resultados se obtuvieron en condiciones equivalentes. Esto facilita también la colaboración eficiente entre equipos distribuidos geográficamente, que pueden trabajar sobre un mismo entorno sin necesidad de configurar individualmente cada sistema.

Asimismo, los contenedores reducen la carga administrativa. El uso de plantillas de contenedores (*Container Template Library* - *CTL*) permite a los investigadores adaptar construcciones de software a sus necesidades, manteniendo la consistencia y la reproducibilidad sin depender de la intervención de administradores de sistemas [9]. Además, la metodología de contenerización ofrece escalabilidad y flexibilidad, permitiendo ejecutar los mismos experimentos desde computadoras personales hasta clusters HPC o nubes públicas, garantizando que los resultados sigan siendo reproducibles en cualquier infraestructura [9].

En conjunto, los contenedores, especialmente cuando se integran con gestores de paquetes como Nix y tecnologías HPC como Singularity, proporcionan un marco sólido para asegurar la reproducibilidad de resultados científicos y habilitar la computación científica en entornos diversos de manera eficiente y segura.

Capítulo 4

DockEEG

En esta sección se presenta la propuesta general del trabajo, explicando la metodología seguida para evaluar el uso de contenedores en entornos HPC. Se justifica la elección de los experimentos en función de los objetivos del TFG y del estado del arte, y se define el alcance de los mismos, indicando qué se medirá y evaluará.

4.1. Aplicación de punto de partida: HPMoon

4.1.1. Origen y contexto

HPMoon es un software desarrollado por el investigador Juan José Escobar en el marco de la tesis doctoral “*Energy-Efficient Parallel and Distributed Multi-Objective Feature Selection on Heterogeneous Architectures*”.

El programa se concibe como una herramienta de los proyectos *HPMoon*, *e-hpMOBE* y *HPEE-COBE* y toma su nombre del primero de ellos. Está disponible públicamente en GitHub¹.

Su objetivo es abordar la clasificación no supervisada de señales de electroencefalograma (EEG) aplicado a tareas de interfaz cerebro-computadora (BCI). Este es un problema de alta dimensionalidad y computacionalmente costoso debido a las características de las señales EEG y al gran número de características que pueden contener. La aplicación combina la selección de características multiobjetivo (MOFS) con algoritmos paralelos y energéticamente eficientes, buscando minimizar el tiempo de ejecución y el consumo de energía, cruciales en problemas de *Machine Learning* y bioingeniería que requieren plataformas de alto rendimiento.

¹<https://github.com/roty11/HPMoon>

4.1.2. Arquitectura y funcionamiento

La versión más avanzada, conocida como ODGA, ha sido descrita como la “más eficiente desarrollada hasta la fecha”. Su arquitectura combina técnicas de algoritmos evolutivos, paralelismo en múltiples niveles y optimización de recursos para abordar problemas complejos de selección de características.

El enfoque principal de *HPMoon* es de tipo wrapper, utilizando un Algoritmo Genético Multiobjetivo (MOGA), basado en una adaptación de NSGA-II, para seleccionar las características más relevantes. Cada individuo en la población representa una combinación posible de características y se evalúa mediante un procedimiento de fitness basado en el algoritmo K-means para clasificación no supervisada. La evaluación se realiza considerando dos funciones de coste: f_1 , que minimiza la suma de distancias dentro de los clústeres (WCSS), y f_2 , que maximiza la distancia entre centroides (BCSS). Ambas funciones se normalizan en el intervalo (0,1) para garantizar comparabilidad.

HPMoon explota hasta cuatro niveles de paralelismo en arquitecturas heterogéneas. A nivel de clúster, se distribuyen las tareas entre nodos utilizando MPI. Dentro de cada nodo, OpenMP gestiona la distribución de trabajo entre dispositivos CPU y GPU, mientras que a nivel de CPU se aprovechan múltiples hilos o unidades de cómputo (CUs). En la GPU, el paralelismo de datos se aplica al algoritmo K-means, acelerando el cálculo de distancias y la actualización de centroides.

El software está desarrollado principalmente en C++ e integra tecnologías HPC estándar: MPI para comunicación entre nodos, OpenMP para paralelismo en CPU y OpenCL para ejecutar los kernels de K-means en GPU. Además, incorpora esquemas master-worker con balanceo dinámico de carga, tanto entre CPU y GPU como entre nodos del clúster, optimizando la distribución de trabajo y minimizando desequilibrios, especialmente en versiones avanzadas como ODGA.

La configuración y ejecución de *HPMoon* se realiza desde la línea de comandos, permitiendo ajustar parámetros como el número de subpoblaciones, tamaño de la población, migraciones, generaciones, número de características y uso de CPU o GPU mediante un archivo XML. Esta flexibilidad facilita la adaptación del programa a distintos entornos de HPC y diferentes conjuntos de datos, maximizando eficiencia y reproducibilidad.

4.1.3. Justificación de la elección para este TFG

Esta aplicación se utiliza como caso de estudio en este TFG debido a su relevante aportación científica y tecnológica en el ámbito de la computación de alto rendimiento.

HPMoon se ha seleccionado como caso de estudio por varias razones que lo convierten en un candidato ideal para analizar aspectos como portabilidad, rendimiento y overhead de contenedores en entornos HPC. En primer lugar, su relevancia científica y tecnológica es clara: aborda un problema intensivo en cómputo, la clasificación de señales EEG de alta dimensionalidad, común en bioinformática e ingeniería biomédica. La complejidad de estas tareas permite generar métricas significativas de rendimiento en HPC.

Otro factor clave es su diseño para paralelización multinivel y arquitecturas heterogéneas. *HPMoon* explota múltiples niveles de paralelismo en CPUs multi-núcleo, GPUs y sistemas distribuidos en clústeres, lo que permite realizar análisis exhaustivos en distintas configuraciones. A esto se suma un énfasis en la eficiencia energética, optimizando tanto el consumo de energía como el tiempo de ejecución, un aspecto crítico en la computación de alto rendimiento moderna. Asimismo, incorpora estrategias de balanceo de carga dinámico entre CPU y GPU, lo que facilita manejar las diferencias de capacidad y consumo energético de dispositivos heterogéneos.

La disponibilidad y madurez del software también influyen en su elección. *HPMoon* es un proyecto robusto derivado de tesis doctoral y publicaciones científicas, con múltiples versiones que han ido optimizándose a lo largo de los años y documentación completa. Además, se han documentado trabajos donde se analizan modelos de energía-tiempo que permiten predecir el comportamiento de los algoritmos en sistemas monocomputador y distribuidos, proporcionando una base sólida para comparar resultados obtenidos en contenedores [10], [11], [12]. Por último, la complejidad y los desafíos de optimización que presenta, como el balanceo de carga en entornos heterogéneos, irregularidades en accesos a memoria y la gestión de comunicación entre nodos y dispositivos, lo hacen ideal para evaluar el impacto de los contenedores en la eficiencia y optimización del código.

4.1.4. Configuración y parámetros de compilación y ejecución

La aplicación *HPMoon* requiere una fase previa de compilación y, posteriormente, una configuración en tiempo de ejecución a través de un fichero XML (con soporte parcial mediante parámetros de línea de comandos).

Compilación

La compilación de *HPMoon* se realiza a través de un *Makefile*, que permite configurar los parámetros más importantes antes de generar el ejecutable. Entre estos parámetros destacan el número de características de la base de datos (N_FEATURES o NF), que debe definirse entre 4 y el máximo disponi-

ble, y el compilador MPI a utilizar (`COMP` o `COMPILER`), que por defecto es `mpic++`.

Estos valores se procesan en tiempo de compilación, lo que permite evitar el uso de memoria dinámica innecesaria y maximizar el rendimiento del programa. Una vez completada la compilación, el ejecutable resultante, llamado *HPMoon*, se encuentra disponible en el directorio `bin`, listo para su ejecución en los distintos entornos de HPC.

Configuración en tiempo de ejecución

La configuración en tiempo de ejecución se realiza principalmente mediante un fichero XML, que permite ajustar tanto los parámetros de los algoritmos evolutivos como la gestión de recursos computacionales. Los parámetros más relevantes son:

- **NSubpopulations**: número total de subpoblaciones (modelo de islas).
- **SubpopulationSize**: tamaño de cada subpoblación (número de individuos).
- **NGlobalMigrations**: número de migraciones entre subpoblaciones en diferentes nodos.
- **NGenerations**: número de generaciones a simular.
- **MaxFeatures**: número máximo de características permitidas.
- **DataFileName**: fichero de salida con la aptitud de los individuos del primer frente de Pareto.
- **PlotFileName**: fichero con el código de gnuplot para visualización.
- **ImageFileName**: fichero de salida con la gráfica generada.
- **TournamentSize**: número de individuos en el torneo de selección.
- **NInstances**: número de instancias (filas) de la base de datos a utilizar.
- **FileName**: nombre del fichero de la base de datos de entrada.
- **Normalize**: indica si la base de datos debe ser normalizada.
- **NDevices**: número de dispositivos OpenCL empleados en el nodo.
- **Names**: lista de nombres de dispositivos OpenCL, separados por comas.

- **ComputeUnits:** unidades de cómputo por dispositivo OpenCL, en el mismo orden que **Names**.
- **WiLocal:** número de *work-items* por unidad de cómputo, alineado con los dispositivos.
- **CpuThreads:** número de hilos de CPU para la evaluación de aptitud. Si es 1 y **NDevices**=0, la ejecución es secuencial.
- **KernelsFileName:** fichero con los kernels de OpenCL.

Muchos de estos parámetros pueden especificarse también mediante opciones en la línea de comandos al ejecutar **HPMoon**, aunque no todos están disponibles de esta forma. Esta circunstancia se refleja en la columna **CMD OPTION** de la Tabla 4.1, donde un guion (-) indica ausencia de soporte por línea de comandos.

PARÁMETRO	RANGO	CMD OPTION
N_FEATURES	$4 \leq NF \leq$ Número de características de la base de datos	-
NSubpopulations	$1 \leq NP$	-ns
SubpopulationSize	$4 \leq PS$	-ss
NGlobalMigrations	$1 \leq NM$	-ngm
NGenerations	$0 \leq NG$	-g
MaxFeatures	$1 \leq \text{MaxF}$	-maxf
DataFileName	Nombre de fichero válido	-plotdata
PlotFileName	Nombre de fichero válido	-plotsrc
ImageFileName	Nombre de fichero válido	-plotimg
TournamentSize	$2 \leq TS$	-ts
NInstances	$4 \leq NI \leq$ Número de instancias de la base de datos	-trni
FileName	Base de datos de entrenamiento existente	-trdb
Normalize	1 ó 0	-trnorm
NDevices	$0 \leq ND$	-
Names	Nombre de dispositivo existente	-
ComputeUnits	$1 \leq CU$	-
WiLocal	$1 \leq WL \leq$ Máx. work-items locales del dispositivo	-
CpuThreads	$0 \leq CT$	-
KernelsFileName	Fichero de kernels existente	-ke
Display usage	-	-h
List OpenCL devices	-	-l

Tabla 4.1: Rango de valores de los parámetros de entrada y su uso desde la línea de argumentos (si está disponible).

4.1.5. Selección de parámetros de estudio

La elección de los parámetros para este estudio se centró en mantener la mayoría de los valores por defecto y analizar únicamente la relación entre el número de subpoblaciones y el número de hilos. Esta decisión se basa en la arquitectura de paralelismo multinivel de *HPMoon* y su impacto directo en la distribución de la carga de trabajo y el rendimiento. A continuación, se detalla la justificación de esta selección.

Paralelismo multinivel del programa

HPMoon está diseñado como un algoritmo evolutivo que utiliza subpoblaciones y explota paralelismo en múltiples niveles. A nivel de clúster, MPI (Message Passing Interface) distribuye las subpoblaciones entre los distintos nodos. Dentro de cada nodo, OpenMP se encarga de repartir dinámicamente el trabajo entre los dispositivos disponibles, incluyendo CPU y GPU. La evaluación de la aptitud de los individuos combina OpenMP en la CPU y OpenCL en la GPU, ofreciendo hasta tres niveles de paralelismo en la CPU y cuatro en la GPU. Esta arquitectura multinivel es la que determina la elección de parámetros clave para el estudio.

Número de subpoblaciones

El parámetro `NSubpopulations` representa el número total de subpoblaciones y es fundamental para el modelo de islas del algoritmo. Incrementar este número puede mejorar la calidad de los resultados más que simplemente aumentar la población de individuos, según se indica en estudios previos [13]. Además, define cómo se distribuye el trabajo a nivel de MPI entre los nodos y cómo estas unidades se gestionan posteriormente con OpenMP dentro de cada nodo.

Número de hilos en CPU y GPU

El programa hace un uso intensivo de hilos para la evaluación de la aptitud. En la CPU, el parámetro `CpuThreads` indica cuántos hilos se utilizan, y se recomienda que coincida con el número de núcleos lógicos para obtener un buen rendimiento. En la GPU, parámetros como `NDevices` (número de dispositivos OpenCL), `ComputeUnits` (unidades de cómputo) y `WiLocal` (hilos por unidad de cómputo) son esenciales. Ajustar `WiLocal` como múltiplo de 32 o 64 mejora la eficiencia de OpenCL, y la combinación óptima de estos valores depende del problema y del dispositivo. Estos parámetros controlan la paralelización de la función de evaluación en la GPU y la distribución dinámica de individuos mediante OpenMP [13].

Número de nodos

HPMoon está preparado para ejecutarse en sistemas distribuidos. Las subpoblaciones se reparten entre nodos usando MPI, agregando un cuarto nivel de paralelismo. El nodo maestro (MPI 0) gestiona esta distribución de manera dinámica. La escalabilidad y el rendimiento dependen directamente del número de nodos: aumentar su cantidad puede reducir significativamente el tiempo de ejecución y el consumo energético, alcanzando speedups de hasta 83 veces y reduciendo el consumo de energía a menos del 5% en el mejor de los casos [13, 14]. Además, la heterogeneidad de los nodos y su configuración de CPU/GPU influyen en la eficiencia de la distribución de carga.

Razones para mantener otros parámetros por defecto

Se decidió no modificar el resto de los parámetros por varias razones. Primero, la prioridad del estudio es entender cómo el paralelismo y la asignación de recursos influyen en el rendimiento, por lo que se enfocó en `NSubpopulations` y en los hilos de CPU/GPU. Segundo, algunos parámetros como `N_FEATURES` se fijan en tiempo de compilación, lo que dificulta su ajuste en pruebas de rendimiento. Tercero, la función de evaluación (K-means) consume más del 99% del tiempo de ejecución para poblaciones moderadas, por lo que optimizar su paralelización es crítico [13]. Otros parámetros secundarios relacionados con el algoritmo evolutivo o la gestión de datos no afectan de manera tan directa al comportamiento fundamental del paralelismo. Por último, estudiar bases de datos muy grandes podría provocar problemas de memoria en la GPU, por lo que es más prudente analizar estos factores una vez comprendido el paralelismo básico.

Al concentrarse en el número de subpoblaciones, el número de hebras y el número de nodos, se aborda directamente la capacidad del programa para aprovechar arquitecturas paralelas y la distribución de la carga de trabajo en todos los niveles, sentando las bases para análisis más detallados posteriormente [13].

4.1.6. Diseño de los experimentos

Los experimentos se estructuran en varias fases con el fin de determinar los parámetros óptimos y evaluar la escalabilidad y portabilidad de *HPMoon* en distintos entornos y plataformas.

Como se comenta en la sección 4.1.5, se mantendrán la mayoría de los parámetros por defecto (ver Tabla 4.2) y el estudio de los parámetros de configuración que deseamos estimar se realizarán en el sistema operativo

Parámetro	Valor por defecto
SubpopulationSize	480
NGlobalMigrations	1
NGenerations	50
MaxFeatures	10
TournamentSize	2
NInstances	178

Tabla 4.2: Valores por defecto de los principales parámetros de configuración de *HPMoon*.

Ubuntu 24.04. Esto se debe a que queremos que estos parámetros de configuración resulten óptimos para la versión nativa de Linux. Estos parámetros no se verán modificados en los experimentos posteriores en otros sistemas operativos y entornos contenerizados, ya que el objetivo es evaluar la portabilidad y el rendimiento de *HPMoon* en estos escenarios, no optimizar su configuración para cada uno de ellos.

Determinación del número óptimo de subpoblaciones

El primero de los tests para estimar la configuración óptima, se realizarán ejecuciones exploratorias con distintas configuraciones de subpoblaciones y hebras, para definir el parámetro de *NSubpopulations*, así como el de *CpuThreads*, a usar en los tests posteriores:

- Se lanzarán ejecuciones con 1, 2, 4, 8 y 16 subpoblaciones.
- Para cada configuración de subpoblaciones, se evaluará con 1, 2, 4, 8 y 16 hebras por subpoblación.

Estudio del rendimiento al requerir más hebras de las disponibles

El segundo de los experimentos planteados para obtener la configuración óptima consiste en evaluar el rendimiento de la aplicación cuando requieren más hebras de las que el dispositivo puede ofrecer. Este análisis es crucial para cuando se realicen tests donde se prueba la escalabilidad de la aplicación en entornos multiproceso, ya que tendremos que tomar la decisión de si permitir o no que el número total de hebras solicitadas supere el máximo disponible en el dispositivo. Durante este estudio tendremos en cuenta que el dispositivo disponible para las pruebas cuenta con un máximo de 16 hebras.

En las ejecuciones multiproceso, cada proceso se configurará con un número de hebras tal que el total de hebras activas sea igual al producto

del número de procesos por el número de hebras por proceso. Para explorar el comportamiento de la aplicación en escenarios límite, se plantean dos variantes de prueba: en la primera, si el número total de hebras requerido supera el máximo del dispositivo (16), el test no se ejecuta; en la segunda, se permiten ejecuciones aunque la cantidad de hebras solicitadas exceda el límite del hardware. Con esto se pretende identificar si el rendimiento se degrada o si el sistema puede manejar de manera eficiente solicitudes superiores a la capacidad real, estableciendo así las condiciones óptimas para los experimentos posteriores.

Estudio del rendimiento al utilizar la misma GPU en todos los procesos

En esta sección se procede a explicar el tercer y último de los experimentos que nos ayudarán a obtener la configuración óptima. En un escenario multiproceso local, donde los nodos corresponden a procesos distribuidos dentro de un mismo dispositivo, resulta importante analizar cómo el uso de la GPU afecta al rendimiento de *HPMoon*. El dispositivo disponible cuenta con una única tarjeta gráfica, por lo que se consideran dos configuraciones posibles.

En la primera, todos los procesos comparten la misma GPU, lo que permite evaluar el impacto de la contención del recurso gráfico cuando varios procesos intentan ejecutar cálculos en paralelo sobre la misma tarjeta. En la segunda configuración, la GPU se asigna únicamente a un proceso, mientras que el resto de procesos realiza los cálculos exclusivamente con la CPU. Este enfoque permite medir si centralizar el uso de la GPU en un solo proceso mejora la eficiencia global frente al acceso compartido.

El objetivo de este estudio es identificar cuál de estas estrategias ofrece un mejor rendimiento en configuraciones multiproceso locales. Para ello se analizará la eficiencia en términos de tiempo total de cálculo y utilización de recursos, se evaluará la escalabilidad de la aplicación al incrementar el número de procesos y se extraerán recomendaciones sobre la asignación de la GPU en futuras pruebas multiproceso. De esta manera, se podrá determinar si resulta más eficiente que todos los procesos compartan la GPU o si es preferible que solo uno de ellos la utilice, teniendo en cuenta tanto el rendimiento como la complejidad de gestión de los recursos.

Experimentos de escalabilidad

Una vez definido el número óptimo de subpoblaciones, el rango válido de hebras y la estrategia de uso de la GPU en entornos multiproceso, se realizarán los siguientes experimentos:

- **Escalabilidad monoproceso:** con un único proceso fijo, se escala el número de hebras.
- **Escalabilidad multiproceso:** con una única hebra por proceso, se escala el número de procesos.
- **Barrido de hebras:** se ejecutan todas las combinaciones posibles de número de procesos y hebras por proceso.

Plataformas y entornos de ejecución

Los experimentos se realizarán en distintas plataformas y entornos, tanto con uso único de CPU como la combinación con uso de GPU (salvo en el caso de Mac, donde el uso de GPU en contenedores es objeto de estudio):

- Ubuntu 24.04: ejecución nativa, y en contenedores Docker y Podman.
- Windows 11 Home: ejecución en contenedores Docker y Podman.
- MacOS Sequoia 15.5: ejecución en contenedores Docker y Podman.

La ejecución nativa se realizará únicamente en Ubuntu, ya que el programa está desarrollado para sistemas Linux y no es compatible con Windows ni MacOS sin modificaciones. En estos últimos, se evaluará exclusivamente el rendimiento en contenedores.

Esta estructura permitirá evaluar la escalabilidad, portabilidad y rendimiento de *HPMoon* en entornos nativos y contenerizados, así como en arquitecturas heterogéneas con CPU y GPU.

4.2. Herramientas y scripts utilizados

Todo el trabajo desarrollado en este TFG, incluyendo scripts, configuraciones, documentación y resultados de los experimentos, está recogido y disponible públicamente en un repositorio de GitHub².

La carpeta de scripts está organizada en subcarpetas y archivos que se pueden agrupar según su función principal en cuatro bloques, los cuales se verán en las siguientes secciones.

²<https://github.com/FerniCuesta/DockEEG>

4.2.1. Compilación y preparación

Incluye scripts como *build_HPMoon.sh* y *clean_system.sh* dentro de la carpeta *utils*. Su objetivo es automatizar la compilación del software *HPMoon* y preparar el entorno, asegurando que el binario esté actualizado y que el sistema esté limpio antes de cada experimento.

