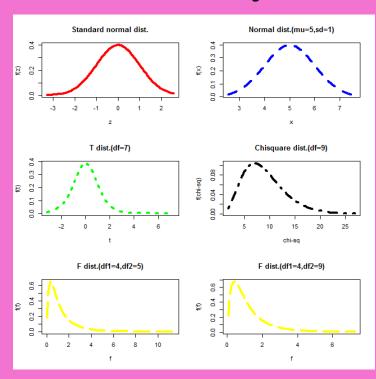
การวิเคราะห์ข้อมูลด้วยโปรแกรมอาร์ Data analytics with R





ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. อัชฌาณัท รัตนเลิศนุสรณ์

สาขาวิชาสถิติประยุกต์

คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี

มหาวิทยาลัยเทคโนโลยีราชมงคลชัญบุรี (มทร.ชัญบุรี)
ปทุมชานี ประเทศไทย

กระบวนการจัดการข้อมูล

- แบบสอบถาม
- แบบส้มภาษณ์
- แบบทดสอบ
- อื่นๆ อาทิ google form

การเก็บรวบรวมข้อมูล

การวิเคราะห์ข้อมูล

- การจัดการข้อมูลก่อนการวิเคราะห์
- การประมวลผลข้อมูล อาทิ การจัดเรียง ข้อมูล การหาค่าสถิติพื้นฐาน การ ค้นหาข้อมูล การนับจำนวน การ คำนวณค่าทางคณิตศาสตร์ อื่นๆ

- 🌘 ตารางวิเคราะห์ข้อมูล
- กราฟชนิดต่างๆ
- ตัวแบบทางคณิตศาสตร์หรือทางสถิติ
- อื่นๆ อาทิ อินโฟกราฟฟิก

การนำเสนอสารสนเทศ

การเก็บรวบรวมข้อมูลตามมาตรการวัดข้อมูล

ระดับการวัดข้อมูลทางสถิติมี 4 ระดับ คือ ข้อมูลระดับนามบัญญัติ ข้อมูลระดับเรียงลำดับ ข้อมูลระดับอันตร ภาค และข้อมูลระดับอัตราส่วน

- ข้อมูลระดับนามบัญญัติ ข้อมูลระดับนี้ไม่สามารถเปรียบเทียบกันในลักษณะเชิงตัวเลข อาทิ เพศ (ชาย, หญิง) สีต่างๆ(สีแดง สีเขียว สีเหลือง อื่นๆ) สัญลักษณ์ต่างๆ(พอใจ ไม่พอใจ เฉยๆ)
- ข้อมูลระดับเรียงลำดับ ข้อมูลระดับนี้สามารถเปรียบเทียบกันในลักษณะเชิงตัวเลขว่ามีค่ามากกว่า น้อย
 <u>กว่า เท่ากัน หรือสามารถนำมาจัดเรียงลำดับจากน้อยไปมาก หรือมากไปน้อยได้ แต่ไม่สามารถบอกความ
 แตกต่างระหว่างข้อมูลแต่ละค่าได้
 </u>

อาทิ ความคิดเห็นหรือความพึงพอใจ (โดยทั่วไปแทนด้วยตัวเลข 5,4,3,2,1)

