Reporte 2: Autómata Celular

Jorge Torres

20 de febrero de 2022

1. Objetivo

El objetivo de la práctica se centra en diseñar y ejecutar un experimento con por lo menos 30 réplicas para estimar la probabilidad de creación de vida dentro de 200 iteraciones, usando niveles de 10, 15, 20 y 25 para el tamaño de matriz y los niveles 0.2, 0.4, 0.6 y 0.8 para la densidad inicial de vida.

2. Desarrollo

Utilizando como base el código desarrollado por E. Schaeffer [1], para generar un autómata celular, primero se definen los tamaños de matriz, las densidades iniciales de vida, la cantidad de réplicas y las iteraciones que dura el experimento. Estos parámetros se observan en el código 1. En seguida se definen dos funciones, mapeo y paso, que sirven respectivamente para: 1) mapear la matriz en cuestión y 2) revisar la condición de vida de cada celda individual en la matriz, la cual consiste en tener exactamente tres vecinos vivos (ver código 2). Por último, se comienzan los ciclos for para iterar entre los parámetros definidos. En el ciclo donde se llama a la función paso se determina si el sistema termina en un estado de vida, para lo cual se lleva un contador que se usa posteriormente para determinar el porcentaje de supervivencia de acuerdo a la ecuación 1,

$$P_s = \frac{C_v}{R} \times 100 \tag{1}$$

donde P_s es el porcentaje de supervivencia, C_v es la cantidad de sistemas que lograron sobrevivir y R es la cantidad de veces que se replicó el experimento. Estas iteraciones se pueden apreciar en el código 3, mientras que el código completo se puede revisar en mi repositorio de GitHub.

Código 2: Funciones

```
for lado in dim:
num = lado**2
for densidad in p:
    contador_viv=0
    for rep in range(runs):
        valores = [1 * (random() < densidad) for i in range(num)]
        actual = np.reshape(valores, (lado, lado))
        assert all([mapeo(x) = valores[x]  for x in range(num)])
        for iteracion in range(dur):
             valores = [paso(y) \text{ for } y \text{ in } range(num)]
             vivos = sum(valores)
             if vivos = 0:
                 break:
             if iteracion = (dur - 1):
                 contador_viv += 1
             actual = np.reshape(valores, (lado, lado))
    vivieron = ((contador_viv*100)/(runs))
    resultados = { 'Tamano_matriz': lado,
                   'P_inicial': densidad,
                   'Porcentaje _ Supervivencia(%)': vivieron }
    datos = datos.append(resultados, ignore_index=True)
                           Código 3: Iteración de Parámetros
```

3. Resultados

En la figura 1 se observa el comportamiento del autómata celular conforme se varían el tamaño de matriz y la densidad inicial de vida.

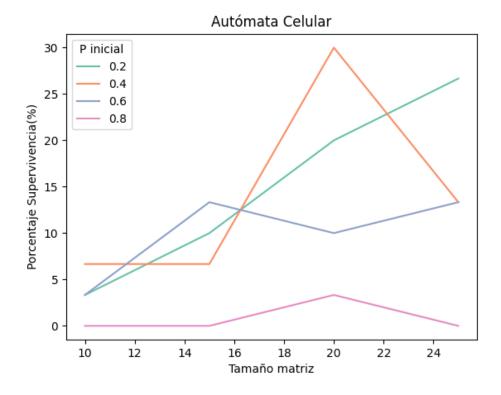


Figura 1: Porcentajes de supervivencia para sistemas con tamaños de matriz 10, 15, 20 y 25, y para densidades iniciales de vida de 0.2, 0.4, 0.6 y 0.8

4. Conclusiones

Una observación inicial indica que los sistemas tienen una mayor probabilidad de sobrevivir conforme se aumenta el tamaño de la matriz y para densidades iniciales de vida medias y bajas (0.2, 0.4). Esto puede deberse a que las células tendrían un mayor espacio para proliferar en un área más grande y a que no tendrían tanta competencia al haber menos densidad.

Algo que destaca es la baja o nula probabilidad de supervivencia de los sistemas con una densidad inicial de 0.8, esto debido a la condición de supervivencia de tener exactamente tres vecinos vivos. Podría cambiarse la condición para estimular un mejor o peor crecimiento, pero eso está fuera del rango de estudio de esta práctica.

Referencias

[1] E. Schaeffer. Cellularautomata. Repositorio, GitHub, 2020. URL https://github.com/satuelisa/Simulation/tree/master/CellularAutomata.