4.2.2. Pruebas de escalabilidad

En esta categoría se agrupan los scripts que permiten evaluar cómo *HPMoon* se comporta frente a diferentes configuraciones de hardware y parámetros del algoritmo, así como explorar de manera sistemática todas las combinaciones posibles de procesos y hebras. Los scripts se organizan en subcarpetas como *single-node*, *multi-node*, *experiments* y *thread-sweep*, e incluyen ejemplos como *run_ubuntu_native.sh*, *run_ubuntu_native_limit.sh* o *run_ubuntu_container.sh*.

El objetivo de estos scripts es doble: por un lado, analizar la escalabilidad y el rendimiento de la aplicación en entornos nativos y contenerizados; por otro, generar un panorama completo de cómo diferentes parámetros afectan la ejecución, permitiendo realizar barridos sistemáticos que produzcan matrices completas de resultados.

De manera más concreta, los scripts permiten:

- Variar parámetros críticos como el número de procesos, el número de hebras por proceso y el número de subpoblaciones, observando cómo influyen en el tiempo de ejecución y en la eficiencia general.
- Comparar el comportamiento de la aplicación en entornos nativos frente a entornos contenerizados, evaluando el overhead introducido por la virtualización.
- Realizar barridos exhaustivos de parámetros, registrando resultados para todas las combinaciones posibles de procesos y hebras, de manera que se puedan identificar configuraciones óptimas y detectar posibles cuellos de botella.

Gracias a esta organización y automatización, se puede estudiar de forma sistemática la eficiencia, la escalabilidad y el comportamiento de *HPMoon* en distintas plataformas, garantizando resultados reproducibles y comparables.

4.2.3. Automatización total y orquestación

Incluye scripts de alto nivel como *run_ubuntu_all.sh* o *run_windows_all.sh*, que coordinan compilación, ejecución y recolección de resultados de forma

secuencial.

4.2.4. Valor añadido e innovación

Los scripts desarrollados aportan un valor significativo al estudio al combinar automatización, flexibilidad y reproducibilidad. Permiten ejecutar campañas de pruebas complejas con un solo comando, minimizando errores humanos y optimizando el tiempo de ejecución. Al mismo tiempo, facilitan la modificación rápida de parámetros clave sin intervención manual, lo que permite explorar distintas configuraciones de procesos, hebras y subpoblaciones de manera eficiente. Su estructura también posibilita comparar de forma sistemática el rendimiento entre ejecuciones nativas y contenerizadas, así como entre distintas plataformas, asegurando resultados homogéneos y fácilmente interpretables. Además, estos scripts soportan escenarios multi-proceso y multiplataforma, validando la escalabilidad y la portabilidad de *HPMoon* en distintos entornos de HPC. Finalmente, la gestión organizada de logs y resultados garantiza que los experimentos sean completamente reproducibles y auditables, alineándose con las buenas prácticas científicas.

Capítulo 5

Experimentación

5.1. Experimentos preliminares

En esta primera fase de experimentación se realizarán pruebas para determinar los parámetros óptimos de ejecución y estudiar el rendimiento de la aplicación en distintos entornos y plataformas.

5.1.1. Determinación del número óptimo de subpoblaciones y hebras

Como se ha comentado en la sección 4.1.6, se realizarán ejecuciones exploratorias con distintas configuraciones de subpoblaciones y hebras, para definir el parámetro de `NSubpopulations` a usar en los tests posteriores.

En la figura 5.1 se muestran las gráficas de estas ejecuciones exploratorias. Se observa que para cualquier número de subpoblaciones, el comportamiento es similar. En la tabla 5.1 se presentan los tiempos de ejecución en segundos para cada combinación de hebras y subpoblaciones, mostrando cómo el incremento en el número de subpoblaciones aumenta significativamente el tiempo de ejecución, especialmente cuando se utilizan pocas hebras.

En la tabla 5.2 se presentan los porcentajes de reducción del tiempo de ejecución respecto a la configuración base. En cada columna, la ejecución con una sola hebra y una sola subpoblación se toma como referencia (0 % de reducción). Estos resultados permiten cuantificar de manera objetiva el beneficio relativo derivado del incremento del paralelismo y de la subdivisión de la población, proporcionando una base empírica para identificar configuraciones óptimas de ejecución.

Del análisis de esta tabla pueden extraerse varias conclusiones de interés para la definición de los parámetros en los experimentos posteriores. En

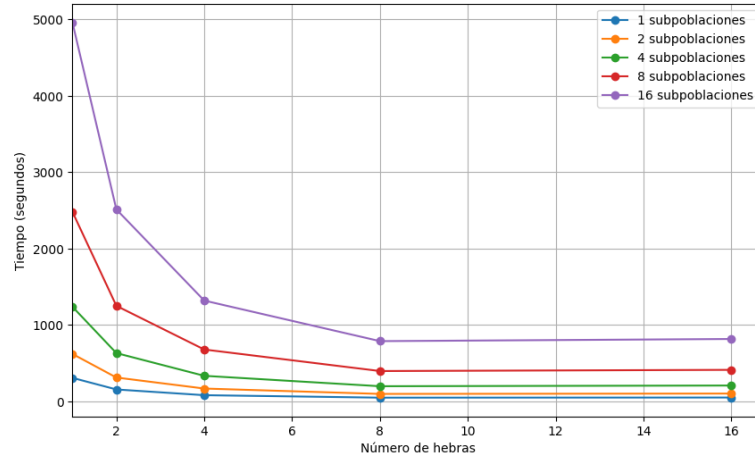


Figura 5.1: Gráficas de ejecución de las pruebas variando el número de subpoblaciones y hebras.

Hebras	Subpoblaciones				
	1	2	4	8	16
1	309.43	622.63	1239.73	2481.89	4960.00
2	157.79	313.86	633.66	1252.12	2513.72
4	82.73	169.76	336.25	680.46	1320.66
8	50.58	99.37	200.01	398.66	790.04
16	52.32	104.06	209.17	414.11	818.17

Tabla 5.1: Tiempos de ejecución en segundos de las pruebas variando el número de subpoblaciones y hebras.

Hebras	Subpoblaciones				
	1	2	4	8	16
1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
2	-49.01	-49.59	-48.89	-49.55	-49.32
4	-73.26	-72.74	-72.88	-72.58	-73.37
8	-83.65	-84.04	-83.87	-83.94	-84.07
16	-83.09	-83.29	-83.13	-83.31	-83.50

Tabla 5.2: Porcentaje de reducción del tiempo de ejecución respecto a la configuración base para distintas combinaciones de hebras y subpoblaciones

primer lugar, se observa que, para un número fijo de hebras, la variación en el porcentaje de reducción del tiempo es prácticamente inexistente al modificar el número de subpoblaciones, lo que indica que el comportamiento es proporcional con independencia de este parámetro. En segundo lugar, el mayor beneficio en términos de reducción del tiempo de ejecución se obtiene

al incrementar el número de hebras de 1 a 8, alcanzando valores en torno al 83–84 %. Sin embargo, al pasar de 8 a 16 hebras, los tiempos de ejecución se incrementan en todos los casos, lo que revela que se ha sobrepasado el punto de paralelismo óptimo para la arquitectura hardware utilizada. Este resultado sugiere que, en el entorno experimental considerado, el uso de más de 8 hebras no proporciona mejoras de rendimiento adicionales e, incluso, puede resultar contraproducente debido a la sobrecarga y la contención de recursos.

No obstante, se ha decidido mantener configuraciones con 16 hebras en los experimentos posteriores con el fin de analizar el comportamiento bajo condiciones de sobrecarga, dado que el objetivo del estudio trasciende la mera optimización de un caso específico y busca evaluar la escalabilidad y el rendimiento en un rango amplio de escenarios. En cuanto al número de subpoblaciones, se constata que con 16 subpoblaciones los tiempos de ejecución pueden alcanzar hasta 1 hora y 20 minutos en configuraciones con una única hebra, lo que resulta excesivo para los objetivos de este trabajo. Por el contrario, con 8 subpoblaciones se obtienen tiempos de ejecución más razonables, se alcanza un equilibrio adecuado entre eficiencia y aprovechamiento de recursos, y se garantiza una buena escalabilidad.

En consecuencia, se justifica la decisión metodológica de fijar el número de subpoblaciones en 8 para los experimentos posteriores, al representar un compromiso óptimo entre eficiencia, utilización de recursos y escalabilidad en el entorno analizado.

5.1.2. Estudio del rendimiento al requerir más hebras de las disponibles

En esta sección se presentan los resultados de las ejecuciones exploratorias realizadas para analizar el rendimiento de la aplicación al variar el número de nodos y hebras, incluyendo configuraciones que superan el límite físico de hebras de la CPU (16 hebras). El objetivo es comprender cómo afecta esta variación al tiempo de ejecución y al uso efectivo de la CPU, proporcionando una base para la selección de parámetros en estudios posteriores.

En la figura 5.2 se muestra la evolución del tiempo de ejecución en función del número de hebras asignadas por nodo, para configuraciones que van desde 1 hasta 16 nodos, pero limitando el número máximo de hebras a 16.

La figura 5.3 muestra el porcentaje de uso total de CPU (donde 100 % equivale al uso completo de una hebra) para las distintas configuraciones de hebras por nodo analizadas.

Por otro lado, en la figura 5.4 se presentan los resultados de las ejecucio-

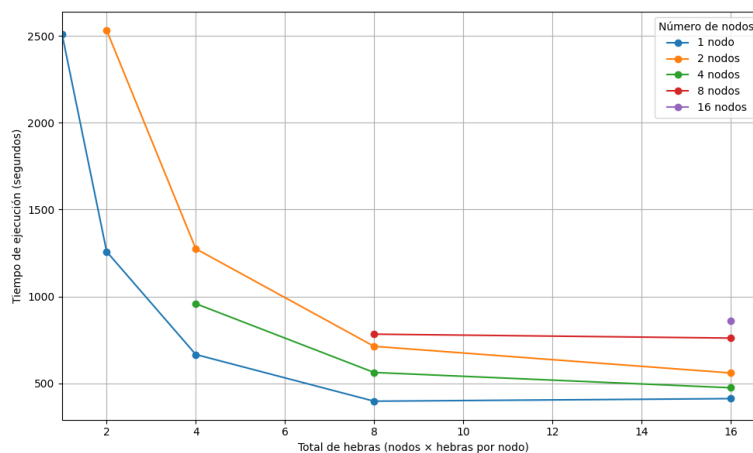


Figura 5.2: Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, con límite de 16 hebras.

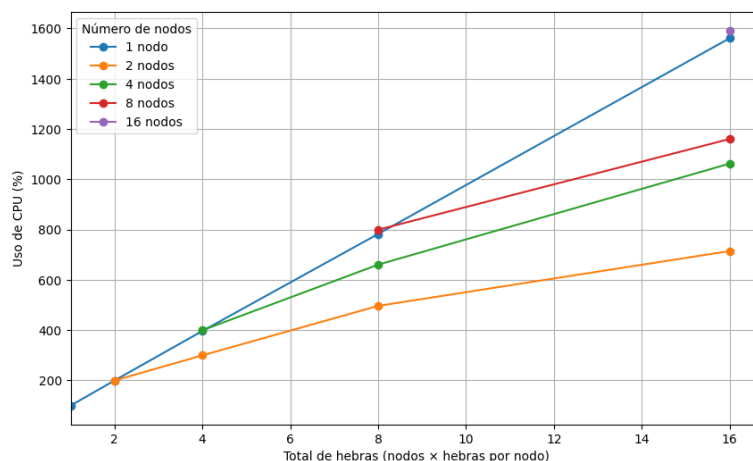


Figura 5.3: Gráfica de uso de CPU en función del número de hebras por nodo, con límite de 16 hebras.

nes exploratorias sin límite en el número de hebras, permitiendo así evaluar el comportamiento del sistema al requerir más hebras de las disponibles.

La figura 5.5 muestra el porcentaje de uso total de CPU para las distintas configuraciones de hebras por nodo sin límite, permitiendo observar cómo varía el aprovechamiento de los recursos en función del número total de hebras asignadas.

Las conclusiones que se pueden extraer de estas gráficas se pueden ver de manera más clara en la tabla 5.3, donde se resumen los tiempos de ejecución y el uso de CPU para todas las combinaciones de nodos y hebras analizadas,

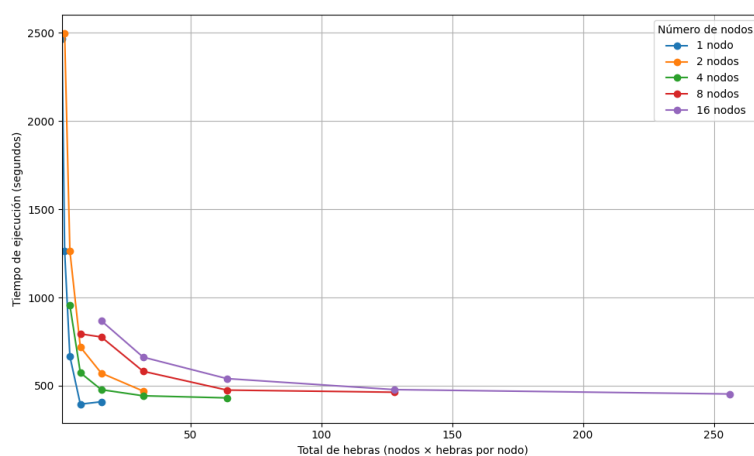


Figura 5.4: Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, sin límite en el número de hebras.

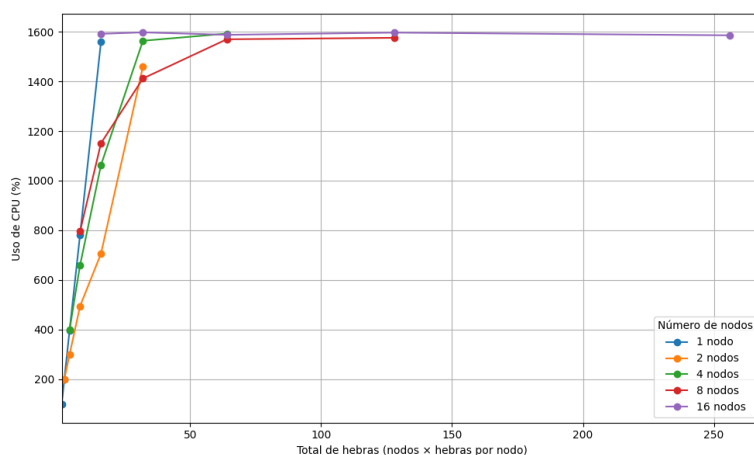


Figura 5.5: Gráfica de uso de CPU en función del número de hebras por nodo, sin límite en el número de hebras.

tanto con límite como sin límite en el número de hebras.

Los resultados muestran que el mejor rendimiento se alcanza empleando un menor número de nodos con un mayor número de hebras por nodo, siendo la configuración óptima la de un único nodo y ocho hebras. Aunque el límite físico de hebras de la CPU es de 16, se observa que, entre los diez mejores resultados, solo tres respetan este límite. En los demás casos, incrementar el número de hebras más allá de la capacidad física sigue proporcionando mejoras en el rendimiento, un comportamiento que, aunque inicialmente contraintuitivo, puede explicarse analizando el uso efectivo de la CPU.

Nodos	Hebras por nodo	Hebras totales	Tiempo (s)	Uso de CPU (%)
1	8	8	395.63	782
1	16	16	409.51	1561
4	16	64	431.30	1593
4	8	32	443.23	1564
16	16	256	453.48	1586
8	16	128	463.45	1576
2	16	32	469.88	1460
8	8	64	475.59	1570
4	4	16	477.90	1063
16	8	128	478.23	1597
16	4	64	540.54	1588
2	8	16	571.65	706
4	2	8	573.94	659
8	4	32	581.91	1412
16	2	32	662.10	1598
1	4	4	666.51	396
2	4	8	719.43	494
8	2	16	776.44	1151
8	1	8	794.09	796
16	1	16	868.28	1592
4	1	4	956.38	399
2	2	4	1263.74	299
1	2	2	1264.94	199
1	1	1	2467.76	99
2	1	2	2497.06	199

Tabla 5.3: Resumen de configuraciones de nodos, hebras y uso de CPU

El porcentaje de utilización de la CPU refleja el grado de aprovechamiento de las hebras disponibles: por ejemplo, con una hebra se alcanza un uso máximo de 100 %, con dos hebras el 200 %, y así sucesivamente hasta un máximo teórico de 1600 % ($16 \text{ hebras} \times 100 \%$). En configuraciones de un único nodo, aumentar el número de hebras se traduce en un incremento proporcional del uso de CPU, lo que explica las mejoras de rendimiento observadas.

En contraste, cuando el número total de hebras se distribuye entre varios nodos, incluso si no se supera el límite físico de la CPU, el rendimiento no mejora de la misma manera. Esto se debe a la sobrecarga inherente a la gestión de múltiples nodos, que puede contrarrestar los beneficios de disponer de más hebras, haciendo que el uso efectivo de la CPU no alcance los valores esperados y resultando en un rendimiento inferior respecto a configuraciones mononodo equivalentes. Por tanto, para configuraciones multinodo es

necesario incrementar el número de hebras más allá de la capacidad física de cada CPU para acercarse al uso máximo teórico, lo que explica por qué los mejores resultados se obtienen bajo estas condiciones.

5.1.3. Estudio del rendimiento al utilizar la misma GPU en distintos nodos

En esta sección se presentan los resultados de las ejecuciones exploratorias realizadas para analizar el rendimiento de la aplicación al variar el número de nodos y hebras, considerando dos enfoques distintos respecto al uso de la GPU: uno en el que se limita su uso a un único nodo y otro en el que se permite su uso en todos los nodos. El objetivo es comprender cómo afecta esta variación al tiempo de ejecución y al uso efectivo de la CPU, proporcionando una base para la selección de parámetros en estudios posteriores.

En la figura 5.6 se muestra la evolución del tiempo de ejecución en función del número de hebras asignadas por nodo, para configuraciones que van desde 1 hasta 16 nodos, limitando el uso de la GPU a un único nodo.

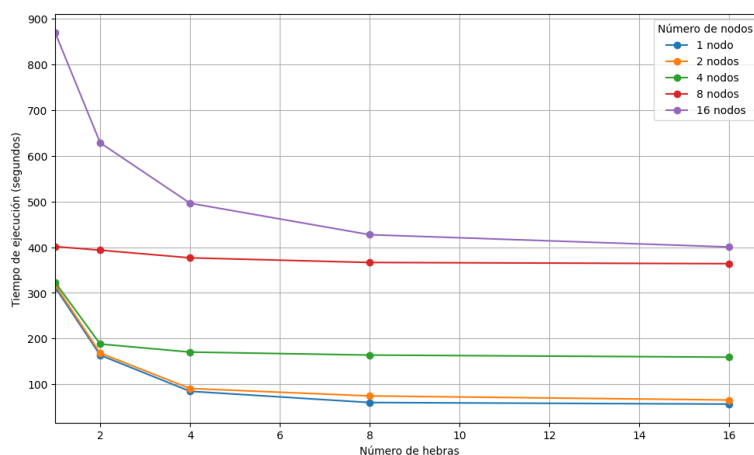


Figura 5.6: Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, con la GPU limitada a un único nodo.

La figura 5.7 presenta los resultados de las ejecuciones exploratorias permitiendo el uso de la GPU en todos los nodos, evaluando así el comportamiento del sistema bajo esta configuración.

Las conclusiones que se pueden extraer de estas gráficas se pueden ver de manera más clara en la tabla 5.4, donde se resumen los tiempos de ejecución para todas las combinaciones de nodos y hebras analizadas, tanto con la GPU limitada a un nodo como permitiendo su uso en todos los nodos.

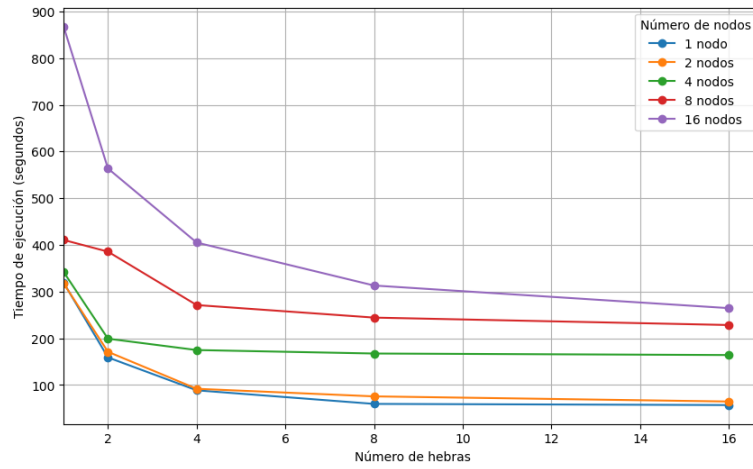


Figura 5.7: Gráfica de tiempo de ejecución en función del número de hebras por nodo, permitiendo el uso de la GPU en todos los nodos.

Nodos	Hebras	GPU 1 nodo (s)	GPU todos (s)	Var. (%)
1	1	311.68	319.01	2.35
1	2	163.59	158.94	-2.84
1	4	84.49	88.52	4.77
1	8	59.91	59.41	-0.83
1	16	56.45	56.91	0.81
2	1	316.92	317.35	0.14
2	2	168.14	170.99	1.70
2	4	90.58	91.78	1.32
2	8	74.30	75.53	1.66
2	16	65.40	64.51	-1.36
4	1	322.77	341.95	5.94
4	2	187.98	199.04	5.88
4	4	170.38	174.74	2.56
4	8	163.80	167.31	2.14
4	16	159.22	164.07	3.05
8	1	401.33	410.54	2.29
8	2	393.50	385.47	-2.04
8	4	376.68	271.10	-28.03
8	8	366.47	244.26	-33.35
8	16	363.94	228.34	-37.26
16	1	869.40	867.50	-0.22
16	2	628.49	563.51	-10.34
16	4	496.28	404.98	-18.40
16	8	427.30	312.94	-26.76
16	16	400.48	264.49	-33.96

Tabla 5.4: Resumen de tiempos de ejecución para distintas combinaciones de nodos y hebras, comparando el uso de la GPU limitada a un nodo frente a su uso en todos los nodos.