โดยที่ 5=ระดับความคิดเห็นด้วยมากที่สุด 4= มาก 3= ปานกลาง 2=น้อย 1=น้อยที่สุด

การเก็บรวบรวมข้อมูลตามมาตรการวัดข้อมูล

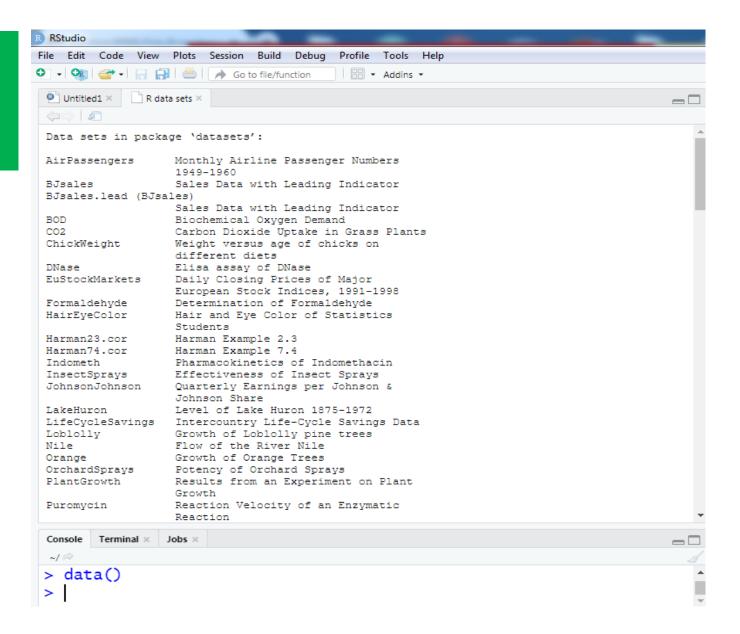
• ข้อมูลระดับอันตรภาค ข้อมูลระดับนี้สามารถเปรียบเทียบกันในลักษณะเชิงตัวเลขว่ามีค่ามากกว่า น้อยกว่า เท่ากัน จัด เรียงลำดับ และหาความแตกต่างของข้อมูลแต่ละค่ารวมถึงค่าสถิติพื้นฐานของข้อมูลได้ โดยที่ข้อมูลระดับอันตรภาคแต่ละค่า ไม่ได้เริ่มต้นที่ศูนย์ (**0**)

อาทิ คะแนนสอบวิชาสถิติทั่วไปของนักศึกษา **3** คน (**11, 15, 17** คะแนน) **คะแนนของนศ.แต่ละคน<u>ไม่ได้มีจุดเริ่มต้นที่</u> ศูนย์**

• ช้อมูลระดับอัตราส่วน ข้อมูลระดับนี้สามารถเปรียบเทียบกันในลักษณะเชิงตัวเลขที่ครอบคลุมข้อมูลระดับอัตรภาคและยัง สามารถเปรียบเทียบข้อมูลในรูปของอัตราส่วนได้เพราะมีจุดเริ่มต้นของการวัดที่ตำแหน่งเดียวกันคือตำแหน่งศูนย์ (0) อาทิ ปริมาณสารเคมีในหลอดทดลองที่ 1,2,3 (5, 10,15 ml) **ปริมาณสารเคมีในแต่ละหลอดมีจุดเริ่มต้นที่ศูนย์** หรือ ปริมาณยาพาราเซตตามอลที่คนไข้ 5 คนรับประทาน (100,200,300,400,500 มิลลิกรัม ตามลำดับ) **ปริมาณ ยาพาราฯของคนไข้แต่ละคนมีจุดเริ่มต้นที่ศูนย์**

แหล่งข้อมูลที่น่าสนใจ ในโปรแกรม R

• โปรแกรมอาร์ มีชุดข้อมูล
build in มาให้
โดยสามารถเรียกดูจากคำสั่ง
>data()



โปรแกรมอาร์มีคำสั่งหรือฟังก์ชันที่ใช้จัดการกับข้อมูลดังนี้

คำสั่ง/ฟังก์ชัน	คำอธิบายแบบย่อ
c()	สร้างเวกเตอร์ โดยนำข้อมูลมาเรียงต่อกัน
<pre>seq(from, to) seq(from, to, by) seq(from, to, length)</pre>	สร้างเวกเตอร์ตัวเลขเรียงลำดับ โดยกำหนดค่าเริ่มต้น และค่าสุดท้าย สร้างเวกเตอร์ตัวเลขเรียงลำดับโดยกำหนดค่าเริ่มต้น ค่าสุดท้าย และค่าที่เพิ่ม(หรือที่ลด)ในครั้งละ สร้างเวกเตอร์ตัวเลขเรียงลำดับโดยกำหนดค่าเริ่มต้น ค่าสุดท้าย และจำนวนสมาชิก
rep(x,times,)	สร้างเวกเตอร์ตัวเลขหรือเวกเตอร์ข้อความที่สามารถกำหนดจำนวนซ้ำของข้อมูลแต่ละค่า
<pre>as.integer(x,) as.factor(x,) as.numeric(x,)</pre>	ทำให้เวกเตอร์ x ให้เป็น integer ทำให้เวกเตอร์ x ให้เป็น factor ทำให้เวกเตอร์ x ให้เป็น numeric
<pre>cbind() rbind()</pre>	สร้างแมทริกซ์หรือ data frame จากเวกเตอร์ โดยนำข้อมูลเวกเตอร์มาเรียงต่อกันในแนว คอลัมน์ หรือแนวแถว

