

## Wprowadzenie

Celem niniejszego dokumentu jest porównanie wyników zwaranych przez algorytm projektujący graf na przestrzeń d-wymiarową. Wyniki algorytmu są prezentowane na wykresie punktowym - w przypadku wartości  $d > 2$  wynik algorytmu jest dodatkowo rzutowany na przestrzeń 2-wymiarową za pomocą gotowego algorytmu PCA. Dla porównania wyniki algorytmu używającego funkcji `scipy.optimize.minimize` są zestawione z algorytmem zwracającym podobne wyniki, ale wyznaczający je przy pomocy wartości i wektorów własnych.

```
In [ ]: import main
np.random.seed(44)
```

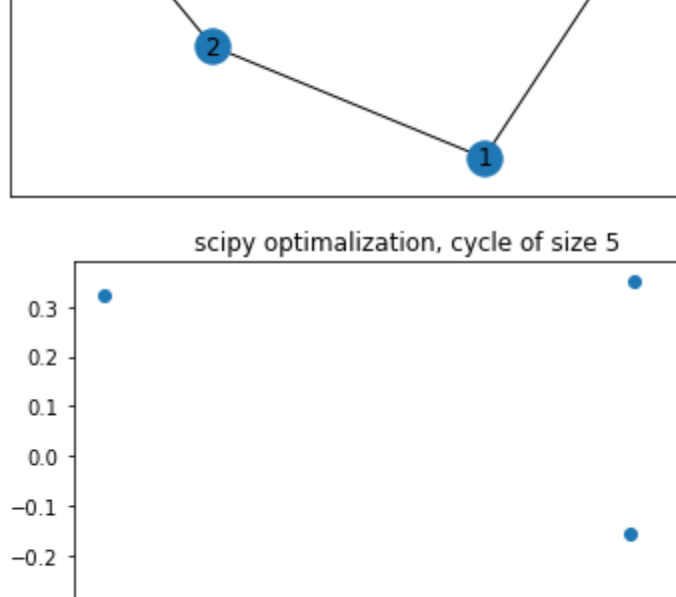
## Porównanie algorytmów

Poniżej porównamy wyniki algorytmów dla różnych wartości  $d$  na reprezentatywnych przykładach - cyklu, grafie sztagowym, oraz grafie Barabasi-Alberta.

```
In [ ]: # examples
# two dimensional projection

n = 5
graph = Graph()
graph.cycle_graph(n)
graph.show_results("cycle")
```

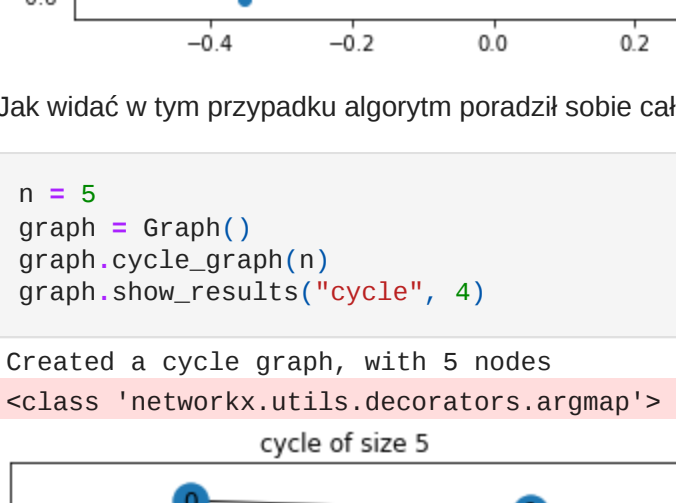
Created a cycle graph, with 5 nodes  
cycle of size 5



Jak się widać w tym przypadku algorytm poradził sobie całkiem dobrze, reprezentacja cyklu o 5 wierzchołkach wygląda poprawnie.

```
In [ ]: n = 5
graph = Graph()
graph.cycle_graph(n)
graph.show_results("cycle", 4)
```