Para configuraciones con pocos nodos (1, 2 o 4), la diferencia entre utilizar la GPU en un único nodo o en todos los nodos resulta pequeña y variable.

Las variaciones porcentuales oscilan entre valores positivos y negativos, pero en general se mantienen por debajo del 6 %. Esto indica que, en estos escenarios, no existe una ventaja clara ni consistente de emplear la GPU de forma compartida en todos los nodos.

A partir de 8 nodos, la ejecución con la GPU disponible en todos los nodos comienza a mostrar mejoras significativas, especialmente al incrementar el número de hebras. Por ejemplo, con 8 nodos y 16 hebras se observa una reducción del tiempo de ejecución del 37.26 %, mientras que con 16 nodos y 16 hebras la mejora alcanza el 33.96 %. Estas diferencias son consistentes y tienden a aumentar conforme crece el número de nodos y hebras.

En configuraciones con un número elevado de nodos y hebras, la opción de permitir el acceso a la GPU en todos los nodos se presenta como claramente superior, ya que maximiza el aprovechamiento de la capacidad de cómputo distribuido y reduce de manera significativa los tiempos de ejecución.

En resumen, para experimentos pequeños o con pocos nodos ambas opciones resultan comparables. Sin embargo, en experimentos de mayor escala y con configuraciones que involucran un alto número de nodos y hebras, la estrategia más eficiente y recomendable es habilitar el uso de la GPU en todos los nodos.

5.1.4. Análisis de los experimentos preliminares

A partir de los resultados obtenidos, se recomienda fijar el número de subpoblaciones en 8, ya que este valor representa un equilibrio óptimo entre eficiencia, utilización de recursos y escalabilidad en el entorno analizado.

En cuanto al número de hebras, los datos muestran que imponer un límite estricto puede restringir el aprovechamiento total de los recursos, especialmente en configuraciones multinodo. Por ello, se recomienda no limitar el número de hebras, permitiendo que el sistema utilice tantas como sean necesarias para maximizar el rendimiento.

Respecto al uso de la GPU, los experimentos indican que en configuraciones pequeñas las diferencias entre habilitarla en todos los nodos o solo en uno son mínimas. Sin embargo, en escenarios de mayor escala, habilitar su uso en todos los nodos aporta mejoras sustanciales en el tiempo de ejecución y en la eficiencia global. Por tanto, se establece como criterio general que la GPU esté disponible en todos los nodos.

En conjunto, estas decisiones proporcionan una base sólida y coherente para el diseño de los experimentos posteriores, asegurando que se exploten al máximo los recursos disponibles sin comprometer la comparabilidad de los resultados.

5.2. Pruebas mononodo

5.2.1. Ejecución en Ubuntu en nativo

CPU

En la figura 5.8 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con Ubuntu nativo.

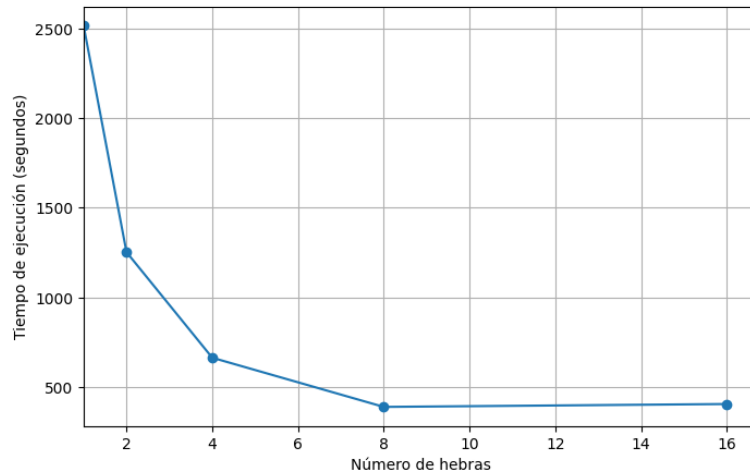


Figura 5.8: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).

En la tabla 5.5 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1	2515.21	0.00
2	1253.18	-50.18
4	664.69	-73.57
8	390.72	-84.47
16	406.76	-83.83

Tabla 5.5: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Ubuntu nativo (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye drásticamente al aumentar el número de hebras, especialmente en el rango de 1 a 8 hebras. Con 2 hebras, el tiempo se reduce prácticamente a la mitad (-50.18%), y con 4 hebras, a casi una cuarta parte del tiempo original (-73.57%). El mayor beneficio se observa al pasar de 4 a 8 hebras, alcanzando una reducción del -84.47% respecto a

una hebra. Sin embargo, al incrementar a 16 hebras, el tiempo de ejecución es ligeramente superior al obtenido con 8 hebras, lo que sugiere la aparición de saturación o sobrecarga en el sistema. Por tanto, el óptimo se alcanza con 8 hebras, coincidiendo con el número de núcleos físicos disponibles en el sistema.

En la figura 5.9 se muestra el porcentaje de uso de CPU en función del número de hebras.

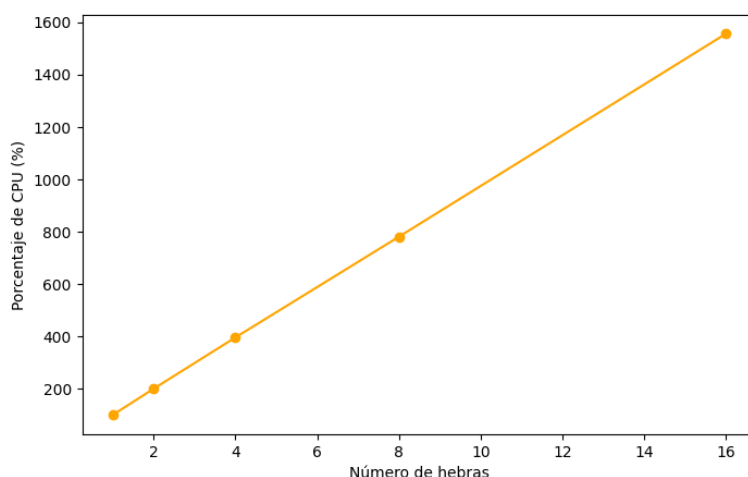


Figura 5.9: Uso de CPU en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).

La tabla 5.6 muestra el porcentaje de uso de CPU alcanzado para cada número de hebras, el máximo teórico posible (calculado como número de hebras por 100 %), y la eficiencia relativa obtenida.

Hebras	Porcentaje de CPU (%)	Max posible CPU (%)	Eficiencia CPU (%)
1	99.00	100.00	99.00
2	199.00	200.00	99.50
4	395.00	400.00	98.75
8	780.00	800.00	97.50
16	1556.00	1600.00	97.25

Tabla 5.6: Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU).

El uso de CPU aumenta de manera casi lineal conforme se incrementa el número de hebras, lo que evidencia un excelente escalado del paralelismo en la ejecución. La eficiencia de uso de la CPU se mantiene muy elevada en todos los casos, superando el 97 %, lo que indica que prácticamente se está aprovechando todo el potencial de cómputo disponible. Aunque la eficiencia

disminuye ligeramente al aumentar el número de hebras (desde un máximo del 99 % hasta un mínimo del 97.25 %), esta reducción es mínima y esperable, ya que responde a la sobrecarga asociada a la gestión de un mayor número de hilos y a posibles contenciones internas. En conjunto, el sistema demuestra un escalado eficiente hasta 16 hebras, con una pérdida de eficiencia muy reducida.

Estos resultados evidencian que el entorno mononodo nativo en Ubuntu gestiona eficazmente el paralelismo y aprovecha bien los recursos de la CPU, mostrando un buen escalado del rendimiento al aumentar el número de hebras.

CPU + GPU

En la figura 5.10 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un único nodo con Ubuntu nativo.

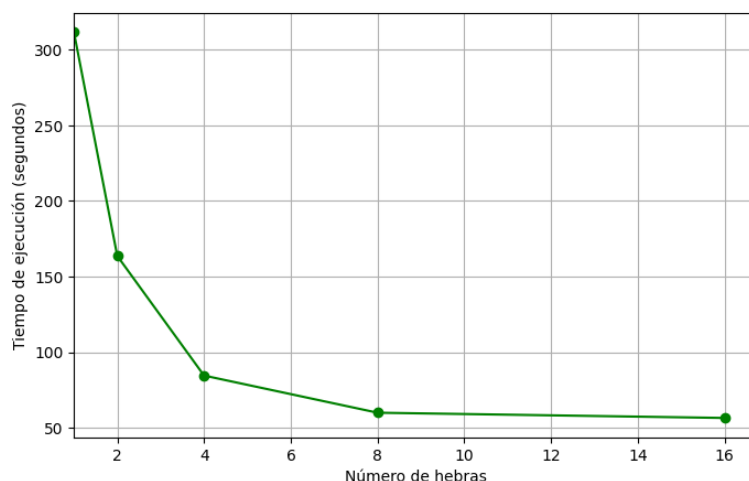


Figura 5.10: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU + GPU).

En la tabla 5.7 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

El análisis de los resultados muestra que el tiempo de ejecución disminuye de forma significativa al incrementar el número de hebras, especialmente en el rango de 1 a 4 hebras, donde se alcanza una reducción del 72.89 %. La mayor ganancia relativa se produce al pasar de 1 a 2 hebras (−47.51 %) y de 2 a 4 hebras (−25.38 % adicional). Sin embargo, a partir de 8 hebras, la mejora es marginal: el tiempo de ejecución solo disminuye de 59.91 s a 56.45 s al pasar de 8 a 16 hebras, lo que supone apenas un 1.11 % adicional.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1.00	311.68	0.00
2.00	163.59	-47.51
4.00	84.49	-72.89
8.00	59.91	-80.78
16.00	56.45	-81.89

Tabla 5.7: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Ubuntu nativo (CPU + GPU).

Esto indica que el sistema alcanza un punto óptimo de rendimiento con 8 hebras, y que a partir de ese valor se observa una saturación en la eficiencia de la paralelización. En conjunto, la combinación CPU + GPU proporciona una aceleración notable, pero la eficiencia se estabiliza a partir de cierto número de hebras, reflejando el límite práctico de paralelismo efectivo en el entorno analizado.

Comparativa CPU vs CPU + GPU

En la figura 5.11 se muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones de CPU y CPU + GPU en un único nodo con Ubuntu nativo.

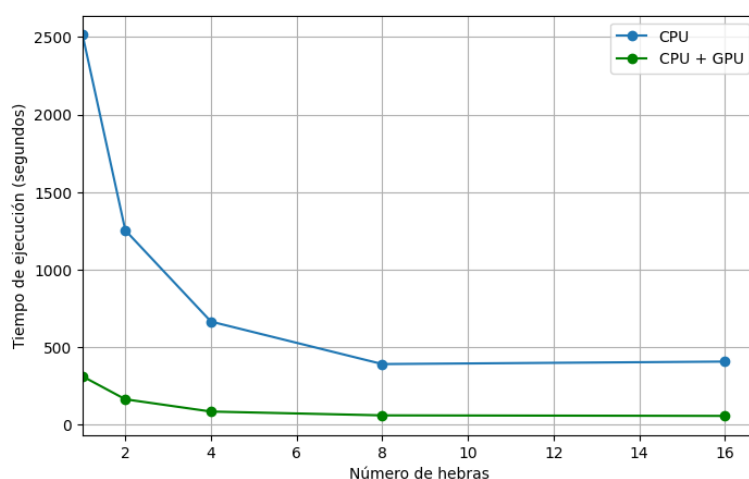


Figura 5.11: Comparativa de tiempo de ejecución entre CPU y CPU + GPU en función del número de hebras en Ubuntu nativo.

En la tabla 5.8 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

El análisis de los resultados muestra que el uso de GPU reduce el tiempo

Hebras	Tiempo CPU (s)	Tiempo CPU+GPU (s)	Variación (%)
1	2515.21	311.68	-87.61
2	1253.18	163.59	-86.95
4	664.69	84.49	-87.29
8	390.72	59.91	-84.67
16	406.76	56.45	-86.12

Tabla 5.8: Comparativa de tiempos de ejecución y variación porcentual entre CPU y CPU+GPU en Ubuntu nativo.

de ejecución entre un 84 % y un 88 % respecto a la ejecución únicamente en CPU, independientemente del número de hebras empleadas. La mejora relativa se mantiene estable al aumentar el paralelismo, lo que indica que la GPU aporta un beneficio constante y no dependiente del número de hilos de CPU utilizados. Además, mientras que en la configuración solo CPU el tiempo de ejecución deja de mejorar al pasar de 8 a 16 hebras (e incluso empeora ligeramente), en la configuración CPU+GPU la mejora es marginal pero consistente. En conjunto, la incorporación de GPU resulta altamente beneficiosa, acelerando el procesamiento en torno al 85 % en todos los escenarios analizados.

5.2.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu

CPU

En la figura 5.12 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con contenedores de Ubuntu.

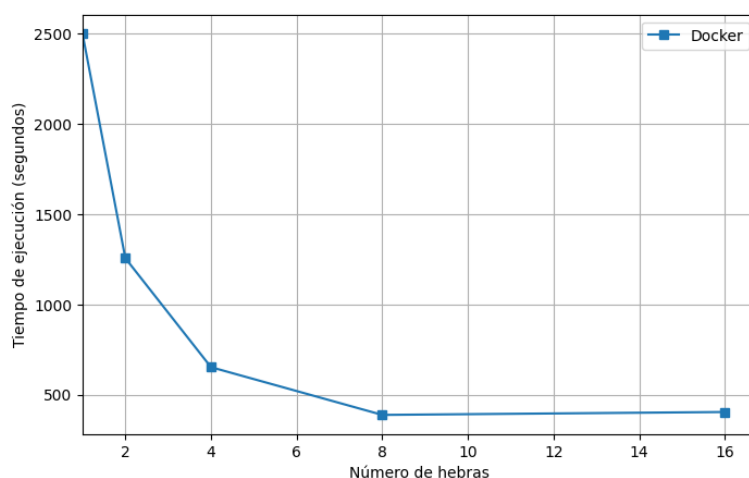


Figura 5.12: Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu (CPU).

En la tabla 5.9 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1	2499.09	0.00
2	1255.95	-49.74
4	652.33	-73.90
8	388.04	-84.47
16	404.09	-83.83

Tabla 5.9: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye significativamente al aumentar el número de hebras, especialmente al pasar de 1 a 8 hebras, donde la reducción alcanza el 84.47%.

La mayor ganancia relativa se obtiene al pasar de 1 a 2 hebras (-49.74%) y de 2 a 4 hebras (-48.16% adicional), mostrando una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la mejora se estabiliza y el rendimiento apenas varía, e incluso con 16 hebras el tiempo de ejecución es ligeramente superior al de 8 hebras, lo que indica que se alcanza un límite de paralelización eficiente.

Estos resultados sugieren que, en este entorno, el uso de más de 8 hebras no aporta beneficios significativos y puede incluso generar sobrecarga, por lo que 8 hebras representa el punto óptimo de eficiencia para la ejecución en contenedores de Ubuntu con CPU.

En la figura 5.13 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman.

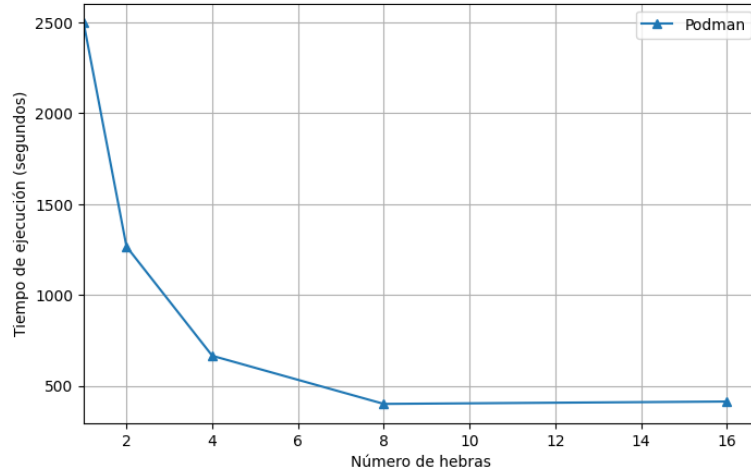


Figura 5.13: Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU).

En la tabla 5.10 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1	2499.16	0.00
2	1266.51	-49.32
4	665.38	-73.38
8	400.51	-83.97
16	413.53	-83.45

Tabla 5.10: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye de forma considerable al aumentar el número de hebras, especialmente entre 1 y 8 hebras, donde la reducción alcanza el 83.97%.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-49.32%) y de 2 a 4 hebras (-47.97% adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la reducción en el tiempo de ejecución se estabiliza y el beneficio adicional es mínimo; con 16 hebras, el tiempo incluso aumenta ligeramente respecto a 8 hebras, lo que sugiere que se alcanza el límite de

paralelización eficiente.

Estos resultados muestran que, en este entorno con Podman y CPU, el uso óptimo se encuentra en torno a 8 hebras, ya que aumentar más allá de este valor no aporta mejoras significativas y puede generar sobrecarga.

CPU + GPU

En la figura 5.14 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un único nodo con contenedores de Ubuntu.

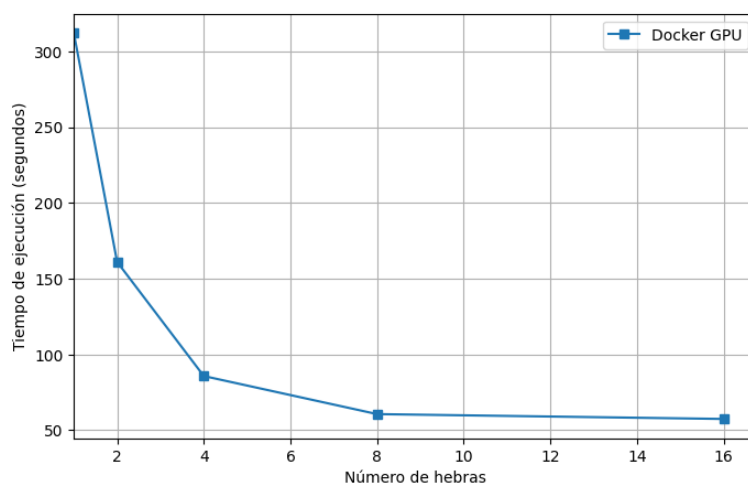


Figura 5.14: Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).

En la tabla 5.11 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1	312.18	0.00
2	161.10	-48.40
4	85.78	-72.52
8	60.65	-80.57
16	57.45	-81.60

Tabla 5.11: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).

El uso combinado de CPU y GPU en contenedores de Ubuntu permite una reducción muy significativa en los tiempos de ejecución al aumentar el

número de hebras, alcanzando una disminución del 81.60 % con 16 hebras respecto a la ejecución con una sola hebra.

La mayor ganancia relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-48.40 %) y de 2 a 4 hebras (-24.12 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la mejora se estabiliza y el beneficio adicional es marginal; el tiempo de ejecución con 16 hebras es solo ligeramente menor que con 8 hebras.

Estos resultados muestran que, en este entorno, la combinación de CPU y GPU permite aprovechar eficientemente el paralelismo hasta 8 hebras, siendo el punto óptimo de eficiencia, ya que aumentar más allá de este valor aporta mejoras muy pequeñas.

En la figura 5.15 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman.

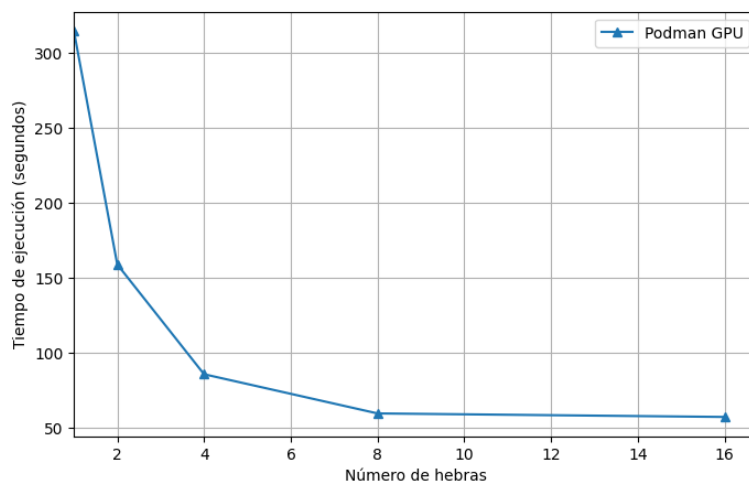


Figura 5.15: Tiempo de ejecución en un único nodo con contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU + GPU).

En la tabla 5.12 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

El tiempo de ejecución disminuye drásticamente al aumentar el número de hebras, alcanzando una reducción del 81.84 % con 16 hebras respecto a la ejecución con una sola hebra.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-49.50 %) y de 2 a 4 hebras (-23.28 % adicional), lo que indica una excelente escalabilidad inicial.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1	314.51	0.00
2	158.84	-49.50
4	85.62	-72.78
8	59.47	-81.09
16	57.12	-81.84

Tabla 5.12: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en contenedores de Ubuntu gestionados por Podman (CPU + GPU).

A partir de 8 hebras, la reducción en el tiempo de ejecución se estabiliza y el beneficio adicional es muy pequeño; el tiempo con 16 hebras es solo ligeramente menor que con 8 hebras.