คำสั่ง/ฟังก์ชัน	คำอธิบายแบบย่อ
<pre>install.packages() library()</pre>	ติดตั้ง package ที่ต้องการใช้ อาทิ install.packages(readxl) เรียกใช้หรือ load package ที่ต้องการใช้งาน อาทิ library(readxl)
<pre>read.table() read.csv() read.spss()</pre>	อ่านแฟ้มข้อมูลชนิด text file เข้ามาในโปรแกรมอาร์ อ่านแฟ้มข้อมูลชนิด csv file เข้ามาในโปรแกรมอาร์ อ่านแฟ้มข้อมูลชนิด spss เข้ามาในโปรแกรมอาร์
read_excel()	อ่านแฟ้มข้อมูล Microsoft Excel (*.xlxs หรือ *.xls) เข้ามาในโปรแกรมอาร์ ก่อนใช้ฟังก์ชันนี้ต้องเรียกใช้คำสั่ง library(readxl)
write_xlsx()	บันทึกแฟ้มข้อมูลเป็นไฟล์ *.xlxs สามารถไปเปิดโดย Microsoft Excel ก่อนใช้ฟังก์ชันนี้ต้องเรียกใช้คำสั่ง library(writexl)
<pre>getwd() setwd()</pre>	เรียกดู working directory ตั้งค่า working directory ใหม่

คำสั่ง/ฟังก์ชัน	คำอธิบายแบบย่อ
<pre>mean() median()</pre>	หาค่าเฉลี่ยเลขคณิต หาค่ามัธยฐาน
sd() var()	หาค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานของข้อมูล หาค่าความแปรปรวนของข้อมูล
<pre>min() max()</pre>	หาค่าต่ำสุดในชุดข้อมูล หาค่าสูงสุดในชุดข้อมูล
length()	นับจำนวนข้อมูลในวัตถุ
table()	นับความถี่ของข้อมูลแต่ละค่า หรือการแจกแจงความถี่
summary()	สรุปค่าสถิติพื้นฐานของวัตถุ 6 ค่า คือ min, 1st-Q, Median,Mean,3rd-Q, Max