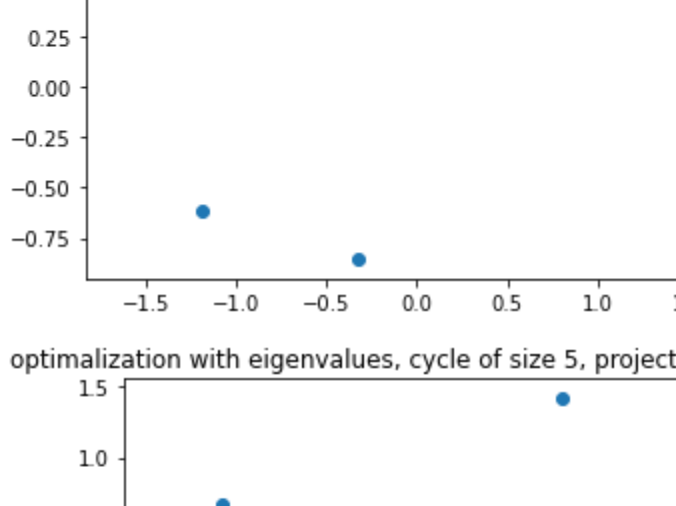
Created a cycle graph, with 5 nodes  
cycle of size 5



Jak się okazuje, w tym przypadku algorytm dla  $d=4$  poradził sobie znacznie lepiej niż wersja z  $d=2$  - w obu przypadkach (algorytmu z `scipy.optimize.minimize` oraz za pomocą liczenia wartości własnych)

```
In [ ]: n = 10
graph = Graph()
graph.cycle_graph(n)
graph.show_results("cycle")
```

Created a cycle graph, with 10 nodes  
cycle of size 10



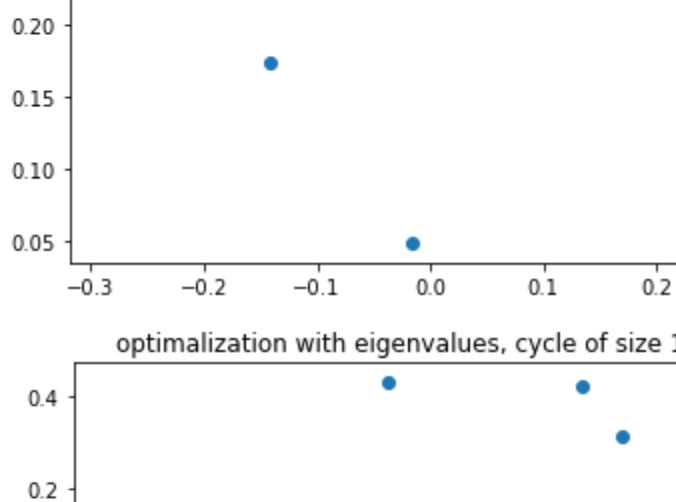
scipy optimization, cycle of size 5, projected to 4 dimensions

optimization with eigenvalues, cycle of size 5, projected to 4 dimensions

Jak się okazuje, w tym przypadku algorytm dla  $d=4$  poradził sobie znacznie lepiej niż wersja z  $d=2$  - w obu przypadkach (algorytmu z `scipy.optimize.minimize` oraz za pomocą liczenia wartości własnych)

```
In [ ]: n = 10
graph = Graph()
graph.cycle_graph(n)
graph.show_results("cycle", 5)
```

Created a cycle graph, with 10 nodes  
cycle of size 10

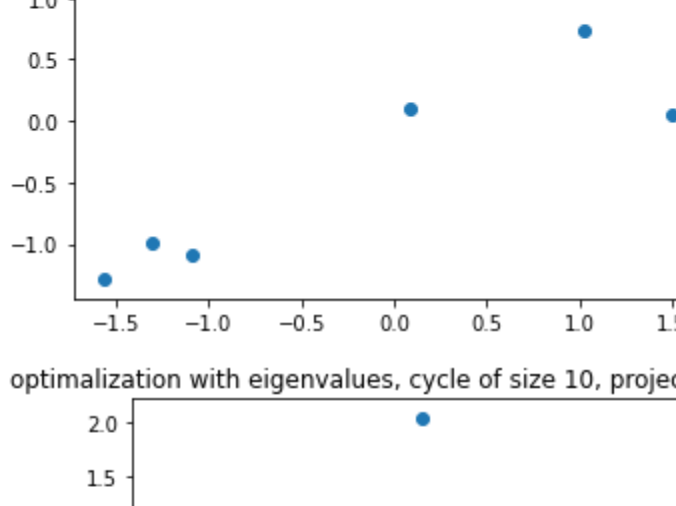


scipy optimization, cycle of size 10, projected to 5 dimensions

optimization with eigenvalues, cycle of size 10, projected to 5 dimensions

```
In [ ]: n = 10
graph = Graph()
graph.cycle_graph(n)
graph.show_results("cycle", 9)
```