Estos resultados muestran que, en este entorno con Podman y CPU+GPU, el uso óptimo se encuentra en torno a 8 hebras, ya que aumentar más allá de este valor no aporta mejoras significativas y puede generar sobrecarga.

Comparativa contenedores vs nativo

En la figura 5.16 se muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones nativas y en contenedores de Ubuntu para CPU.

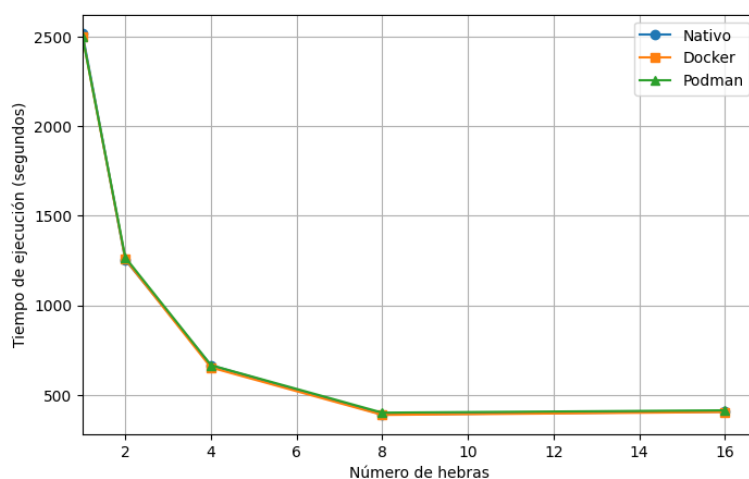


Figura 5.16: Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de hebras, para CPU.

En la tabla 5.13 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

La tabla compara los tiempos de ejecución entre los entornos nativo,

Hebras	Nativo (s)	Docker (s)	Docker Δ %	Podman (s)	Podman Δ %
1.00	2515.21	2499.09	-0.64	2499.16	-0.64
2.00	1253.18	1255.95	0.22	1266.51	1.06
4.00	664.69	652.33	-1.86	665.38	0.10
8.00	390.72	388.04	-0.69	400.51	2.51
16.00	406.76	404.09	-0.66	413.53	1.66

Tabla 5.13: Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de hebras y variación porcentual respecto a nativo (CPU, mononodo).

Docker y Podman en un escenario mononodo utilizando únicamente CPU y diferentes números de hebras, mostrando además la variación porcentual de los contenedores respecto al entorno nativo. Con una hebra, tanto Docker como Podman presentan tiempos de ejecución ligeramente inferiores al nativo, con una reducción del 0.64 %, lo que indica que la sobrecarga de los contenedores es prácticamente inexistente en este caso. Al aumentar a dos hebras, Docker muestra un incremento mínimo del 0.22 % y Podman del 1.06 %, lo que sugiere que la eficiencia de los contenedores se mantiene muy próxima a la del entorno nativo. Con cuatro hebras, Docker logra una mejora del 1.86 % respecto al nativo, mientras que Podman se mantiene prácticamente igual, lo que podría estar relacionado con pequeñas diferencias en la gestión de recursos internos. Al incrementar el número de hebras a ocho y dieciséis, las diferencias siguen siendo muy reducidas, con Docker mostrando ligeras mejoras y Podman presentando incrementos moderados, pero siempre dentro de un margen muy estrecho. En conjunto, estos resultados evidencian que el uso de contenedores en un entorno mononodo y CPU no introduce penalizaciones significativas en el rendimiento y, en algunos casos, puede incluso aportar pequeñas mejoras, confirmando la viabilidad de Docker y Podman para la ejecución eficiente de aplicaciones paralelas en este tipo de escenarios.

La figura 5.17 muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones nativas y en contenedores de Ubuntu para CPU + GPU.

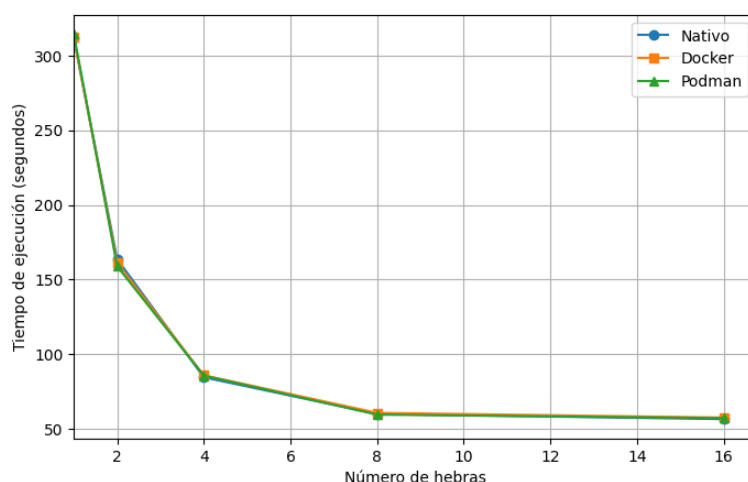


Figura 5.17: Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de hebras, para CPU + GPU.

En la tabla 5.14 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

Hebras	Nativo (s)	Docker (s)	Docker Δ %	Podman (s)	Podman Δ %
1.00	2515.21	2499.09	-0.64	2499.16	-0.64
2.00	1253.18	1255.95	0.22	1266.51	1.06
4.00	664.69	652.33	-1.86	665.38	0.10
8.00	390.72	388.04	-0.69	400.51	2.51
16.00	406.76	404.09	-0.66	413.53	1.66

Tabla 5.14: Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de hebras y variación porcentual respecto a nativo (CPU + GPU, mononodo).

La tabla compara los tiempos de ejecución entre los entornos nativo, Docker y Podman en un escenario mononodo con CPU + GPU, mostrando también la variación porcentual de los contenedores respecto al entorno nativo para diferentes números de hebras. Los resultados indican que las diferencias de rendimiento entre la ejecución nativa y en contenedores son mínimas. Con una hebra, tanto Docker como Podman presentan tiempos de ejecución ligeramente inferiores al nativo (reducción del 0.64%), lo que sugiere que la sobrecarga de los contenedores es prácticamente inexistente en este caso. Al aumentar el número de hebras, las diferencias siguen siendo muy pequeñas: Docker oscila entre ligeras mejoras y pequeñas penalizaciones (máximo -1.86 % y 0.22 %), mientras que Podman muestra valores similares, con variaciones que no superan el 2.51 %. En conjunto, estos resultados evidencian que el uso de contenedores Docker o Podman en un entorno

mononodo con CPU + GPU no introduce penalizaciones significativas en el rendimiento respecto a la ejecución nativa, confirmando la viabilidad de ambas tecnologías para la ejecución eficiente de aplicaciones paralelas en este tipo de escenarios.

5.2.3. Ejecución en contenedores de Windows

CPU

En la figura 5.18 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con Docker en Windows.

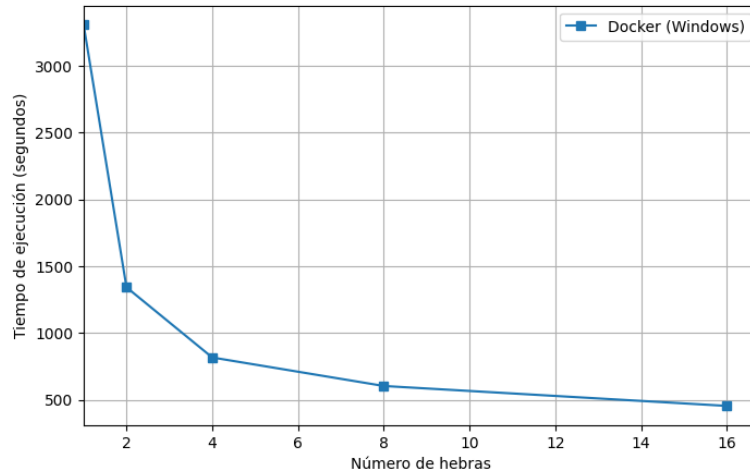


Figura 5.18: Tiempo de ejecución en un único nodo con Docker en Windows (CPU).

En la tabla 5.15 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1.00	3308.08	0.00
2.00	1341.41	-59.45
4.00	816.06	-75.33
8.00	602.60	-81.78
16.00	453.44	-86.29

Tabla 5.15: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Docker sobre Windows (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye de forma significativa al aumentar el número de hebras, alcanzando una reducción del 86.29% con 16 hebras

respecto a la ejecución con una sola hebra.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-59.45 %) y de 2 a 4 hebras (-39.46 % adicional), lo que indica una excelente escalabilidad inicial.

A medida que se incrementa el número de hebras, la reducción en el tiempo de ejecución se mantiene, aunque con beneficios marginales decrecientes a partir de 8 hebras.

Estos resultados muestran que, en Docker sobre Windows (CPU), el uso de múltiples hebras es muy eficiente y permite aprovechar el paralelismo, siendo recomendable utilizar el mayor número de hebras posible para minimizar el tiempo de ejecución.

En la figura 5.19 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con Podman en Windows.

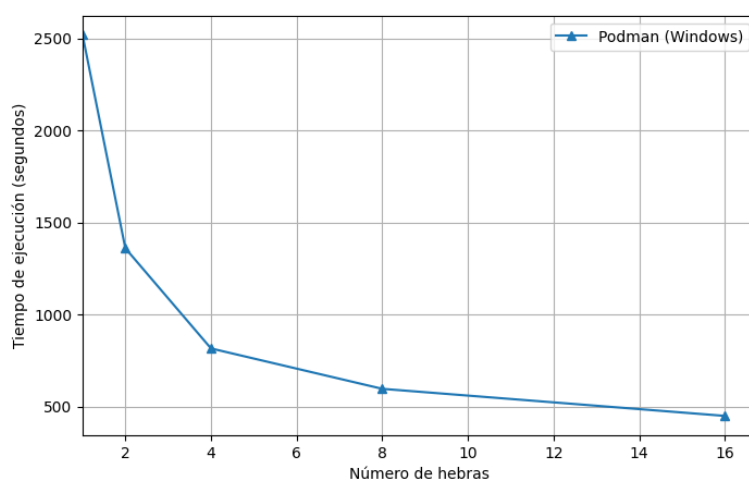


Figura 5.19: Tiempo de ejecución en un único nodo con Podman en Windows (CPU).

En la tabla 5.16 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

El tiempo de ejecución disminuye notablemente al aumentar el número de hebras, alcanzando una reducción del 82.21 % con 16 hebras respecto a una sola hebra.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-46.05 %) y de 2 a 4 hebras (-21.61 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la reducción en el tiempo de ejecución continúa, aunque los beneficios adicionales son menores, mostrando una tendencia a

Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	2520.21	0.00
2.00	1359.69	-46.05
4.00	815.04	-67.66
8.00	595.54	-76.37
16.00	448.43	-82.21

Tabla 5.16: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Podman sobre Windows (CPU).

estabilizarse.

Estos resultados indican que, en Podman sobre Windows (CPU), el uso de múltiples hebras es eficiente y permite aprovechar el paralelismo, siendo recomendable utilizar el mayor número de hebras posible para reducir el tiempo de ejecución, aunque las ganancias adicionales disminuyen a partir de 8 hebras.

CPU + GPU

5.2.4. Ejecución en contenedores de Mac

CPU

En la figura 5.20 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con Docker en Mac.

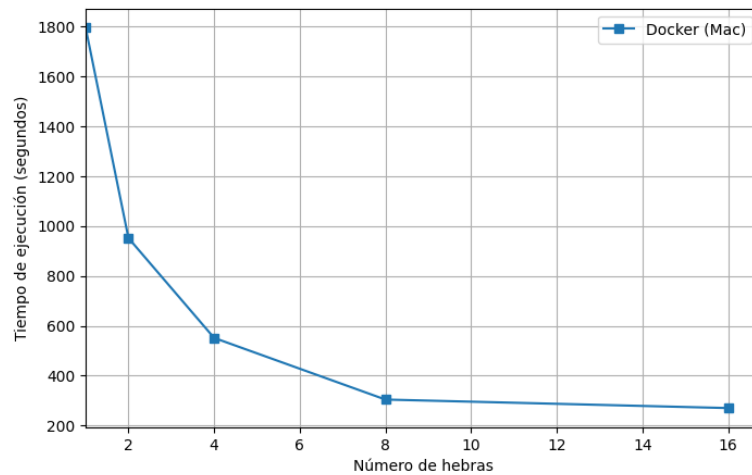


Figura 5.20: Tiempo de ejecución en un único nodo con Docker en Mac (CPU).

En la tabla 5.17 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 hebra
1.00	1794.98	0.00
2.00	951.56	-46.99
4.00	551.41	-69.28
8.00	304.35	-83.04
16.00	270.25	-84.94

Tabla 5.17: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Docker sobre Mac (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye considerablemente al aumentar el número de hebras, alcanzando una reducción del 84.94 % con 16 hebras respecto a una sola hebra.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-46.99 %) y de 2 a 4 hebras (-22.29 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la reducción en el tiempo de ejecución se estabiliza, con beneficios adicionales menores al incrementar a 16 hebras.

Estos resultados muestran que, en Docker sobre Mac (CPU), el uso de múltiples hebras es eficiente y permite aprovechar el paralelismo, siendo recomendable utilizar el mayor número de hebras posible para minimizar el tiempo de ejecución, aunque las ganancias adicionales disminuyen a partir de 8 hebras.

En la figura 5.21 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un único nodo con Podman en Mac.

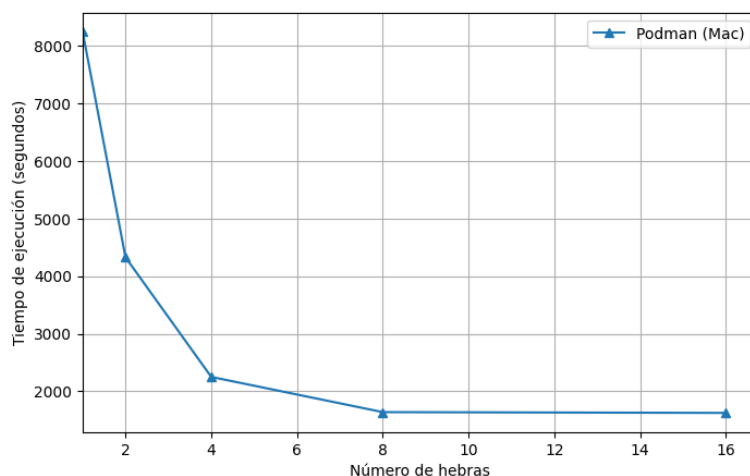


Figura 5.21: Tiempo de ejecución en un único nodo con Podman en Mac (CPU).

En la tabla 5.18 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	8247.00	0.00
2.00	4328.00	-47.52
4.00	2250.20	-72.71
8.00	1638.79	-80.13
16.00	1625.19	-80.29

Tabla 5.18: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra en Podman sobre Mac (CPU).

El tiempo de ejecución disminuye de forma muy significativa al aumentar el número de hebras, alcanzando una reducción del 80.29 % con 16 hebras respecto a una sola hebra.

La mayor mejora relativa se observa al pasar de 1 a 2 hebras (-47.52 %) y de 2 a 4 hebras (-25.19 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial.

A partir de 8 hebras, la reducción en el tiempo de ejecución se estabiliza, con beneficios adicionales mínimos al incrementar a 16 hebras (solo -0.16 % respecto a 8 hebras).

Estos resultados muestran que, en Podman sobre Mac (CPU), el uso de múltiples hebras es eficiente hasta cierto punto, pero las ganancias adicionales más allá de 8 hebras son muy limitadas, sugiriendo que el paralelismo óptimo se alcanza alrededor de ese valor.

5.3. Pruebas multinodo

5.3.1. Ejecución en Ubuntu en nativo

CPU

La figura 5.22 muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con Ubuntu nativo.

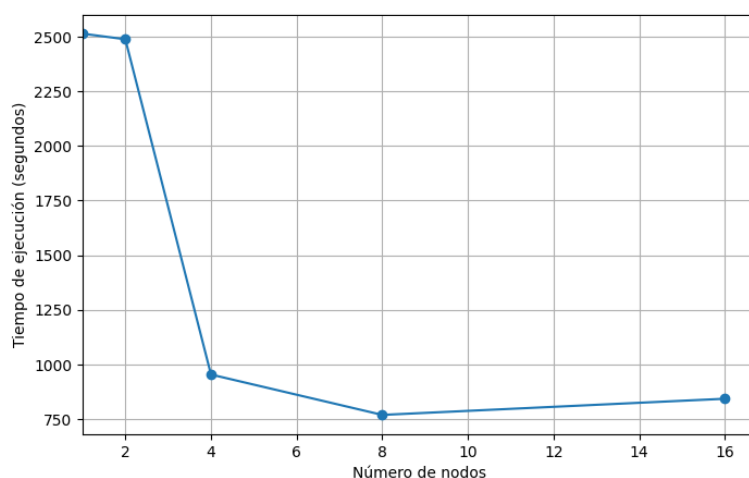


Figura 5.22: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.19 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo de ejecución (s)	Δ % vs 1 nodo
1	2515.21	0.00
2	2489.49	-1.02
4	952.85	-62.12
8	767.87	-69.47
16	841.96	-66.53

Tabla 5.19: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo Ubuntu nativo (CPU).

La tabla muestra cómo varía el tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo Ubuntu nativo usando CPU. Se observa que:

Al pasar de 1 a 2 nodos, la reducción del tiempo es mínima (-1.02 %), lo que indica poca mejora. Con 4 nodos, el tiempo baja significativamen-

te (-62.12 %), mostrando una mejora notable en la paralelización. Con 8 nodos, la reducción es aún mayor (-69.47 %), aunque el beneficio adicional respecto a 4 nodos es menor. Al aumentar a 16 nodos, el tiempo de ejecución aumenta ligeramente respecto a 8 nodos y la reducción porcentual disminuye (-66.53 %), lo que sugiere que a partir de cierto punto añadir más nodos no mejora el rendimiento e incluso puede empeorarlo, posiblemente por sobrecarga de comunicación o gestión.

En resumen, la eficiencia de la paralelización mejora hasta cierto número de nodos, pero después se observa un efecto de saturación o incluso degradación del rendimiento.

En la figura 5.23 se muestra el porcentaje de uso de CPU y la eficiencia en función del número de nodos en un entorno multinodo con Ubuntu nativo.

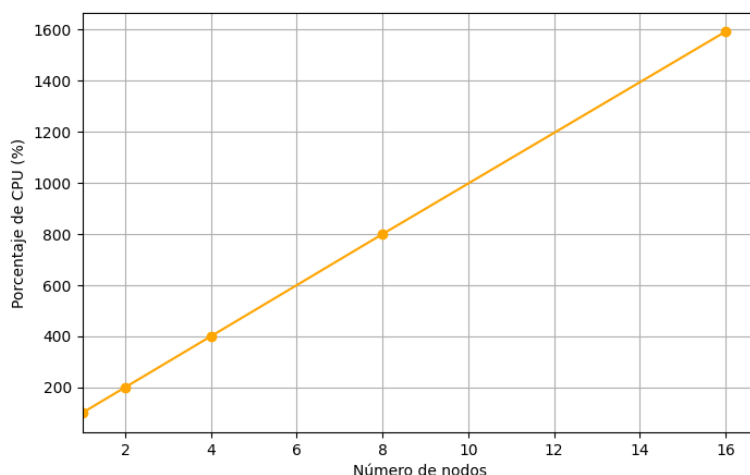


Figura 5.23: Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de nodos en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.20 se presentan los porcentajes de uso de CPU y la eficiencia correspondiente.

Nodos	Porcentaje de CPU (%)	Max uso CPU (%)	Eficiencia CPU (%)
1	99.00	100.00	99.00
2	199.00	200.00	99.50
4	399.00	400.00	99.75
8	799.00	800.00	99.88
16	1592.00	1600.00	99.50

Tabla 5.20: Porcentaje de uso de CPU y eficiencia en función del número de nodos en Ubuntu nativo (CPU) en entorno multinodo.

La tabla muestra el porcentaje de uso de CPU y la eficiencia al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo Ubuntu nativo (CPU):

El uso de CPU escala casi linealmente con el número de nodos, lo que indica que los recursos se están utilizando de manera efectiva. El valor "Max uso CPU" representa el uso máximo teórico (número de nodos \times 100 %), y el uso real está muy cerca de ese máximo en todos los casos. La eficiencia de CPU se mantiene muy alta (entre 99.00 % y 99.88 %) para todos los escenarios, lo que sugiere que la sobrecarga de paralelización es mínima y que el sistema aprovecha casi todo el potencial de los recursos disponibles. Solo con 16 nodos se observa una ligera caída en la eficiencia (99.50 %), pero sigue siendo excelente.

En resumen, el sistema mantiene una eficiencia de CPU muy alta al escalar el número de nodos, lo que indica una buena gestión de los recursos y una paralelización efectiva en este entorno.

CPU + GPU

La figura 5.24 muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno multinodo con Ubuntu nativo.

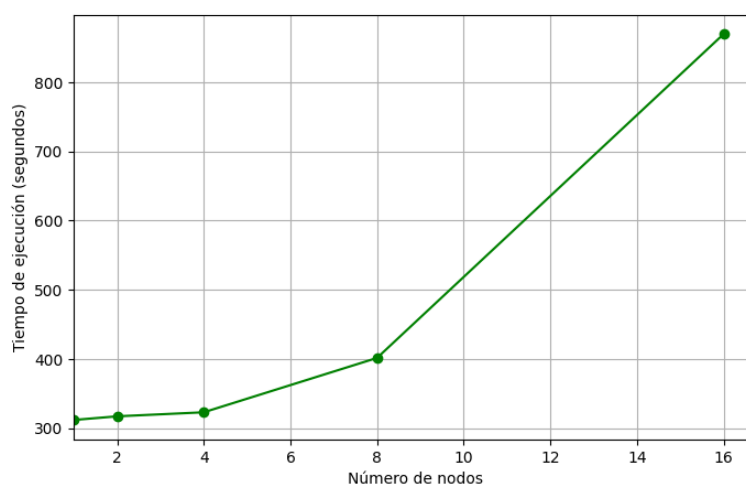


Figura 5.24: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en Ubuntu nativo (CPU + GPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.21 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la variación porcentual al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo Ubuntu nativo utilizando CPU y GPU:

Nodos	Tiempo (s)	Δ % vs 1 nodo
1	311.68	0.00
2	316.92	1.68
4	322.77	3.56
8	401.33	28.76
16	869.40	178.94

Tabla 5.21: Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo Ubuntu nativo (CPU + GPU).