คำสั่ง/ฟังก์ชัน	คำอธิบายแบบย่อ
<pre>sample(x,replace=, prob=)</pre>	ใช้สุ่มตัวอย่างข้อมูลจากเวกเตอร์ X แบบใส่คืน หรือแบบไม่ใส่คืน และสามารถกำหนดความน่าจะ เป็นของการสุ่มข้อมูลแบบเท่ากัน หรือไม่เท่ากัน
<pre>data.frame() is.data.frame(x) as.data.frame(x)</pre>	ใช้สร้างวัตถุชนิด data frame ใช้ตรวจสอบวัตถุ x ว่าเป็น data frame หรือไม่ (ผลลัพธ์ที่ได้คือ TRUE หรือ FALSE) ใช้เปลี่ยนวัตถุ x ให้เป็นวัตถุชนิด data frame
str(x)	ใช้ตรวจสอบโครงสร้างข้อมูลภายในวัตถุ X
<pre>round(x,digit)</pre>	ใช้ปัดเศษตัวเลขที่อยู่ในเวกเตอร์ x ให้มีจำนวนทศนิยมตามที่ระบุใน digit
replace()	แทนที่ข้อมูลในเวกเตอร์หรือ data frame ด้วยค่าที่กำหนด

```
ตัวอย่างการใช้ฟั้งก์ชันการจัดการข้อมูล
                                         genderfac<- as.factor(gender)</pre>
                                         genderfac
x < -c(1,2,4,6,9)
                                         is.factor(genderfac)
X
                                         xnum <- c("1","2","3","4","5")</pre>
seq(1,10)
                                         xnum
seq(1,20,by=3)
                                         is.numeric(xnum)
seq(1,10,length=30)
                                         xnumber<- as.numeric(xnum)</pre>
rep(c(2,4,6),3)
                                         xnumber
x < -c(1,3,5,7,9)
                                         A <- matrix(1:8,nrow=4,byrow=TRUE)
is.double(x)
xnew<- as.integer(x)</pre>
                                         A \leftarrow cbind(A,c(9,10,11,12))
is.integer(xnew)
                                         Α
gender <- c("Male", "Female")</pre>
                                         A \leftarrow rbind(A,c(13,14,15))
is.character(gender)
                                         Α
```

```
ผลลัพธ์ที่ได้
                  > x < -c(1,2,4,6,9)
                  > X
                   [1] 1 2 4 6 9
                   > seq(1,10)
                    [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
                   > seq(1,20,by=3)
                   [1] 1 4 7 10 13 16 19
                   > seq(1,10,length=30)
                    [1] 1.000000 1.310345 1.620690 1.931034 2.241379
                    [6] 2.551724 2.862069 3.172414 3.482759 3.793103
                   [11] 4.103448 4.413793 4.724138 5.034483 5.344828
                   [16] 5.655172 5.965517 6.275862 6.586207 6.896552
                   [21] 7.206897 7.517241 7.827586 8.137931 8.448276
                   [26] 8.758621 9.068966 9.379310 9.689655 10.000000
                   > rep(c(2,4,6),3)
                   [1] 2 4 6 2 4 6 2 4 6
                  > x < (1,3,5,7,9)
                  > is.double(x)
                   [1] TRUE
                   > xnew<- as.integer(x)</pre>
                   > is.integer(xnew)
                   [1] TRUE
                   > gender <- c("Male","Female")</pre>
```

> is.character(gender)

[1] TRUE

```
ผลลัพธ์ที่ได้
                     > genderfac<- as.factor(gender)</pre>
                     > genderfac
                     [1] Male Female
                     Levels: Female Male
                     > is.factor(genderfac)
                     [1] TRUE
                     > xnum <- c("1","2","3","4","5")
                     > xnum
                     [1] "1" "2" "3" "4" "5"
                     > is.numeric(xnum)
                     [1] FALSE
                     > xnumber<- as.numeric(xnum)</pre>
                     > xnumber
                     [1] 1 2 3 4 5
                     > A <- matrix(1:8,nrow=4,byrow=TRUE)</pre>
                     > A
                           [,1] [,2]
                     [1,] 1 2
[2,] 3 4
[3,] 5 6
[4,] 7 8
                     [4,]
```

ผลลัพธ์ที่ได้

```
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชันการจัดการข้อมูล
#install.packages(ggplot2)
#library(ggplot2)
dfpop<- read.table("population.txt",header=TRUE)</pre>
dfpop
dfstdsco<- read.csv("stdscore.csv",header = TRUE)</pre>
dfstdsco
getwd()
setwd("C:/Users/Statistics")
getwd()
setwd("C:/Users/Statistics/Documents")
```

```
ผลลัพธ์ที่ได้
```

```
> dfpop<- read.table("population.txt",header=TRUE)</pre>
> dfpop
    province population
     Bangkok 8700000
2 Pathumthani 1500000
3 Nonthaburi 2000000
4 Samutsakorn 2500000
> dfstdsco<- read.csv("stdscore.csv",header = TRUE)</pre>
> dfstdsco
  stdname gender mtscore
      AAA Male
                    20
     BBB Female
    ccc Male
                  36
    DDD Male
  EEE Female
  FFF Female 50
   GGG Female 32
  HHH Male 16
  III Female 28
      JJJ Female
> getwd()
[1] "C:/Users/Statistics/Documents"
> setwd("C:/Users/Statistics")
> getwd()
[1] "C:/Users/Statistics"
> setwd("C:/Users/Statistics/Documents")
```

การนำเสนอข้อมูลด้วยกราฟ

- กราฟแสดงการกระจายข้อมูล (scatter plot)
- กราฟเส้น (line plot)
- กราฟแท่ง (histogram plot)
- กราฟวงกลม (pie plot)
- กราฟ box plot

ฟังก์ชัน plot มีรูปแบบการใช้งานดังนี้

plot(x, y, ...)