Created a cycle graph, with 10 nodes  
cycle of size 10



scipy optimization, cycle of size 10, projected to 9 dimensions

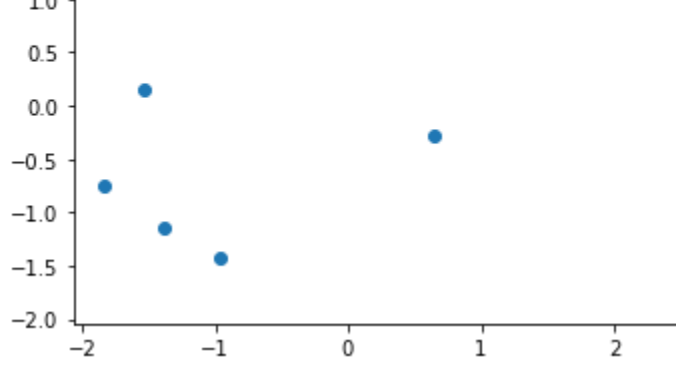
optimization with eigenvalues, cycle of size 10, projected to 9 dimensions

W tym przypadku algorytm z  $d=2$  poradził sobie moim zdaniem trochę lepiej niż dla  $d=5$ . Mimo długiego czasu wykonywania obliczeń, najlepiej sprawdził się jednak algorytm dla  $d=9$  - mimo drobnych zakłóceń, reprezentacja grafu najbardziej przypomina cykl.

Jezeli chodzi o optymalizację przy użyciu wartości własnych najlepiej sprawdził się algorytm dla  $d=2$ .

```
In [ ]: graph.barbell_graph(5, 3)
graph.show_results("barbell graph")
```

Created a barbell graph, with 5 and 3 nodes  
barbell graph of size 13

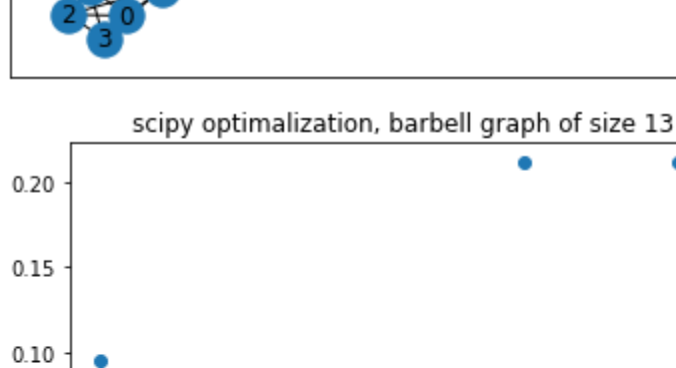


scipy optimization, barbell graph of size 13

optimization with eigenvalues, barbell graph of size 13

```
In [ ]: graph.show_results("barbell graph", 5)
```

barbell graph of size 13

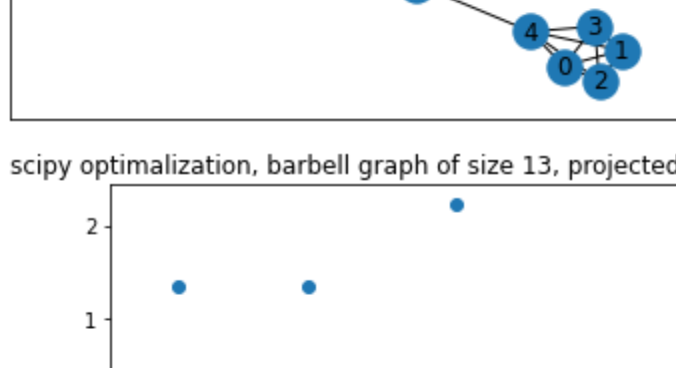


scipy optimization, barbell graph of size 13, projected to 5 dimensions

optimization with eigenvalues, barbell graph of size 13, projected to 5 dimensions

```
In [ ]: graph.ba_graph(7, 15, 1)
graph.show_results("BA graph")
```

Created a ba graph, with 15 nodes  
BA graph of size 15

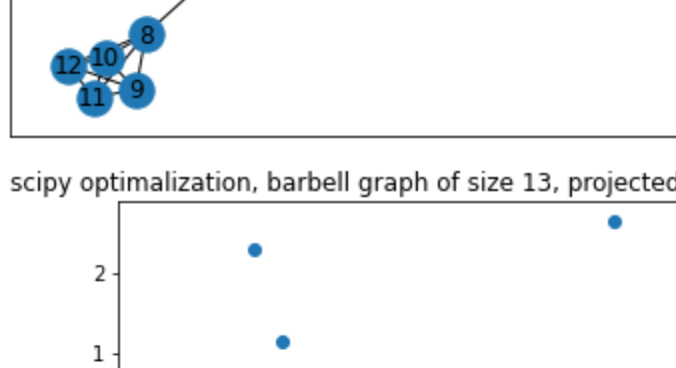


scipy optimization, BA graph of size 15

optimization with eigenvalues, BA graph of size 15

```
In [ ]: graph.show_results("BA graph", 6)
```