Con un solo nodo, el tiempo base es de 311.68s. Al incrementar a 2 y 4 nodos, el tiempo de ejecución aumenta ligeramente (316.92s y 322.77s), lo que implica una pequeña penalización en lugar de una mejora (variaciones positivas del 1.68 % y 3.56 %). Con 8 nodos, el tiempo sube notablemente hasta 401.33 s (+28.76 %), y con 16 nodos el incremento es aún mayor (869.40s, +178.94 %).

Estos resultados indican que, a diferencia del caso solo CPU, al añadir más nodos con GPU el rendimiento empeora progresivamente. Es probable que la sobrecarga de comunicación, la gestión de recursos compartidos o la falta de escalabilidad de la aplicación para GPU estén afectando negativamente. En este entorno, la paralelización no solo no aporta beneficios, sino que resulta contraproducente a partir de más de un nodo.

Comparativa CPU vs CPU + GPU

En la figura 5.25 se muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones CPU y CPU + GPU en un entorno multinodo con Ubuntu nativo.

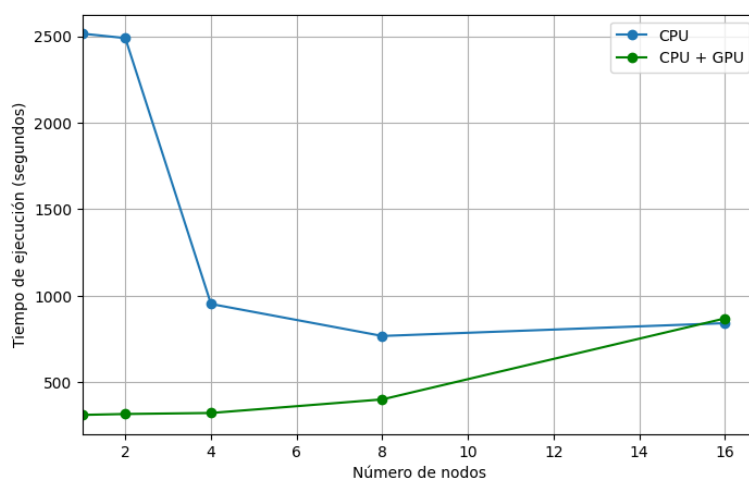


Figura 5.25: Comparativa de tiempo de ejecución entre CPU y CPU + GPU en función del número de nodos en Ubuntu nativo en entorno multinodo.

En la tabla 5.22 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

Nodos	Tiempo CPU (s)	Tiempo CPU+GPU (s)	Variación (%)
1	2515.21	311.68	-87.61
2	2489.49	316.92	-87.27
4	952.85	322.77	-66.13
8	767.87	401.33	-47.73
16	841.96	869.40	3.26

Tabla 5.22: Comparativa de tiempos de ejecución entre CPU y CPU+GPU en función del número de nodos en Ubuntu nativo (multinodo) y variación porcentual.

La tabla muestra que, con uno y dos nodos, la configuración CPU+GPU es considerablemente más rápida que la opción solo CPU, con reducciones de tiempo superiores al 87 %. Esto evidencia un beneficio claro del uso de GPU en escenarios con pocos nodos. Al aumentar a cuatro y ocho nodos, la ventaja de la GPU disminuye: la reducción es del 66.13 % con cuatro nodos y del 47.73 % con ocho nodos. Aunque la GPU sigue proporcionando mejores tiempos, la diferencia se reduce conforme se incrementa el número de nodos. Con dieciséis nodos, la situación se invierte y el tiempo de CPU+GPU resulta ligeramente superior al de solo CPU, con una variación positiva del 3.26 %. Esto sugiere que, a partir de cierto punto, la sobrecarga asociada al uso de GPU y la comunicación entre nodos supera los beneficios de la aceleración.

En resumen, el uso de GPU aporta grandes mejoras en los tiempos de

ejecución para un bajo número de nodos, pero su escalabilidad es limitada. A medida que se incrementa el número de nodos, la eficiencia de la GPU disminuye y puede llegar a ser contraproducente, probablemente debido a la sobrecarga de comunicación y la gestión de recursos en entornos multinodo.

5.3.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu

CPU

En la figura 5.26 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Ubuntu.

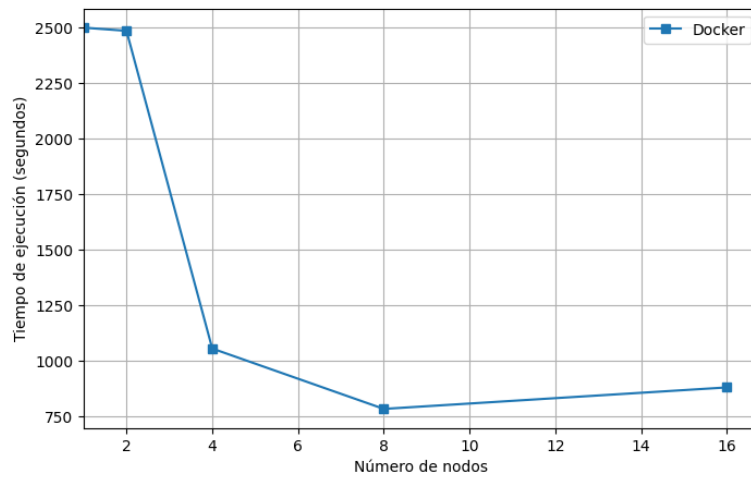


Figura 5.26: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.23 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 nodo
1	2499.09	0.00
2	2484.80	-0.57
4	1054.20	-57.82
8	782.42	-68.69
16	879.20	-64.82

Tabla 5.23: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Ubuntu (CPU).

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual al

aumentar el número de nodos en un entorno multinodo basado en contenedores de Ubuntu (CPU):

De 1 a 2 nodos, la mejora es mínima (-0.57 %), lo que indica que la paralelización apenas aporta beneficio en este rango. Con 4 nodos, la reducción es significativa (-57.82 %), mostrando una mejora clara en el rendimiento gracias a la paralelización. Con 8 nodos, la reducción alcanza el -68.69 %, lo que indica un buen aprovechamiento de los recursos al escalar. Con 16 nodos, el tiempo de ejecución aumenta ligeramente respecto a 8 nodos y la reducción porcentual disminuye a -64.82 %, lo que sugiere que a partir de cierto punto la eficiencia se ve limitada, posiblemente por la sobrecarga de coordinación y comunicación entre contenedores.

En resumen, el entorno con contenedores de Ubuntu permite una buena escalabilidad hasta 8 nodos, con mejoras notables en el tiempo de ejecución. Sin embargo, al aumentar a 16 nodos, la eficiencia disminuye, mostrando un comportamiento similar al entorno nativo: la paralelización es efectiva hasta cierto límite, tras el cual la sobrecarga afecta negativamente al rendimiento.

En la figura 5.27 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Podman.

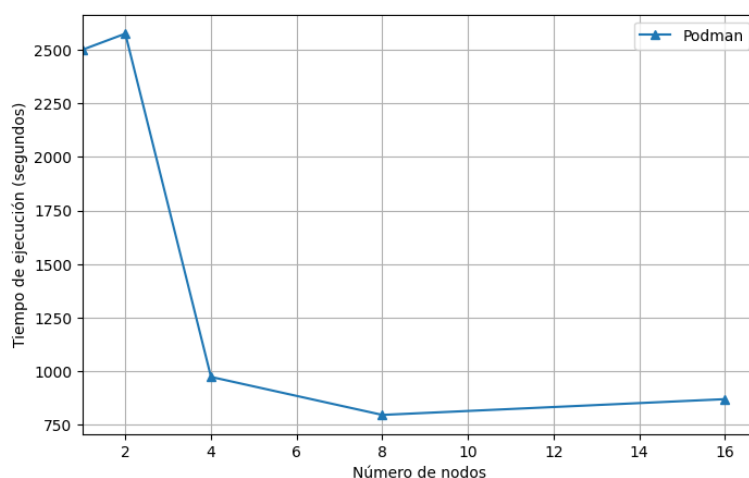


Figura 5.27: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.24 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra cómo varía el tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo utilizando contenedores de Podman sobre CPU. Con un solo nodo se establece el tiempo base, mientras que al duplicar el número de nodos a dos, se observa un ligero aumento en el tiempo

Nodos	Tiempo (s)	Δ % vs 1 nodo
1	2499.16	0.00
2	2574.04	3.00
4	973.92	-61.03
8	796.84	-68.12
16	870.28	-65.18

Tabla 5.24: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman (CPU).

de ejecución, lo que indica que la paralelización no solo no aporta mejoras en este caso, sino que introduce una pequeña penalización, probablemente debida a la sobrecarga de gestión de los contenedores. Sin embargo, al incrementar a cuatro nodos, el tiempo de ejecución disminuye considerablemente, reflejando una reducción del 61.03 % respecto al caso de un nodo, lo que evidencia una mejora significativa en el rendimiento gracias a la paralelización. Esta tendencia positiva se mantiene con ocho nodos, donde la reducción alcanza el 68.12 %, mostrando un buen aprovechamiento de los recursos disponibles. No obstante, al aumentar a dieciséis nodos, el tiempo de ejecución vuelve a incrementarse ligeramente y la reducción porcentual disminuye a 65.18 %, lo que sugiere que, a partir de cierto punto, la eficiencia de la paralelización se ve limitada, posiblemente por la sobrecarga de coordinación y comunicación entre los contenedores. En conjunto, el entorno con Podman permite una escalabilidad efectiva hasta un número intermedio de nodos, pero muestra limitaciones cuando se incrementa excesivamente el grado de paralelismo.

CPU + GPU

En la figura 5.28 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno multinodo con contenedores de Ubuntu.

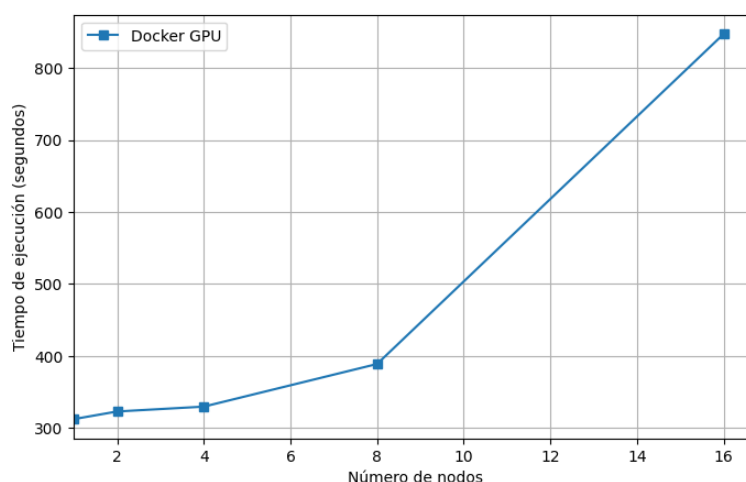


Figura 5.28: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.25 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 nodo
1	312.18	0.00
2	322.77	3.39
4	329.54	5.56
8	388.78	24.54
16	847.37	171.44

Tabla 5.25: Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).

La tabla refleja el comportamiento del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Ubuntu utilizando tanto CPU como GPU. Con un solo nodo, el tiempo de ejecución es el más bajo, sirviendo como referencia para el resto de configuraciones. Al incrementar a dos y cuatro nodos, lejos de mejorar, el tiempo de ejecución aumenta ligeramente, lo que se traduce en una variación porcentual positiva y evidencia que la paralelización en este contexto no resulta beneficiosa, probablemente debido a la sobrecarga de coordinación y a la gestión de recursos entre los contenedores y las GPUs. Esta tendencia se acentúa al llegar a ocho nodos, donde el tiempo de ejecución sigue incrementándose y la penalización alcanza el 24.54 %. Finalmente, con dieciséis nodos, el tiempo de ejecución se eleva de forma considerable, con una variación porcentual del 171.44 % respecto al caso de un solo nodo. Estos resultados indican que, en este entorno, la escalabilidad es muy limitada y que el uso combinado de contenedores

y GPU no solo no aporta mejoras al aumentar el número de nodos, sino que puede llegar a ser claramente contraproducente, probablemente por la complejidad añadida en la gestión de los recursos y la comunicación entre nodos.

En la figura 5.29 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno multinodo con contenedores de Podman.

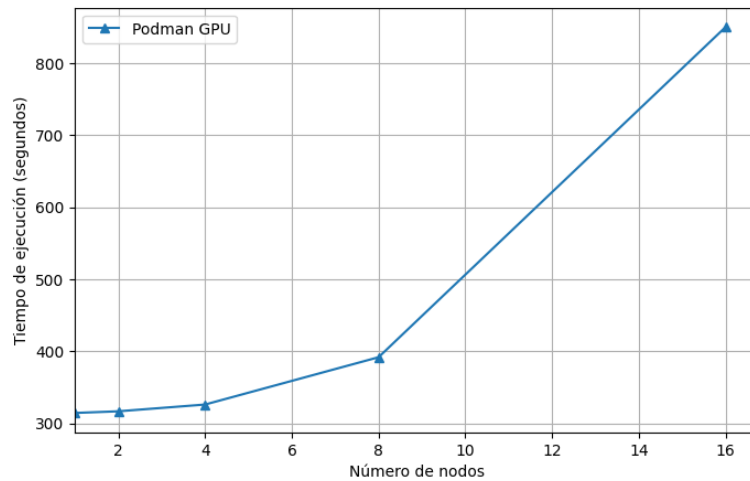


Figura 5.29: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.26 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	Δ % vs 1 nodo
1	314.51	0.00
2	316.80	0.73
4	326.20	3.72
8	391.86	24.59
16	850.18	170.32

Tabla 5.26: Tiempos de ejecución y variación porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman (CPU + GPU).

La tabla muestra la evolución del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Podman utilizando tanto CPU como GPU. Con un solo nodo, el tiempo de ejecución es el más bajo y sirve como referencia. Al pasar a dos y cuatro nodos, se observa un ligero incremento en el tiempo de ejecución, con variaciones porcentuales positivas que indican que la paralelización no aporta mejoras

y, de hecho, introduce una pequeña penalización, probablemente debida a la sobrecarga de coordinación y gestión de recursos entre los contenedores y las GPUs. Esta tendencia se intensifica al aumentar a ocho nodos, donde el tiempo de ejecución crece de manera más notable y la penalización alcanza el 24.59 %. Finalmente, con dieciséis nodos, el tiempo de ejecución se incrementa considerablemente, con una variación porcentual del 170.32 % respecto al caso de un solo nodo. Estos resultados evidencian que, en este entorno, la escalabilidad es muy limitada y que el uso combinado de contenedores Podman y GPU no solo no mejora el rendimiento al aumentar el número de nodos, sino que puede resultar claramente perjudicial, probablemente debido a la complejidad añadida en la gestión de recursos y la comunicación entre nodos.

Comparativa contenedores vs nativo

En la figura 5.30 se muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones nativo y contenedores de Ubuntu en un entorno multinodo con CPU.

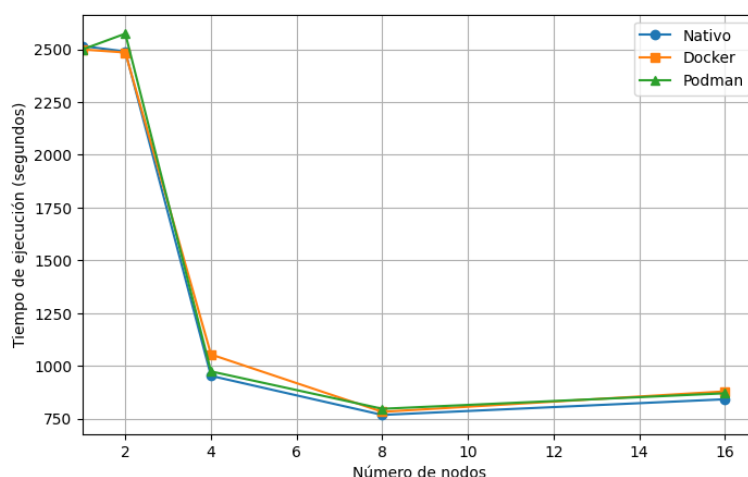


Figura 5.30: Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU).

En la tabla 5.27 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

La tabla presenta una comparación de los tiempos de ejecución entre los entornos nativo, Docker y Podman en un escenario multinodo utilizando únicamente CPU, así como la variación porcentual de los contenedores respecto al entorno nativo. Con un solo nodo, tanto Docker como Podman muestran

Nodos	Nativo (s)	Docker (s)	Docker Δ %	Podman (s)	Podman Δ %
1	2515.21	2499.09	-0.64	2499.16	-0.64
2	2489.49	2484.80	-0.19	2574.04	3.40
4	952.85	1054.20	10.64	973.92	2.21
8	767.87	782.42	1.89	796.84	3.77
16	841.96	879.20	4.42	870.28	3.36

Tabla 5.27: Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU) y variación porcentual respecto a nativo.

tiempos de ejecución ligeramente inferiores al nativo, con una reducción del 0.64 %, lo que indica que la sobrecarga de los contenedores es prácticamente inexistente en este caso. Al aumentar a dos nodos, Docker mantiene una ligera mejora, mientras que Podman experimenta un incremento del 3.40 % en el tiempo de ejecución, sugiriendo que la eficiencia de los contenedores puede variar según la tecnología empleada y la carga de trabajo. Con cuatro nodos, Docker presenta un aumento notable del 10.64 % respecto al nativo, mientras que Podman solo incrementa un 2.21 %, lo que podría estar relacionado con la gestión interna de los recursos y la coordinación entre contenedores. A medida que se incrementa el número de nodos a ocho y dieciséis, tanto Docker como Podman muestran incrementos moderados en los tiempos de ejecución respecto al entorno nativo, aunque las diferencias se mantienen en valores relativamente bajos. En conjunto, los resultados indican que el uso de contenedores en entornos multinodo con CPU introduce una sobrecarga mínima o moderada en la mayoría de los casos, siendo Docker algo más sensible a la escalabilidad en configuraciones intermedias. Sin embargo, la viabilidad de los contenedores para la ejecución de aplicaciones paralelas y distribuidas se mantiene, ya que las diferencias de rendimiento respecto al entorno nativo no son excesivamente significativas.

En la figura 5.31 se muestra una comparativa del tiempo de ejecución entre las configuraciones nativo y contenedores de Ubuntu en un entorno multinodo con CPU + GPU.

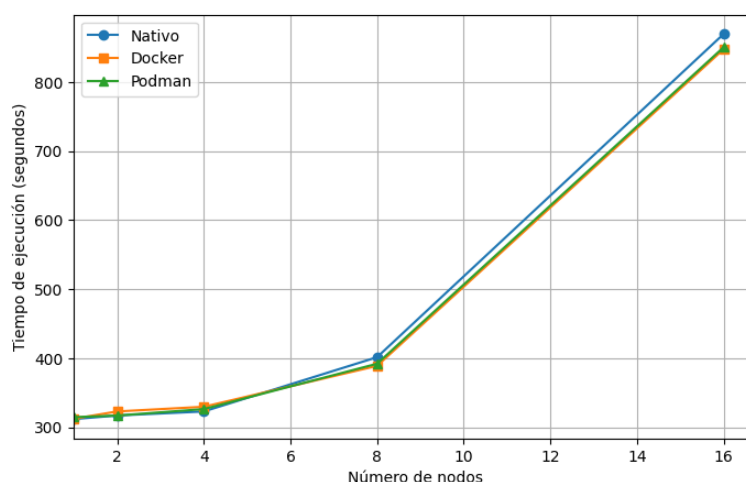


Figura 5.31: Comparativa de tiempo de ejecución entre nativo y contenedores de Ubuntu en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU + GPU).

En la tabla 5.28 se presentan los tiempos de ejecución para ambas configuraciones y la variación porcentual entre ellas.

Nodos	Nativo (s)	Docker (s)	Docker Δ %	Podman (s)	Podman Δ %
1	311.68	312.18	0.16	314.51	0.91
2	316.92	322.77	1.85	316.80	-0.04
4	322.77	329.54	2.10	326.20	1.06
8	401.33	388.78	-3.13	391.86	-2.36
16	869.40	847.37	-2.53	850.18	-2.21

Tabla 5.28: Comparativa de tiempos de ejecución entre nativo, Docker y Podman en función del número de nodos en entorno multinodo (CPU+GPU) y variación porcentual respecto a nativo.