โดยที่

- x เป็นข้อมูลบนแกน x
- y เป็นข้อมูลบนแกน y
- ... เป็น argument อื่นๆของฟังก์ชัน plot อาทิ

type เป็นชนิดของกราฟสามารถระบุเป็น

"p", "l", "b", "h", "o", "s" "n"

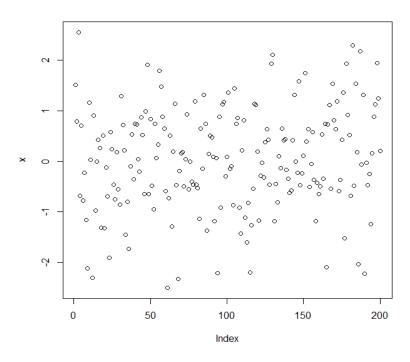
main เป็นชื่อของรูปกราฟสามารถระบุตามที่ต้องการได้

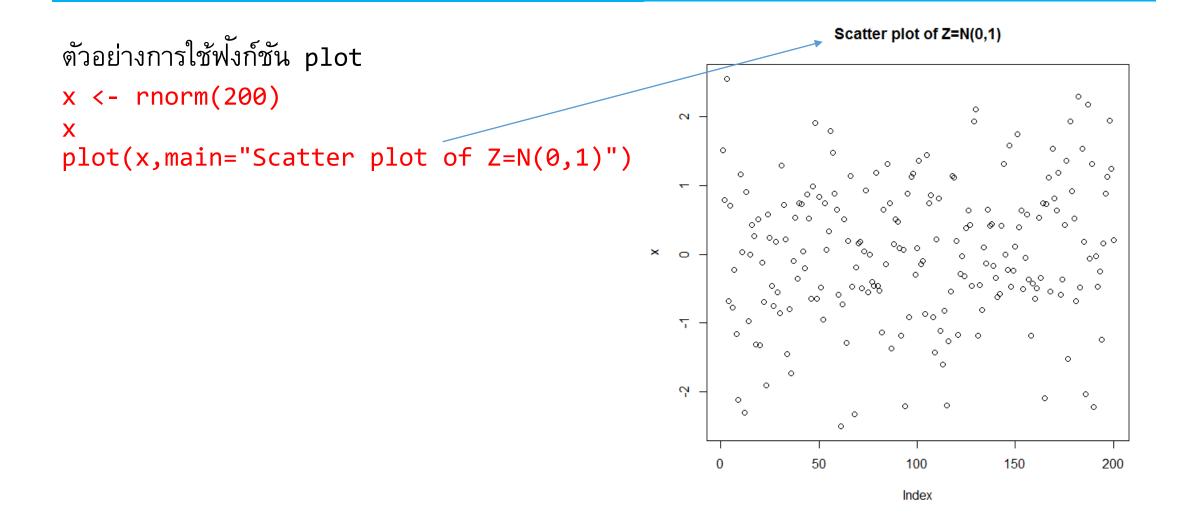
xlab, ylab เป็นชื่อของแกน x และแกน y ตามลำดับ สามารถระบุตามที่ต้องการได้