BA graph of size 15



scipy optimization, BA graph of size 15, projected to 6 dimensions

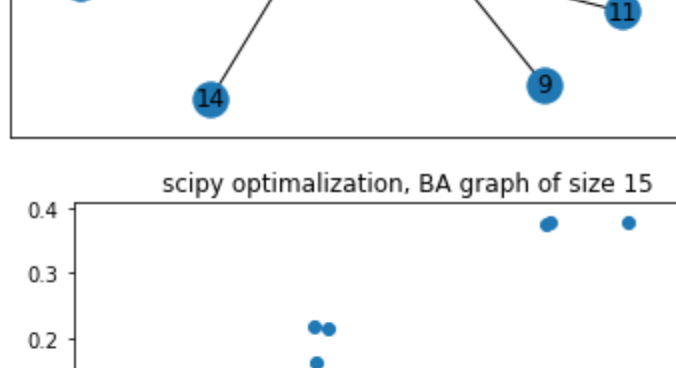
optimization with eigenvalues, BA graph of size 15, projected to 6 dimensions

W przypadku grafu sztagowego, najlepiej sprawuje się algorytm dla  $d=2$  - na wykresie łatwo zauważyć zgrupowanie punktów w dwóch miejscach. Dla większych wartości  $d$  nie widać tak wyraźnie zgrupowania.

Jezeli chodzi o algorytm wyliczający wartości własne, sprawuje się on raczej gorzej.

```
In [ ]: graph.ba_graph(7, 15, 1)
graph.show_results("BA graph")
```

Created a ba graph, with 15 nodes  
BA graph of size 15

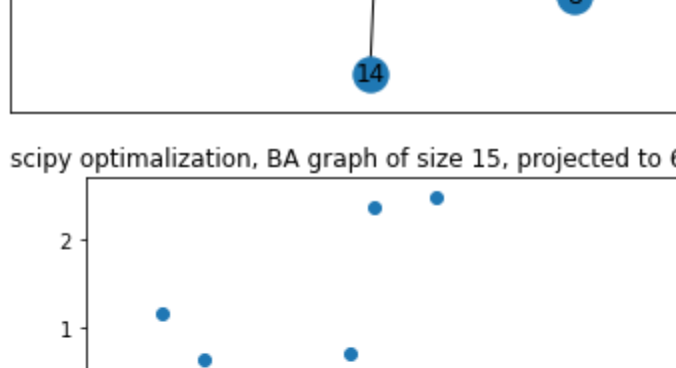


scipy optimization, BA graph of size 15

optimization with eigenvalues, BA graph of size 15

```
In [ ]: graph.show_results("BA graph", 10)
```

BA graph of size 15



scipy optimization, BA graph of size 15, projected to 10 dimensions

optimization with eigenvalues, BA graph of size 15, projected to 10 dimensions

W przypadku grafu Barabasi-Alberta algorytm najlepiej sprawuje się dla  $d=2$  - wyraźnie widać większą grupę punktów w jednym miejscu, czego nie można zaobserwować w pozostałych wizualizacjach.

W tym przypadku projekcji za pomocą wartości własnych poradziła sobie znacznie lepiej - widać strukturę grafu Barabasi-Alberta.

## Podsumowanie

W projektowaniu grafów przy użyciu algorytmu korzystającego ze `scipy.optimize.minimize` najlepsze wyniki są otrzymywane w ogólnym przypadku dla parametru  $d=2$ . Jeżeli chodzi o projektowanie cykli przy użyciu wyżej wspomnianego algorytmu sprawuje się on lepiej dla większych wartości  $d$ . Wydaje mi się, że jakość wyników dla  $d > 2$  jest zmniejszona ze względu na niedokładność przeprowadzanych obliczeń i stosowane przybliżenia, które zostają dodatkowo spęgowane przez stosowany algorytm PCA.

Mimo, to wydaje mi się, że zastosowany przeze mnie algorytm sprawuje się lepiej niż wyliczanie wyników za pomocą wartości własnych.