La tabla compara los tiempos de ejecución en un entorno multinodo con CPU y GPU para las configuraciones nativa, Docker y Podman, mostrando también la variación porcentual de los contenedores respecto al entorno nativo. Con un solo nodo, tanto Docker como Podman presentan tiempos de ejecución prácticamente idénticos al entorno nativo, con diferencias inferiores al 1 %, lo que indica que la sobrecarga de los contenedores es despreciable en este escenario. Al aumentar a dos y cuatro nodos, Docker muestra un ligero incremento en el tiempo de ejecución respecto al nativo, mientras que Podman se mantiene prácticamente igual o con una diferencia muy pequeña, lo que sugiere que ambos sistemas de contenedores gestionan eficientemente la paralelización en estos casos. Sin embargo, al escalar a ocho y dieciséis nodos, tanto Docker como Podman presentan tiempos de ejecución lige-

ramente inferiores a los del entorno nativo, con variaciones negativas que indican una mejora marginal en el rendimiento. Este comportamiento puede deberse a pequeñas diferencias en la gestión de recursos o a la forma en que los contenedores distribuyen la carga de trabajo. En conjunto, los resultados muestran que el uso de contenedores, tanto Docker como Podman, no introduce penalizaciones significativas en el rendimiento respecto al entorno nativo y, en algunos casos, incluso puede aportar ligeras mejoras al aumentar el número de nodos, lo que demuestra la viabilidad de estas tecnologías para la ejecución de aplicaciones paralelas y distribuidas en entornos multinodo con aceleración por GPU.

5.3.3. Ejecución en contenedores de Windows

CPU

En la figura 5.32 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Windows.

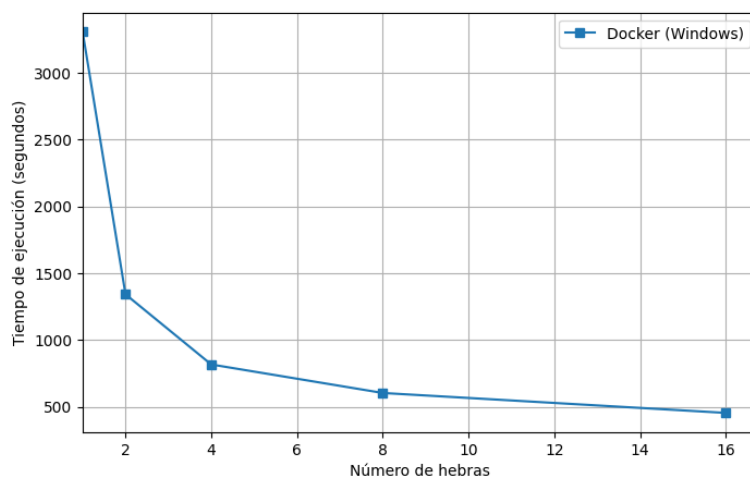


Figura 5.32: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Windows (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.29 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra la evolución del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Windows utilizando CPU. Con un solo nodo, el tiempo de ejecución es el más alto y sirve como referencia para el resto de configuraciones. Al duplicar el número de nodos a dos, se observa una reducción significativa del 18.11 % en el

Nodos	Tiempo (s)	Δ % vs 1 nodo
1	3308.08	0.00
2	2708.91	-18.11
4	1185.46	-64.16
8	1090.62	-67.03
16	930.79	-71.86

Tabla 5.29: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Windows (CPU).

tiempo de ejecución, lo que indica que la paralelización comienza a aportar beneficios claros. Esta mejora se acentúa al incrementar a cuatro nodos, donde la reducción alcanza el 64.16 %, reflejando una eficiencia notable en la distribución de la carga de trabajo. Con ocho nodos, la reducción porcentual es del 67.03 %, lo que demuestra que el sistema sigue escalando de manera eficiente. Finalmente, al llegar a dieciséis nodos, el tiempo de ejecución disminuye aún más, con una reducción del 71.86 % respecto al caso de un solo nodo. Estos resultados evidencian que el entorno multinodo con contenedores de Windows permite una escalabilidad efectiva y un aprovechamiento eficiente de los recursos al aumentar el número de nodos, logrando mejoras sustanciales en el rendimiento conforme se incrementa el grado de paralelismo.

En la figura 5.33 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Podman en Windows.

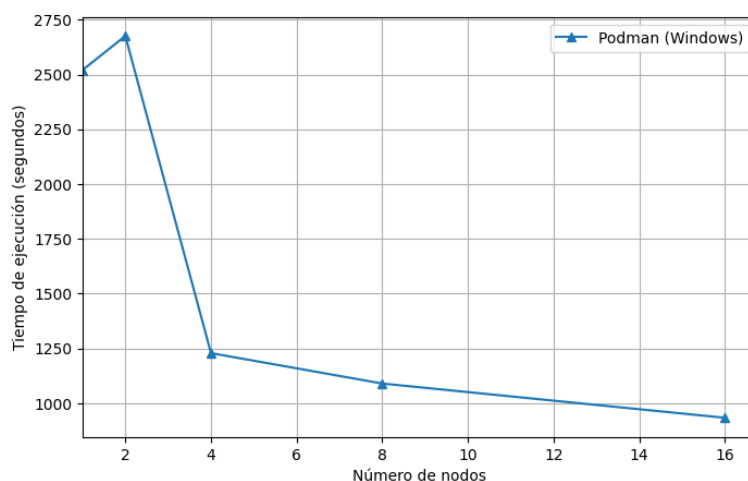


Figura 5.33: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.30 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción

porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	Δ % vs 1 nodo
1.00	2520.21	0.00
2.00	2675.94	6.18
4.00	1228.59	-51.25
8.00	1089.75	-56.76
16.00	933.45	-62.96

Tabla 5.30: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman en Windows (CPU).

La tabla presenta la evolución del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Podman sobre Windows utilizando CPU. Con un solo nodo, se establece el tiempo de referencia. Al pasar a dos nodos, se observa un incremento del 6.18 % en el tiempo de ejecución, lo que indica que la paralelización en este caso introduce una penalización inicial, probablemente debida a la sobrecarga de coordinación o a la gestión de recursos en el entorno de contenedores sobre Windows. Sin embargo, al aumentar a cuatro nodos, el tiempo de ejecución disminuye de forma considerable, con una reducción del 51.25 %, lo que evidencia una mejora significativa en el rendimiento gracias a la paralelización. Esta tendencia positiva se mantiene al escalar a ocho y dieciséis nodos, donde las reducciones alcanzan el 56.76 % y el 62.96 % respectivamente, mostrando que el sistema es capaz de aprovechar de manera eficiente los recursos adicionales a medida que se incrementa el número de nodos. En conjunto, los resultados indican que, aunque existe una penalización inicial al duplicar los nodos, el entorno multinodo con contenedores de Podman en Windows logra una escalabilidad efectiva y una mejora sustancial del rendimiento a partir de cuatro nodos, confirmando la viabilidad de esta tecnología para la ejecución de aplicaciones paralelas en este contexto.

CPU + GPU

5.3.4. Ejecución en contenedores de Mac

CPU

En la figura 5.34 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Mac.

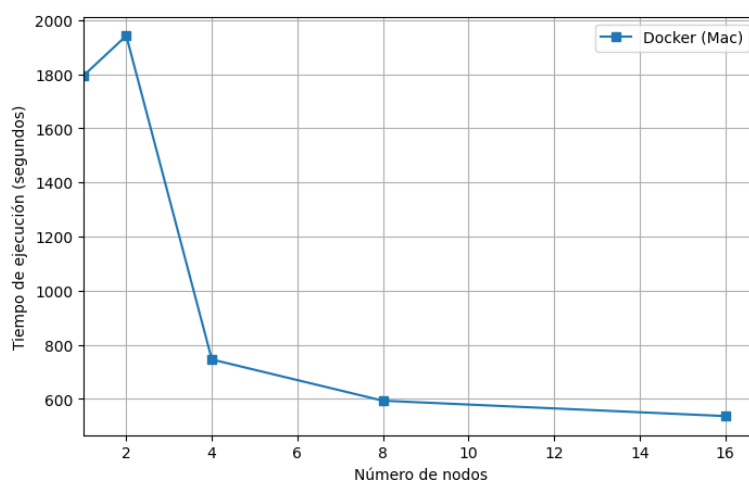


Figura 5.34: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Mac (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.31 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 nodo
1.00	1794.98	0.00
2.00	1942.42	8.21
4.00	745.84	-58.45
8.00	593.47	-66.94
16.00	536.60	-70.11

Tabla 5.31: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Mac (CPU).

La tabla muestra la evolución del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Docker sobre Mac utilizando CPU. Con un solo nodo, se establece el tiempo de referencia. Al pasar a dos nodos, se observa un incremento del 8.21 % en el tiempo de ejecución, lo que indica que la paralelización inicial introduce una penalización, probablemente debida a la sobrecarga de coordinación o a limitaciones en la gestión de recursos en el entorno de contenedores sobre Mac. Sin embargo, al aumentar a cuatro nodos, el tiempo de ejecución disminuye de manera significativa, con una reducción del 58.45 %, lo que evidencia una mejora notable en el rendimiento gracias a la paralelización. Esta tendencia positiva se mantiene al escalar a ocho y dieciséis nodos, donde las reducciones alcanzan el 66.94 % y el 70.11 % respectivamente, mostrando que el sistema es capaz de aprovechar de manera eficiente los recursos adicionales a medida que se incrementa el número de nodos. En conjunto, los

resultados indican que, aunque existe una penalización inicial al duplicar los nodos, el entorno multinodo con contenedores de Docker en Mac logra una escalabilidad efectiva y una mejora sustancial del rendimiento a partir de cuatro nodos, confirmando la viabilidad de esta tecnología para la ejecución de aplicaciones paralelas en este contexto.

En la figura 5.35 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno multinodo con contenedores de Podman en Mac.

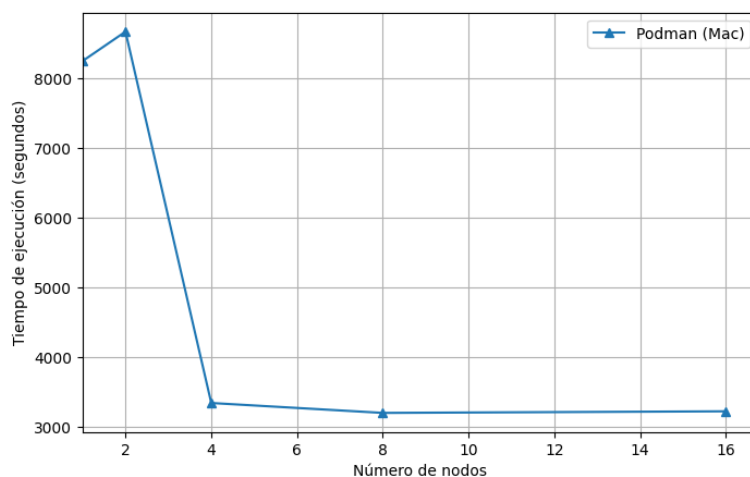


Figura 5.35: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU) en entorno multinodo.

En la tabla 5.32 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Tiempo (s)	$\Delta\%$ vs 1 nodo
1.00	8247.00	0.00
2.00	8668.00	5.10
4.00	3343.15	-59.46
8.00	3201.07	-61.19
16.00	3223.98	-60.91

Tabla 5.32: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a un nodo en entorno multinodo con contenedores de Podman en Mac (CPU).

La tabla muestra la evolución del tiempo de ejecución al aumentar el número de nodos en un entorno multinodo con contenedores de Podman sobre Mac utilizando CPU. Con un solo nodo, el tiempo de ejecución es el más alto y sirve como referencia. Al pasar a dos nodos, se observa un incremento del 5.10% en el tiempo de ejecución, lo que indica que la paralelización inicial introduce una penalización, probablemente relacionada con

la sobrecarga de coordinación o limitaciones en la gestión de recursos en este entorno. Sin embargo, al aumentar a cuatro nodos, el tiempo de ejecución disminuye de manera muy significativa, con una reducción del 59.46 %, lo que refleja una mejora notable en el rendimiento gracias a la paralelización. Esta mejora se mantiene al escalar a ocho y dieciséis nodos, donde las reducciones se sitúan en torno al 61 %, mostrando que el sistema es capaz de aprovechar de manera eficiente los recursos adicionales a partir de cuatro nodos. En conjunto, los resultados indican que, aunque existe una penalización inicial al duplicar los nodos, el entorno multinodo con contenedores de Podman en Mac logra una escalabilidad efectiva y una mejora sustancial del rendimiento a partir de cuatro nodos, confirmando la viabilidad de esta tecnología para la ejecución de aplicaciones paralelas en este contexto.

5.4. Pruebas de barrido de hebras

5.4.1. Ejecución en Ubuntu en nativo

CPU

En la figura 5.36 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno nativo con Ubuntu.

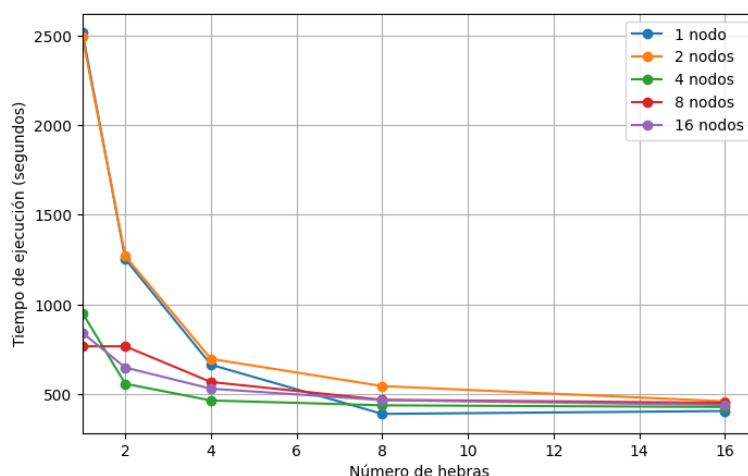


Figura 5.36: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).

En la tabla 5.33 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla recoge los tiempos de ejecución y la reducción porcentual res-

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	2515.21	0.00
1.00	2.00	1253.18	-50.18
1.00	4.00	664.69	-73.57
1.00	8.00	390.72	-84.47
1.00	16.00	406.76	-83.83
2.00	1.00	2489.49	0.00
2.00	2.00	1269.36	-49.01
2.00	4.00	697.22	-71.99
2.00	8.00	545.73	-78.08
2.00	16.00	460.89	-81.49
4.00	1.00	952.85	0.00
4.00	2.00	558.59	-41.38
4.00	4.00	465.64	-51.13
4.00	8.00	438.55	-53.97
4.00	16.00	429.30	-54.95
8.00	1.00	767.87	0.00
8.00	2.00	767.21	-0.09
8.00	4.00	568.34	-25.98
8.00	8.00	469.23	-38.89
8.00	16.00	452.19	-41.11
16.00	1.00	841.96	0.00
16.00	2.00	649.02	-22.92
16.00	4.00	531.22	-36.91
16.00	8.00	467.56	-44.47
16.00	16.00	440.44	-47.69

Tabla 5.33: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).

pecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en un entorno nativo de Ubuntu utilizando CPU. Al analizar los resultados, se observa que el mayor beneficio en la reducción del tiempo de ejecución se obtiene al incrementar el número de hebras en configuraciones de un solo nodo, alcanzando una reducción del 84.47 % con ocho hebras respecto a la ejecución secuencial. Sin embargo, al aumentar a dieciséis hebras, el tiempo de ejecución apenas mejora e incluso empeora ligeramente, lo que sugiere que el paralelismo óptimo se alcanza en torno a ocho hebras, probablemente coincidiendo con el número de núcleos físicos disponibles. Cuando se incrementa el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente, y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es

del 47.69 %, muy inferior a la obtenida en el caso mononodo. Esto indica que la sobrecarga de coordinación y comunicación entre nodos limita la eficiencia del paralelismo a medida que se incrementa el número de nodos, haciendo que el escalado no sea lineal. En resumen, el entorno nativo de Ubuntu permite un aprovechamiento muy eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se superan los límites físicos de la arquitectura o se incrementa la complejidad de la comunicación entre procesos.

En la figura 5.37 se muestra el uso de CPU para la configuración de CPU en un entorno nativo con Ubuntu.

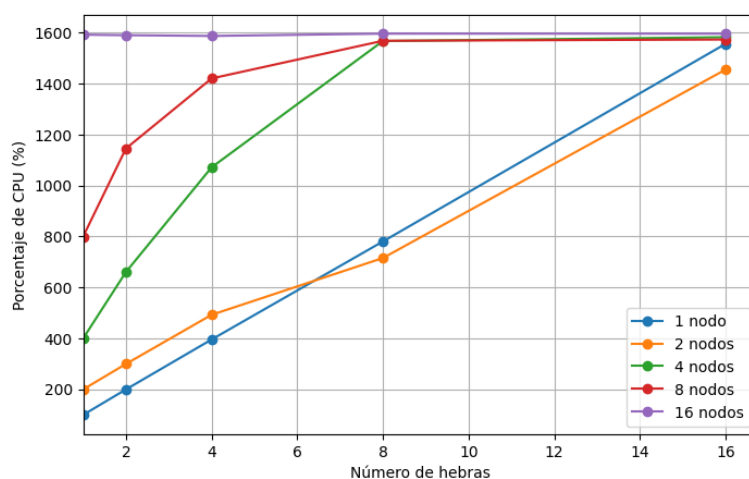


Figura 5.37: Uso de CPU en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).

En la tabla 5.34 se presentan los valores de uso de CPU para distintas combinaciones de nodos y hebras.

La tabla recoge el porcentaje de uso de CPU, el máximo teórico posible y la eficiencia alcanzada para diferentes combinaciones de nodos y hebras en un entorno nativo de Ubuntu. Cuando se utiliza un solo nodo, el uso de CPU crece de forma casi lineal con el número de hebras y la eficiencia se mantiene muy alta, siempre por encima del 97 %, lo que indica un excelente aprovechamiento de los recursos disponibles y una sobrecarga mínima asociada a la gestión de los hilos. Al aumentar el número de nodos, el uso total de CPU también crece, pero la eficiencia relativa disminuye de manera progresiva, especialmente cuando el número de hebras por nodo es bajo. Por ejemplo, con dos nodos y una hebra, la eficiencia es del 199 %, reflejando que se suman los recursos de ambos nodos, pero a medida que se incrementa el número de hebras, la eficiencia cae, situándose en torno al 90 % con dieciséis

Nodos	Hebras	CPU (%)	Max (%)	Efic. (%)
1.00	1.00	99.00	100.00	99.00
1.00	2.00	199.00	200.00	99.50
1.00	4.00	395.00	400.00	98.75
1.00	8.00	780.00	800.00	97.50
1.00	16.00	1556.00	1600.00	97.25
2.00	1.00	199.00	100.00	199.00
2.00	2.00	299.00	200.00	149.50
2.00	4.00	492.00	400.00	123.00
2.00	8.00	715.00	800.00	89.38
2.00	16.00	1455.00	1600.00	90.94
4.00	1.00	399.00	100.00	399.00
4.00	2.00	660.00	200.00	330.00
4.00	4.00	1071.00	400.00	267.75
4.00	8.00	1567.00	800.00	195.88
4.00	16.00	1582.00	1600.00	98.88
8.00	1.00	799.00	100.00	799.00
8.00	2.00	1145.00	200.00	572.50
8.00	4.00	1420.00	400.00	355.00
8.00	8.00	1568.00	800.00	196.00
8.00	16.00	1573.00	1600.00	98.31
16.00	1.00	1592.00	100.00	1592.00
16.00	2.00	1590.00	200.00	795.00
16.00	4.00	1587.00	400.00	396.75
16.00	8.00	1596.00	800.00	199.50
16.00	16.00	1596.00	1600.00	99.75

Tabla 5.34: Valores de uso de CPU, máximo teórico y eficiencia para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU).

hebras. Este patrón se repite y se acentúa al escalar a cuatro, ocho y dieciséis nodos, donde la eficiencia solo se mantiene cercana al 100 % cuando el número de hebras por nodo es máximo. En configuraciones con muchos nodos y pocas hebras, la eficiencia es baja, lo que evidencia que la sobrecarga de coordinación y la distribución de tareas penalizan el aprovechamiento de los recursos. Sin embargo, cuando se asigna el máximo número de hebras por nodo, la eficiencia vuelve a valores cercanos al 100 %, lo que sugiere que el sistema es capaz de escalar eficazmente siempre que se maximice el paralelismo interno de cada nodo. En conjunto, estos resultados muestran que el entorno nativo de Ubuntu permite un uso muy eficiente de la CPU en configuraciones mononodo y que, en escenarios multinodo, la eficiencia depende en gran medida de la relación entre el número de nodos y el número de hebras asignadas a cada uno.

CPU + GPU

En la figura 5.38 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno nativo con Ubuntu.

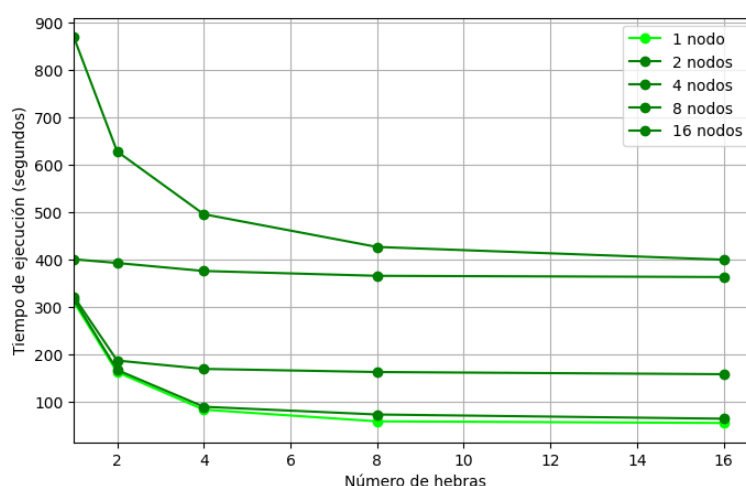


Figura 5.38: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).