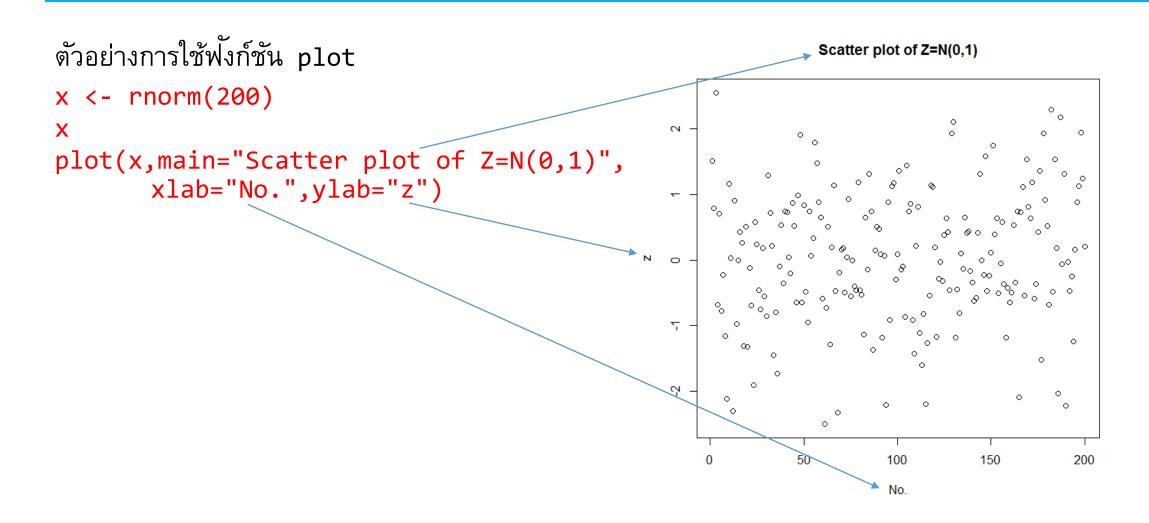
```
xlim, ylim เป็นการกำหนดช่วงข้อมูลที่ต้องการแสดงบนแกน x และแกน y ตามลำดับ
     color เป็นการกำหนดสีของกราฟสามารถระบุเป็นตัวเลข 1,2,3,4,5,...
      หรือ "black", "red", "green", "yellow", "pink", etc.
            เป็นการตั้งชื่อ subtitle ของรูปกราฟ
```

ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot $x \leftarrow rnorm(200)$ plot(x)

sub







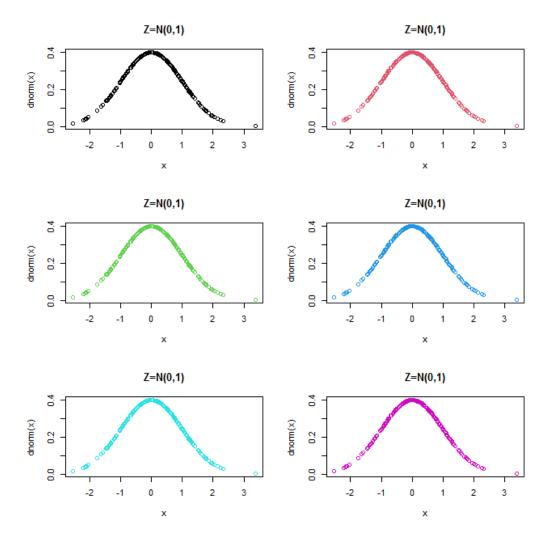
```
Z=N(0,1)
                                                                                               Z=N(0,1)
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot
                                                        4.0
par(mfrow=c(2,2))
plot(x,dnorm(x),type="l",main="Z=N(0,1)") 
z<- sort(x)
                                                                                   dnorm(z)
                                                                                      0.2
                                                        9.
                                                                                      0.1
                                                        0.0
plot(z,dnorm(z),type="l",main="Z=N(0,1)")
                                                                                          -2
plot(z,dnorm(z),type="p",main="Z=N(0,1)")
                                                                                                  z
plot(z,dnorm(z),type="h",main="Z=N(0,1)")
                                                                  Z=N(0,1)
                                                                                               Z=N(0,1)
คำสั่งเซตรูปกราฟให้มีค่า 1 รูป (default)
                                                     dnorm(z)
                                                                                  dnorm(z)
                                                        0.2
par()
                                                        0.1
                                                                                      9.
# par(mfrow=c(1,1)) setting 1 figure
                                                        0.0
```

z

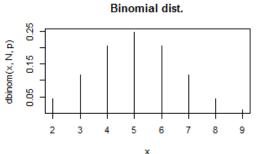
z

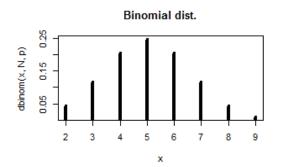
```
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot
```

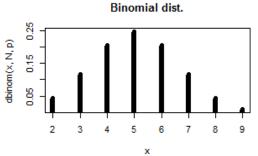
```
par(mfrow=c(3,2)) # 6 figures
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=1)
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=2)
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=3)
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=4)
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=5)
plot(x,dnorm(x),type="p",main="Z=N(0,1)",col=6)
```

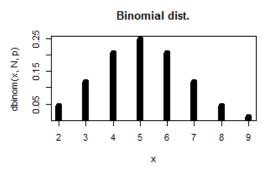


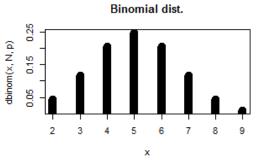
```
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot
par(mfrow=c(3,2)) # 6 figures
p <- 0.5 #p=Prob of success
N \leftarrow 10 # N = number of trials
x < -rbinom(100, N, prob = p)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.",col=1)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.",col=1,lwd=4)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.", col=1, lwd=6)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.",col=1,lwd=8)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.", col=1, lwd=10)
plot(x,dbinom(x,N,p),type="h",main="Binomial
dist.",col=1,lwd=12)
```

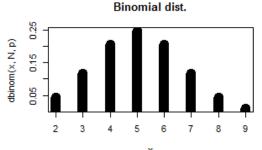








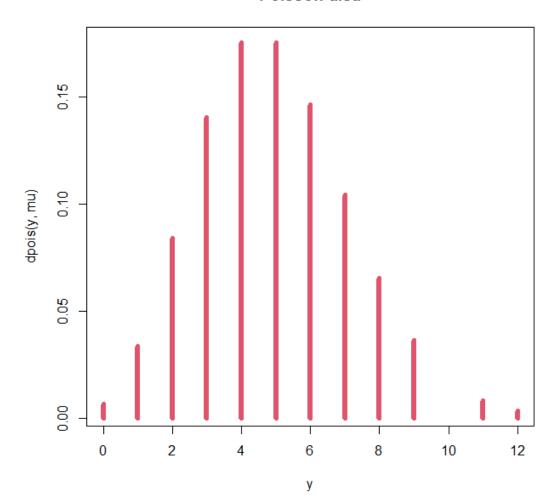




```
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot
```

```
mu <- 5
y <- rpois(100,mu)
plot(y,dpois(y,mu),type="h",main="Poisson
dist.",col=2,lwd=6)</pre>
```

Poisson dist.



```
ตัวอย่างการใช้ฟังก์ชัน plot
par(mfrow=c(3,2)) # 6 figures
z<-rnorm(200)
zsort <- sort(z)
plot(zsort,dnorm(zsort),main="Standard normal dist.",
     type="l",col="red",xlab="z",ylab="f(z)",lty=1,lwd=4)
x1 < -rnorm(200,5,1)
x1s < - sort(x1)
plot(x1s,dnorm(x1s,5,1),main="Normal dist.(mu=5,sd=1)",
     type="1",col="blue",xlab="x",ylab="f(x)",lty=2,lwd=4)
x2 < - rt(200, df=7)
x2s \leftarrow sort(x2)
plot(x2s,dt(x2s,df=7),main="T dist.(df=7)",
     tvpe="l",col="green",xlab="t",vlab="f(t)",ltv=3,lwd=4)
x3 < - rchisq(200, df=9)
x3s <- sort(x3)
plot(x3s,dchisq(x3s,df=9),main="Chisquare dist.(df=9)",
     type="1",col="black",xlab="chi-sq",ylab="f(chi-sq)",lty=4,lwd=4)
```

ผลลัพธ์ที่ได้จากฟังก์ชัน plot