En la tabla 5.35 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla recoge los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en un entorno nativo de Ubuntu utilizando CPU y GPU. Al analizar los resultados, se observa que el mayor beneficio en la reducción del tiempo de ejecución se obtiene al incrementar el número de hebras en configuraciones de un solo nodo, alcanzando una reducción del 81.89 % con dieciséis hebras respecto a la ejecución secuencial. El descenso del tiempo es especialmente acusado al pasar de una a dos hebras y de dos a cuatro, mientras que a partir de ocho hebras la mejora adicional es más limitada, lo que indica que el paralelismo óptimo se alcanza en torno a ese valor y que el sistema comienza a saturarse. Cuando se incrementa el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 53.94 %, muy inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con ocho nodos o más, el incremento de hebras apenas aporta mejoras, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de la GPU entre nodos limita la eficiencia del paralelismo. En resumen, la combinación de CPU y GPU permite un aprovechamiento muy eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia dis-

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	311.68	0.00
1.00	2.00	163.59	-47.51
1.00	4.00	84.49	-72.89
1.00	8.00	59.91	-80.78
1.00	16.00	56.45	-81.89
2.00	1.00	316.92	0.00
2.00	2.00	168.14	-46.95
2.00	4.00	90.58	-71.42
2.00	8.00	74.30	-76.56
2.00	16.00	65.40	-79.36
4.00	1.00	322.77	0.00
4.00	2.00	187.98	-41.76
4.00	4.00	170.38	-47.21
4.00	8.00	163.80	-49.25
4.00	16.00	159.22	-50.67
8.00	1.00	401.33	0.00
8.00	2.00	393.50	-1.95
8.00	4.00	376.68	-6.14
8.00	8.00	366.47	-8.69
8.00	16.00	363.94	-9.32
16.00	1.00	869.40	0.00
16.00	2.00	628.49	-27.71
16.00	4.00	496.28	-42.92
16.00	8.00	427.30	-50.85
16.00	16.00	400.48	-53.94

Tabla 5.35: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).

minuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de recursos compartidos.

En la figura 5.39 se muestra el uso de CPU para la configuración de CPU + GPU en un entorno nativo con Ubuntu.

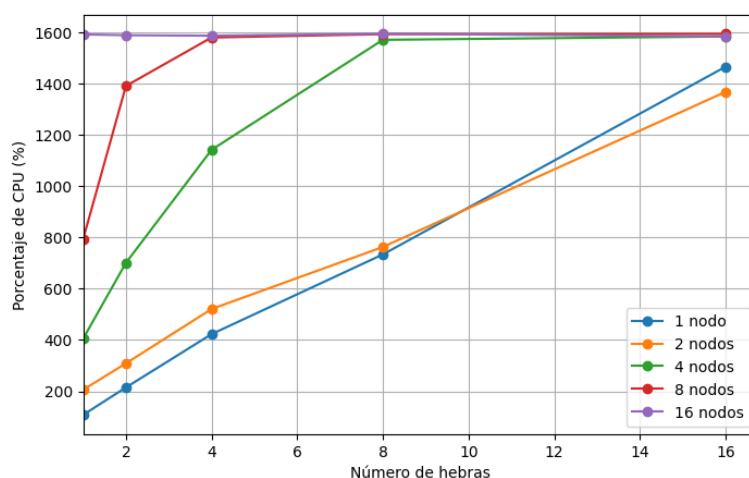


Figura 5.39: Uso de CPU en función del número de hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).

En la tabla 5.36 se presentan los valores de uso de CPU para distintas combinaciones de nodos y hebras.

La tabla presenta los valores de uso de CPU, el máximo teórico y la eficiencia para diferentes combinaciones de nodos y hebras en un entorno nativo de Ubuntu utilizando CPU y GPU. En configuraciones mononodo, el porcentaje de uso de CPU supera el 100% en todos los casos, lo que refleja la contribución de la GPU al cómputo total y explica que la eficiencia calculada también supere el 100% para valores bajos de hebras. A medida que se incrementa el número de hebras, la eficiencia disminuye ligeramente, situándose en torno al 91% con 8 y 16 hebras, lo que indica que el sistema sigue aprovechando bien los recursos, aunque la saturación y la sobrecarga empiezan a notarse.

Al aumentar el número de nodos, el uso total de CPU crece de forma proporcional, pero la eficiencia relativa desciende de manera más acusada cuando el número de hebras por nodo es bajo, alcanzando valores muy elevados (por encima del 200% o incluso del 700% en algunos casos) debido a la suma de recursos de CPU y GPU en todos los nodos. Sin embargo, a medida que se incrementa el número de hebras, la eficiencia tiende a estabilizarse en torno al 99% cuando se alcanza el máximo teórico de uso de CPU, lo que indica que el sistema es capaz de escalar eficazmente siempre que se maximice el paralelismo interno de cada nodo.

En conjunto, estos resultados muestran que la combinación de CPU y GPU permite un uso muy eficiente de los recursos en configuraciones mononodo y que, en escenarios multinodo, la eficiencia depende de la relación entre el número de nodos y el número de hebras asignadas, siendo óptima

Nodos	Hebras	CPU (%)	Max (%)	Efic. (%)
1.00	1.00	108.00	100.00	108.00
1.00	2.00	215.00	200.00	107.50
1.00	4.00	423.00	400.00	105.75
1.00	8.00	734.00	800.00	91.75
1.00	16.00	1466.00	1600.00	91.62
2.00	1.00	206.00	100.00	206.00
2.00	2.00	309.00	200.00	154.50
2.00	4.00	521.00	400.00	130.25
2.00	8.00	763.00	800.00	95.38
2.00	16.00	1368.00	1600.00	85.50
4.00	1.00	405.00	100.00	405.00
4.00	2.00	701.00	200.00	350.50
4.00	4.00	1142.00	400.00	285.50
4.00	8.00	1571.00	800.00	196.38
4.00	16.00	1584.00	1600.00	99.00
8.00	1.00	793.00	100.00	793.00
8.00	2.00	1391.00	200.00	695.50
8.00	4.00	1580.00	400.00	395.00
8.00	8.00	1593.00	800.00	199.12
8.00	16.00	1594.00	1600.00	99.62
16.00	1.00	1592.00	100.00	1592.00
16.00	2.00	1589.00	200.00	794.50
16.00	4.00	1587.00	400.00	396.75
16.00	8.00	1595.00	800.00	199.38
16.00	16.00	1584.00	1600.00	99.00

Tabla 5.36: Valores de uso de CPU, uso máximo teórico y eficiencia para distintas combinaciones de nodos y hebras en entorno nativo de Ubuntu (CPU + GPU).

cuando se aprovechan al máximo las capacidades de cómputo de cada nodo.

5.4.2. Ejecución en contenedores de Ubuntu

CPU

En la figura 5.40 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Ubuntu.

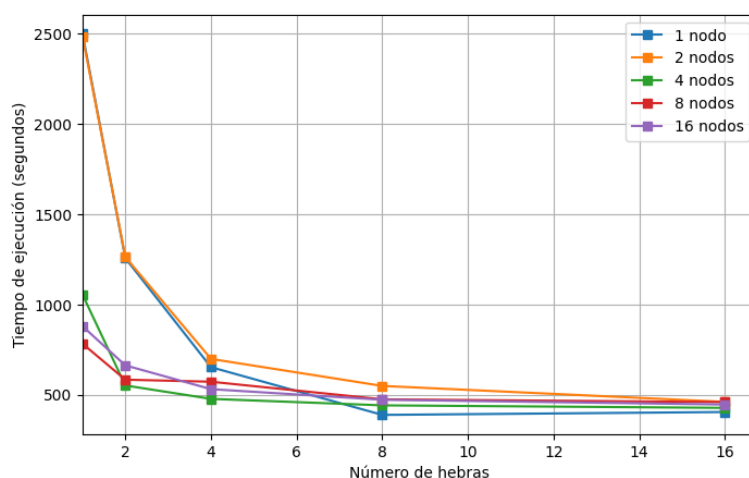


Figura 5.40: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU).

En la tabla 5.37 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Ubuntu utilizando CPU. Se observa que, en configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 84.47 % con ocho hebras respecto a la ejecución secuencial. Sin embargo, al aumentar a dieciséis hebras, el tiempo de ejecución apenas mejora e incluso empeora ligeramente, lo que indica que el paralelismo óptimo se sitúa en torno a ocho hebras, probablemente coincidiendo con el número de núcleos físicos disponibles. Al incrementar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 49.31 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con muchos nodos, el incremento de hebras aporta mejoras más limitadas, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos entre contenedores penalizan la eficiencia del paralelismo. En conjunto, el entorno con contenedores de Ubuntu permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de procesos distribuidos.

En la figura 5.41 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Podman.

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	2499.09	0.00
1.00	2.00	1255.95	-49.74
1.00	4.00	652.33	-73.90
1.00	8.00	388.04	-84.47
1.00	16.00	404.09	-83.83
2.00	1.00	2484.80	0.00
2.00	2.00	1262.23	-49.20
2.00	4.00	698.05	-71.91
2.00	8.00	548.49	-77.93
2.00	16.00	460.29	-81.48
4.00	1.00	1054.20	0.00
4.00	2.00	551.03	-47.73
4.00	4.00	476.76	-54.78
4.00	8.00	440.94	-58.17
4.00	16.00	426.96	-59.50
8.00	1.00	782.42	0.00
8.00	2.00	583.08	-25.48
8.00	4.00	571.72	-26.93
8.00	8.00	474.19	-39.39
8.00	16.00	459.06	-41.33
16.00	1.00	879.20	0.00
16.00	2.00	662.38	-24.66
16.00	4.00	530.59	-39.65
16.00	8.00	471.83	-46.33
16.00	16.00	445.63	-49.31

Tabla 5.37: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Ubuntu (CPU).

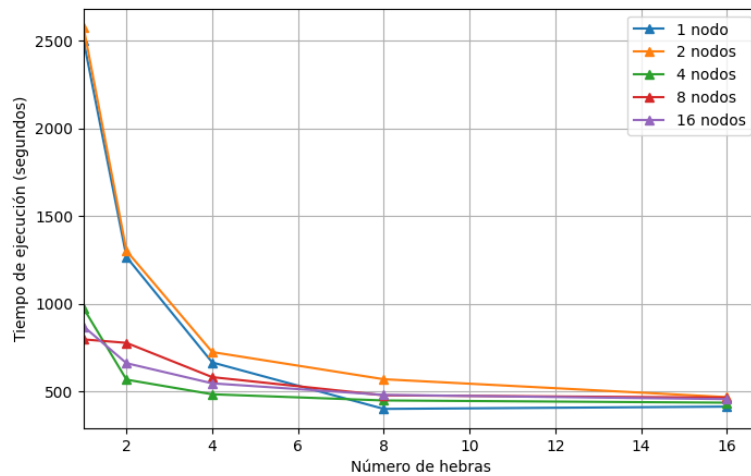


Figura 5.41: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).

En la tabla 5.38 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	2499.16	0.00
1.00	2.00	1266.51	-49.32
1.00	4.00	665.38	-73.38
1.00	8.00	400.51	-83.97
1.00	16.00	413.53	-83.45
2.00	1.00	2574.04	0.00
2.00	2.00	1301.72	-49.43
2.00	4.00	724.50	-71.85
2.00	8.00	569.61	-77.87
2.00	16.00	467.63	-81.83
4.00	1.00	973.92	0.00
4.00	2.00	567.28	-41.75
4.00	4.00	483.88	-50.32
4.00	8.00	448.66	-53.93
4.00	16.00	435.93	-55.24
8.00	1.00	796.84	0.00
8.00	2.00	776.89	-2.50
8.00	4.00	581.62	-27.01
8.00	8.00	477.89	-40.03
8.00	16.00	464.91	-41.66
16.00	1.00	870.28	0.00
16.00	2.00	661.10	-24.04
16.00	4.00	546.24	-37.23
16.00	8.00	480.46	-44.79
16.00	16.00	456.25	-47.57

Tabla 5.38: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman (CPU).

La tabla recoge los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman utilizando CPU. En configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 83.97 % con ocho hebras respecto a la ejecución secuencial. Sin embargo, al aumentar a dieciséis hebras, el tiempo de ejecución apenas mejora e incluso empeora ligeramente, lo que indica que el paralelismo óptimo se sitúa en torno a ocho hebras, probablemente coincidiendo con el número de núcleos físicos disponibles. Al incrementar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una he-

bra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 47.57 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con muchos nodos, el incremento de hebras aporta mejoras más limitadas, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos entre contenedores penalizan la eficiencia del paralelismo. En conjunto, el entorno con contenedores de Podman permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de procesos distribuidos.

CPU + GPU

En la figura 5.42 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno con contenedores de Ubuntu.

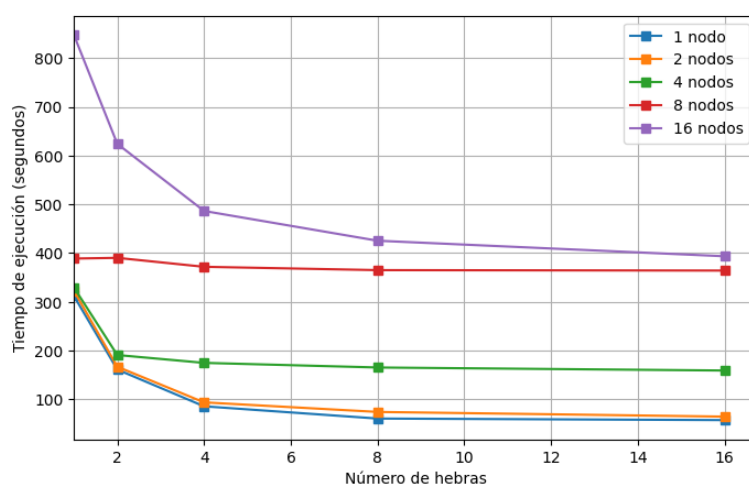


Figura 5.42: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Ubuntu (CPU + GPU).

En la tabla 5.39 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla recoge los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Ubuntu utilizando CPU y GPU. En configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 81.60 % con dieciséis hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se observa

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	312.18	0.00
1.00	2.00	161.10	-48.40
1.00	4.00	85.78	-72.52
1.00	8.00	60.65	-80.57
1.00	16.00	57.45	-81.60
2.00	1.00	322.77	0.00
2.00	2.00	166.99	-48.26
2.00	4.00	93.85	-70.92
2.00	8.00	74.22	-77.01
2.00	16.00	64.60	-79.99
4.00	1.00	329.54	0.00
4.00	2.00	190.95	-42.06
4.00	4.00	174.85	-46.94
4.00	8.00	165.36	-49.82
4.00	16.00	159.15	-51.71
8.00	1.00	388.78	0.00
8.00	2.00	390.25	0.38
8.00	4.00	371.88	-4.35
8.00	8.00	365.06	-6.10
8.00	16.00	364.13	-6.34
16.00	1.00	847.37	0.00
16.00	2.00	624.14	-26.34
16.00	4.00	486.42	-42.60
16.00	8.00	425.37	-49.80
16.00	16.00	393.49	-53.56

Tabla 5.39: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Ubuntu (CPU + GPU).

al pasar de una a dos hebras y de dos a cuatro, mientras que a partir de ocho hebras la mejora adicional es más limitada, lo que indica que el paralelismo óptimo se alcanza en torno a ese valor y que el sistema comienza a saturarse. Al aumentar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 53.56%, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con ocho nodos o más, el incremento de hebras apenas aporta mejoras, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de la GPU entre nodos limita la eficiencia del paralelismo. En conjunto, la combinación de CPU y GPU en contenedores de Ubuntu permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo,

pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de recursos compartidos.

En la figura 5.43 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU + GPU en un entorno con contenedores de Podman.

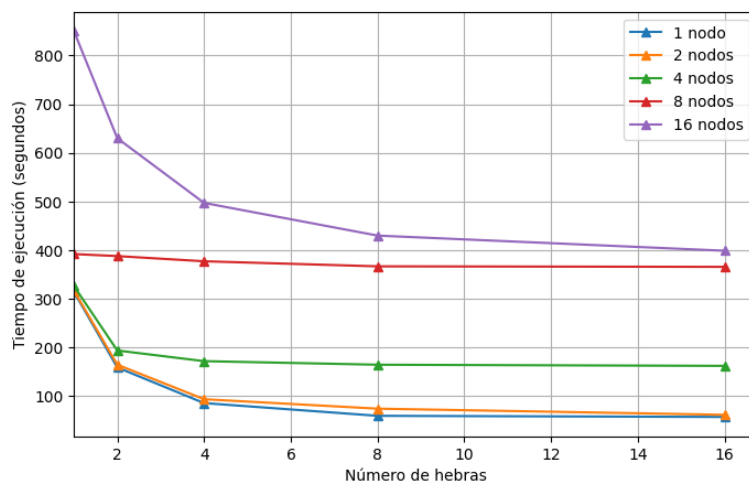


Figura 5.43: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU).

En la tabla 5.40 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla presenta los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman utilizando CPU y GPU. En configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 81.84 % con dieciséis hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se observa al pasar de una a dos hebras y de dos a cuatro, mientras que a partir de ocho hebras la mejora adicional es más limitada, lo que indica que el paralelismo óptimo se alcanza en torno a ese valor y que el sistema comienza a saturarse. Al aumentar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 53.11 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con ocho nodos o más, el incremento de hebras apenas aporta mejoras, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de la GPU entre nodos limita la eficiencia del paralelismo. En conjunto, la combinación de CPU y GPU en

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	314.51	0.00
1.00	2.00	158.84	-49.50
1.00	4.00	85.62	-72.78
1.00	8.00	59.47	-81.09
1.00	16.00	57.12	-81.84
2.00	1.00	316.80	0.00
2.00	2.00	164.58	-48.05
2.00	4.00	93.56	-70.47
2.00	8.00	74.18	-76.58
2.00	16.00	61.51	-80.58
4.00	1.00	326.20	0.00
4.00	2.00	193.69	-40.62
4.00	4.00	171.80	-47.33
4.00	8.00	164.47	-49.58
4.00	16.00	162.10	-50.31
8.00	1.00	391.86	0.00
8.00	2.00	387.68	-1.07
8.00	4.00	377.01	-3.79
8.00	8.00	366.63	-6.44
8.00	16.00	365.54	-6.72
16.00	1.00	850.18	0.00
16.00	2.00	629.92	-25.91
16.00	4.00	496.97	-41.55
16.00	8.00	429.80	-49.45
16.00	16.00	398.66	-53.11

Tabla 5.40: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman (CPU + GPU).

contenedores de Podman permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de recursos compartidos.

5.4.3. Ejecución en contenedores de Windows

CPU

En la figura 5.44 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Windows.

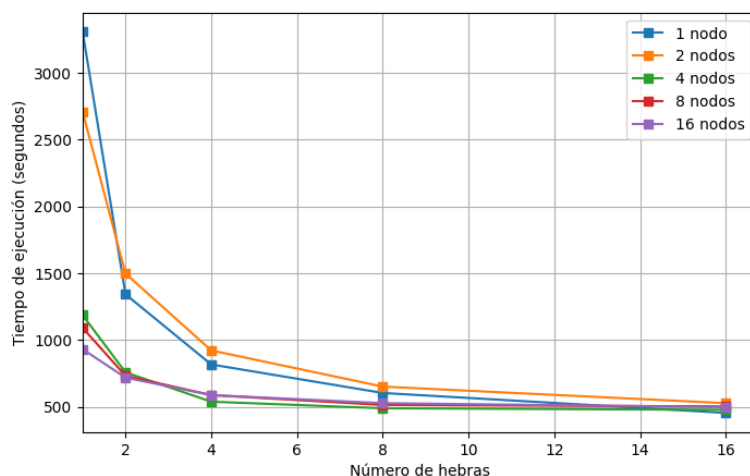


Figura 5.44: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores Docker de Windows (CPU).

En la tabla 5.41 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Windows utilizando CPU. Se observa que, en configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 86.29 % con dieciséis hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se obtiene al pasar de una a dos hebras (-59.45 %) y de dos a cuatro hebras (-15.88 % adicional), lo que indica una excelente escalabilidad inicial. A medida que se incrementa el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es cada vez menor. Por ejemplo, con dieciséis nodos y dieciséis hebras, la reducción es del 46.60 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con muchos nodos, el incremento de hebras sigue aportando mejoras, pero estas son más limitadas, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos entre contenedores penalizan la eficiencia del paralelismo. En conjunto, Docker sobre Windows permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de procesos distribuidos.

En la figura 5.45 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Podman.

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	3308.08	0.00
1.00	2.00	1341.41	-59.45
1.00	4.00	816.06	-75.33
1.00	8.00	602.60	-81.78
1.00	16.00	453.44	-86.29
2.00	1.00	2708.91	0.00
2.00	2.00	1497.01	-44.74
2.00	4.00	921.23	-65.99
2.00	8.00	650.28	-75.99
2.00	16.00	526.23	-80.57
4.00	1.00	1185.46	0.00
4.00	2.00	757.13	-36.13
4.00	4.00	537.45	-54.66
4.00	8.00	488.12	-58.82
4.00	16.00	476.64	-59.79
8.00	1.00	1090.62	0.00
8.00	2.00	731.08	-32.97
8.00	4.00	586.55	-46.22
8.00	8.00	512.87	-52.97
8.00	16.00	501.93	-53.98
16.00	1.00	930.79	0.00
16.00	2.00	717.75	-22.89
16.00	4.00	586.84	-36.95
16.00	8.00	526.20	-43.47
16.00	16.00	497.09	-46.60

Tabla 5.41: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Windows (CPU).

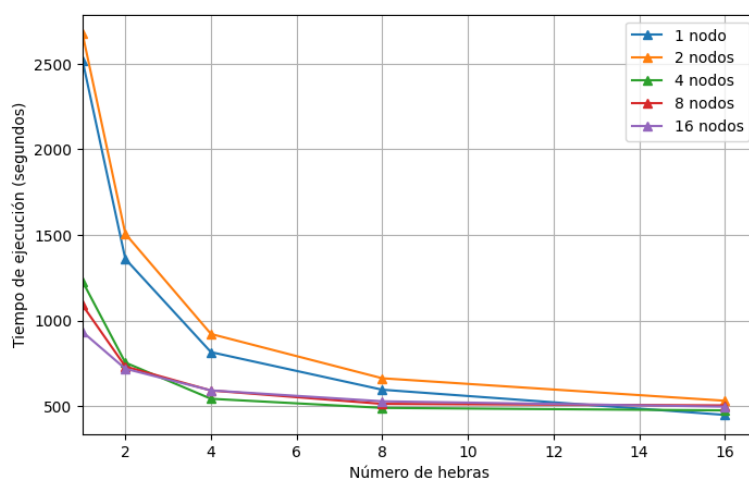


Figura 5.45: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).

En la tabla 5.42 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	2520.21	0.00
1.00	2.00	1359.69	-46.05
1.00	4.00	815.04	-67.66
1.00	8.00	595.54	-76.37
1.00	16.00	448.43	-82.21
2.00	1.00	2675.94	0.00
2.00	2.00	1506.57	-43.70
2.00	4.00	921.20	-65.57
2.00	8.00	662.40	-75.25
2.00	16.00	531.13	-80.15
4.00	1.00	1228.59	0.00
4.00	2.00	754.03	-38.63
4.00	4.00	542.63	-55.83
4.00	8.00	489.36	-60.17
4.00	16.00	474.74	-61.36
8.00	1.00	1089.75	0.00
8.00	2.00	731.20	-32.90
8.00	4.00	591.11	-45.76
8.00	8.00	512.87	-52.94
8.00	16.00	503.82	-53.77
16.00	1.00	933.45	0.00
16.00	2.00	718.20	-23.06
16.00	4.00	591.53	-36.63
16.00	8.00	527.98	-43.44
16.00	16.00	496.62	-46.80

Tabla 5.42: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman sobre Windows (CPU).

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman sobre Windows (CPU). Se observa que, en configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 82.21 % con 16 hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se obtiene al pasar de 1 a 2 hebras (-46.05 %) y de 2 a 4 hebras (-21.61 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial. A medida que se incrementa el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente y el beneficio de añadir más hebras es

cada vez menor. Por ejemplo, con 16 nodos y 16 hebras, la reducción es del 46.80 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con muchos nodos, el incremento de hebras sigue aportando mejoras, pero estas son más limitadas, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos entre contenedores penalizan la eficiencia del paralelismo. En conjunto, Podman sobre Windows permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de procesos distribuidos.

CPU + GPU

5.4.4. Ejecución en contenedores de Mac

CPU

En la figura 5.46 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Mac.

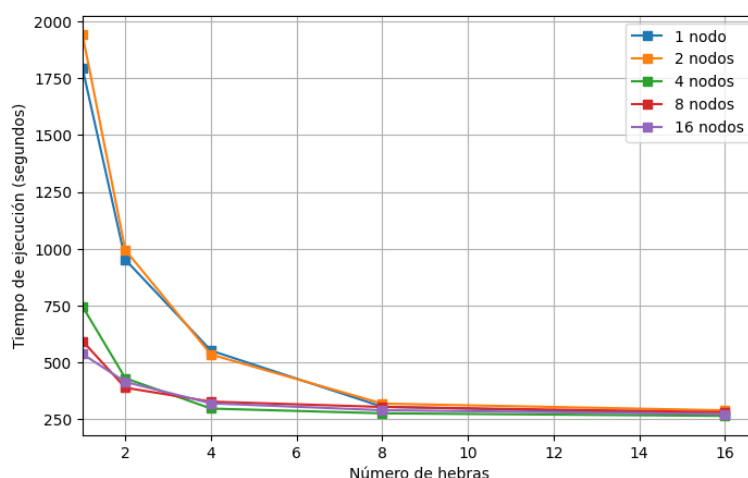


Figura 5.46: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores Docker de Mac (CPU).

En la tabla 5.43 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Mac (CPU). Se observa que, en configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción muy sig-

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	1794.98	0.00
1.00	2.00	951.56	-46.99
1.00	4.00	551.41	-69.28
1.00	8.00	304.35	-83.04
1.00	16.00	270.25	-84.94
2.00	1.00	1942.42	0.00
2.00	2.00	994.15	-48.82
2.00	4.00	534.05	-72.51
2.00	8.00	318.04	-83.63
2.00	16.00	288.41	-85.15
4.00	1.00	745.84	0.00
4.00	2.00	429.82	-42.37
4.00	4.00	296.17	-60.29
4.00	8.00	275.30	-63.09
4.00	16.00	263.92	-64.61
8.00	1.00	593.47	0.00
8.00	2.00	388.01	-34.62
8.00	4.00	326.75	-44.94
8.00	8.00	303.35	-48.89
8.00	16.00	280.15	-52.79
16.00	1.00	536.60	0.00
16.00	2.00	413.59	-22.92
16.00	4.00	319.30	-40.50
16.00	8.00	289.00	-46.14
16.00	16.00	271.75	-49.36

Tabla 5.43: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores Docker de Mac (CPU).

nificativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 84.94 % con 16 hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se obtiene al pasar de 1 a 2 hebras (-46.99 %) y de 2 a 4 hebras (-22.29 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial. A partir de 8 hebras, la mejora se estabiliza y el beneficio adicional es menor, lo que sugiere que el paralelismo óptimo se sitúa en torno a 8 hebras.

Al aumentar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra sigue una tendencia similar: con 2 y 4 nodos se mantienen reducciones superiores al 60 %, pero a partir de 8 y 16 nodos las mejoras adicionales son más limitadas. Además, en algunos casos, como al pasar de 1 a 2 nodos, se observa un ligero aumento en el tiempo de ejecución, probablemente debido a la sobrecarga de coordinación entre nodos en el entorno de Docker sobre

Mac.

En resumen, Docker sobre Mac permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo hasta cierto punto, siendo recomendable utilizar hasta 8 hebras por nodo para maximizar el rendimiento. Aumentar el número de nodos y hebras más allá de ese valor aporta mejoras cada vez menores, debido a la sobrecarga de coordinación y a las limitaciones propias del entorno.

En la figura 5.47 se muestra el tiempo de ejecución para la configuración de CPU en un entorno con contenedores de Podman.

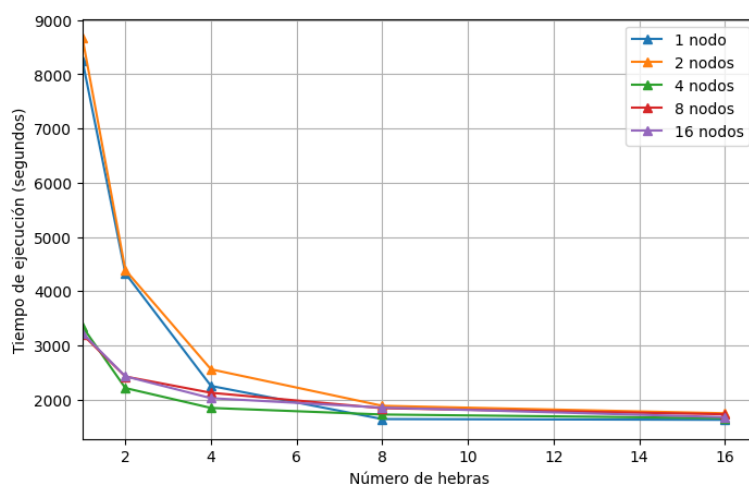


Figura 5.47: Tiempo de ejecución en función del número de hebras en contenedores de Podman (CPU).

En la tabla 5.44 se presentan los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra.

La tabla muestra los tiempos de ejecución y la reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman sobre Mac (CPU). Se observa que, en configuraciones mononodo, el incremento del número de hebras produce una reducción significativa del tiempo de ejecución, alcanzando una disminución del 80.29 % con 16 hebras respecto a la ejecución secuencial. El mayor beneficio se obtiene al pasar de 1 a 2 hebras (-47.52 %) y de 2 a 4 hebras (-25.19 % adicional), lo que indica una buena escalabilidad inicial. Sin embargo, a partir de 8 hebras, la mejora se estabiliza y el beneficio adicional es mínimo, sugiriendo que el paralelismo óptimo se sitúa en torno a 8 hebras.

Al aumentar el número de nodos, la reducción porcentual respecto a una hebra disminuye progresivamente. Por ejemplo, con 16 nodos y 16 hebras, la reducción es del 48.07 %, notablemente inferior a la obtenida en el caso mononodo. Además, en configuraciones con muchos nodos, el incremento de

Nodos	Hebras	Tiempo (s)	Δ % vs 1 hebra
1.00	1.00	8247.00	0.00
1.00	2.00	4328.00	-47.52
1.00	4.00	2250.20	-72.71
1.00	8.00	1638.79	-80.13
1.00	16.00	1625.19	-80.29
2.00	1.00	8668.00	0.00
2.00	2.00	4389.00	-49.37
2.00	4.00	2556.33	-70.51
2.00	8.00	1883.55	-78.27
2.00	16.00	1745.53	-79.86
4.00	1.00	3343.15	0.00
4.00	2.00	2211.26	-33.86
4.00	4.00	1844.13	-44.84
4.00	8.00	1722.73	-48.47
4.00	16.00	1655.26	-50.49
8.00	1.00	3201.07	0.00
8.00	2.00	2423.60	-24.29
8.00	4.00	2123.61	-33.66
8.00	8.00	1839.23	-42.54
8.00	16.00	1727.69	-46.03
16.00	1.00	3223.98	0.00
16.00	2.00	2427.40	-24.71
16.00	4.00	2024.70	-37.20
16.00	8.00	1850.36	-42.61
16.00	16.00	1674.10	-48.07

Tabla 5.44: Tiempos de ejecución y reducción porcentual respecto a una hebra para distintas combinaciones de nodos y hebras en contenedores de Podman sobre Mac (CPU).

hebras aporta mejoras cada vez más limitadas, lo que sugiere que la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos entre contenedores penalizan la eficiencia del paralelismo.

En resumen, Podman sobre Mac permite un aprovechamiento eficiente del paralelismo en configuraciones mononodo, pero la eficiencia disminuye al aumentar el número de nodos, especialmente cuando se incrementa la complejidad de la comunicación y la gestión de procesos distribuidos. El punto óptimo de eficiencia se alcanza alrededor de 8 hebras por nodo.

Capítulo 6

Conclusiones y trabajo futuro

6.1. Conclusiones

El presente trabajo ha llevado a cabo un exhaustivo estudio experimental sobre el rendimiento y la escalabilidad de una aplicación de computación paralela y distribuida en distintos entornos y configuraciones, abarcando tanto la ejecución nativa como en contenedores (Docker y Podman), y considerando diferentes sistemas operativos (Ubuntu, Windows, Mac), arquitecturas (CPU y CPU+GPU), y modos de operación (mononodo, multinodo y barrido de hebras). A continuación se resumen las principales conclusiones extraídas del análisis de todos los resultados obtenidos:

Los resultados obtenidos en los experimentos permiten extraer varias conclusiones clave sobre el comportamiento de HPMoon en diferentes entornos y configuraciones. En primer lugar, se observa que el incremento del número de hebras reduce de forma notable el tiempo de ejecución, alcanzando en configuraciones mononodo eficiencias superiores al 97 % hasta el límite de núcleos físicos disponibles. El punto óptimo de paralelismo suele situarse en torno a las 8 hebras, que coincide con la arquitectura hardware analizada; a partir de ahí, los beneficios adicionales son escasos e incluso pueden aparecer ligeras penalizaciones por sobrecarga.

En cuanto a la ejecución multinodo, la escalabilidad es efectiva hasta un cierto umbral, generalmente 4 u 8 nodos. Más allá de ese punto, la coordinación y la comunicación entre nodos introducen una sobrecarga que limita los beneficios del paralelismo. De hecho, en algunos escenarios, añadir más nodos puede llegar a empeorar el rendimiento, algo especialmente evidente en configuraciones con GPU o en entornos contenerizados, donde la gestión de recursos compartidos añade complejidad adicional.

Al comparar la ejecución nativa con la realizada en contenedores (Docker y Podman), se aprecia que el uso de contenedores no introduce penalizaciones relevantes: las diferencias suelen ser inferiores al 5 % y, en algunos casos, incluso se obtienen mejoras. Esto confirma la viabilidad de los contenedores como alternativa eficiente para ejecutar aplicaciones paralelas y distribuidas, manteniendo prácticamente el mismo nivel de rendimiento que en ejecución nativa.

Los resultados también evidencian el impacto del sistema operativo en los tiempos de ejecución. Aunque la tendencia general de escalado y saturación es similar en todas las plataformas, Ubuntu ofrece de forma consistente los mejores resultados, seguido de Mac y Windows, lo cual refleja diferencias atribuibles a las características de cada sistema.

La incorporación de GPU se traduce en una aceleración muy notable en escenarios mononodo o con un bajo número de nodos, con reducciones de tiempo de entre el 80 % y el 88 %. No obstante, su escalabilidad es limitada en entornos distribuidos: al aumentar los nodos, la coordinación y la gestión compartida de la GPU penalizan el rendimiento, llegando incluso a hacer contraproducente su uso en configuraciones de gran tamaño.

De forma general, el análisis de los experimentos permite recomendar como configuración óptima el uso de 8 subpoblaciones y 8 hebras por nodo, lo que asegura un buen equilibrio entre eficiencia y aprovechamiento de recursos sin incurrir en sobrecarga. En configuraciones multinodo, el número de nodos debe aumentarse con precaución, ya que el beneficio adicional disminuye rápidamente y puede revertirse si se añaden demasiados.

Finalmente, la utilización de contenedores se confirma como una herramienta clave para garantizar la portabilidad y la reproducibilidad de los experimentos. Gracias a ellos, es posible obtener resultados consistentes en diferentes plataformas y simplificar la gestión y el despliegue de entornos complejos de computación paralela y distribuida.

En conjunto, los resultados obtenidos demuestran que la aplicación analizada es capaz de aprovechar eficazmente el paralelismo y la aceleración por GPU en entornos mononodo, y que la ejecución en contenedores es una alternativa plenamente válida a la ejecución nativa. Sin embargo, la escalabilidad en entornos multinodo está limitada por la sobrecarga de coordinación y la gestión de recursos, especialmente al utilizar GPU. Estas conclusiones proporcionan una base sólida para la toma de decisiones en el diseño y despliegue de aplicaciones científicas y de ingeniería en entornos heterogéneos

6.2. Retos y trabajo futuro

A partir de los resultados obtenidos y del análisis detallado de los experimentos, se han identificado varios retos abiertos y posibles líneas de trabajo que pueden contribuir a mejorar tanto el rendimiento como la escalabilidad y la aplicabilidad de la solución propuesta.

Uno de los principales desafíos es la limitada escalabilidad observada al aumentar el número de nodos, especialmente en configuraciones con GPU. En este sentido, futuros estudios podrían centrarse en optimizar los mecanismos de comunicación y coordinación entre nodos, explorar alternativas de middleware más eficientes o incluso aplicar técnicas de balanceo dinámico de carga que reduzcan la sobrecarga y permitan aprovechar mejor los recursos distribuidos.

Otro aspecto clave es la gestión avanzada de recursos heterogéneos. La integración eficiente de CPU, GPU y otras posibles aceleradoras sigue siendo un reto, por lo que resulta interesante investigar estrategias inteligentes de asignación de tareas que se adapten dinámicamente a la disponibilidad y características de cada nodo, maximizando así el rendimiento global del sistema.

En lo referente a la automatización y portabilidad de los experimentos, aunque los contenedores ya han demostrado ser eficaces para garantizar reproducibilidad, aún queda margen de mejora. Incorporar herramientas de orquestación como Kubernetes o sistemas de gestión de flujos de trabajo científicos permitiría automatizar de manera más completa el ciclo experimental: desde el despliegue hasta la monitorización y la recolección de resultados.

Asimismo, el rápido avance de las arquitecturas hardware —con nuevas generaciones de GPU, aceleradores especializados y entornos de computación en la nube o en el edge— abre la puerta a extender este trabajo hacia escenarios emergentes, adaptando la infraestructura para sacar partido de sus capacidades. A ello se suma un aspecto cada vez más relevante: la eficiencia energética. Optimizar el consumo de recursos no solo permitiría reducir costes, sino también avanzar en sostenibilidad, identificando configuraciones que equilibren rendimiento y consumo energético.

Otra línea prometedora consiste en trasladar la metodología y las herramientas desarrolladas a otros problemas científicos o de ingeniería que también requieran computación paralela y distribuida. De esta forma, se ampliaría el alcance y el impacto del trabajo realizado. En paralelo, resulta fundamental validar la solución en clústeres reales de computación de alto rendimiento, lo que permitiría comprobar su robustez en entornos productivos y detectar cuellos de botella que no aparecen en escenarios locales.

Finalmente, se plantea como reto específico la posibilidad de explotar de forma combinada CPU y GPU en sistemas Mac, especialmente en las nuevas arquitecturas Apple Silicon. Este avance permitiría superar las limitaciones actuales en dicho entorno, mejorando la portabilidad y aprovechando de forma más completa todos los recursos disponibles.

En resumen, aunque los resultados obtenidos confirman la viabilidad de la solución y aportan una base sólida, el camino hacia su mejora y ampliación es amplio. Los retos y líneas futuras aquí descritos ofrecen oportunidades tanto técnicas como aplicadas, que permitirán seguir avanzando en el desarrollo de soluciones más eficientes, portables y sostenibles en el ámbito de la computación paralela y distribuida.

Bibliografía

- [1] D. McFarland and J. Wolpaw, “Eeg-based brain-computer interfaces,” *Current Opinion in Biomedical Engineering*, vol. 4, pp. 194–200, 2017, author manuscript; available in PMC 2018 December 01. Published in final edited form as: *Curr Opin Biomed Eng.* 2017 December ; 4: 194–200.
- [2] F. Lotte, L. Bougrain, and M. Clerc, “Electroencephalography (eeg)-based brain-computer interfaces,” 2015. [Online]. Available: <https://api.semanticscholar.org/CorpusID:60672758>
- [3] I. M. Stefanyshyn and O. A. Pastukh, “High-performance computing for machine learning and artificial intelligence in brain-computer interfaces with big data,” *COMPUTER-INTEGRATED TECHNOLOGIES: EDUCATION, SCIENCE, PRODUCTION*, 2025. [Online]. Available: <https://api.semanticscholar.org/CorpusID:279622759>
- [4] P. Saha, A. Beltre, P. Uminski, and M. Govindaraju, “Evaluation of docker containers for scientific workloads in the cloud,” in *Proceedings of the 2016 IEEE 8th International Conference on Cloud Computing Technology and Science (CloudCom)*, IEEE. Luxembourg City, Luxembourg: IEEE, 2016, pp. 797–802.
- [5] G. R. Alles, A. da Silva Carissimi, and L. M. Schnorr, “Assessing the computation and communication overhead of linux containers for hpc applications,” *2018 Symposium on High Performance Computing Systems (WSCAD)*, pp. 116–123, 2018. [Online]. Available: <https://api.semanticscholar.org/CorpusID:195774456>
- [6] F. Medrano-Jaimes, J. E. Lozano-Rizk, S. Castañeda-Ávila, and R. Rivera-Rodríguez, “Use of containers for high-performance computing,” *Communications in Computer and Information Science*, 2018. [Online]. Available: <https://api.semanticscholar.org/CorpusID:59283860>
- [7] Jooble, “Salario de ingeniero informático en españa,” 2024. [Online]. Available: <https://es.jooble.org/salary/ingeniero-informatico#hourly>

- [8] G. Sravanthi, B. Grace, and V. Kamakshamma, "A review of high performance computing," *IOSR Journal of Computer Engineering (IOSR-JCE)*, vol. 16, no. 1, Ver. VII, pp. 36–43, Feb 2014, e-ISSN: 2278-0661, p-ISSN: 2278-8727. Department of Computer Science, PBR Visvodaya Institute of Science And Technology, India. [Online]. Available: <http://www.iosrjournals.org>
- [9] P. Vaillancourt, J. E. Coulter, R. Knepper, and B. Barker, "Self-scaling clusters and reproducible containers to enable scientific computing," *2020 IEEE High Performance Extreme Computing Conference (HPEC)*, pp. 1–8, 2020. [Online]. Available: <https://api.semanticscholar.org/CorpusID:220128332>
- [10] J. J. Escobar, P. Sánchez-Cuevas, B. Prieto, R. Savran Kiziltepe, F. Díaz-del Río, and D. Kimovski, "Energy-time modelling of distributed multi-population genetic algorithms with dynamic workload in hpc clusters," *Future Generation Computer Systems*, vol. 167, p. e107753, 2025.
- [11] J. J. Escobar, J. Ortega, A. F. Díaz, J. González, and M. Damas, "Energy-aware load balancing of parallel evolutionary algorithms with heavy fitness functions in heterogeneous cpu-gpu architectures," *Concurrency and Computation: Practice and Experience*, vol. 31, no. 6, p. e4688, 2019.
- [12] —, "Time-energy analysis of multi-level parallelism in heterogeneous clusters: The case of eeg classification in bci tasks," *The Journal of Supercomputing*, vol. 75, no. 7, pp. 3397–3425, 2019.
- [13] J. J. Escobar, "Energy-efficient parallel and distributed multi-objective feature selection on heterogeneous architectures," Ph.D. dissertation, Universidad de Granada, 2020.
- [14] J. J. Escobar, J. Ortega, A. F. Díaz, J. González, and M. Damas, "Time-energy analysis of multilevel parallelism in heterogeneous clusters: the case of eeg classification in bci tasks," *The Journal of Supercomputing*, vol. 75, no. 7, pp. 3397–3425, 2019. [Online]. Available: <https://doi.org/10.1007/s11227-019-02908-4>