

### **Exercices sur les Fonctions**

Utopios® Tous droits réservés



# Nom complet

- Écrire une fonction qui prend en paramètre :
  - o prenom
  - o nom
- Elle retournera une chaine avec le prénom et le nom séparé d'un espace, exemple : « John Doe »
- Vous afficherez ensuite le résultat de cette fonction



#### Soustraction

- Écrire la fonction **soustraire** qui prend en paramètre:
  - o nombre a
  - o nombre b
- Elle retournera un entier qui sera la soustraction de ces deux nombres
  - o exemple : soustraire(2, 1) => résultat = 1
- De plus, lors de l'exécution la fonction affichera « Je soustrait 2 et 1 »
- Vous afficherez ensuite le résultat de cette fonction



## **Quelle Heure**

- Écrire une fonction quelle\_heure
- Cette fonction aura un paramètre heure de type str
- Ce paramètre aura "12h00" comme valeur par défaut
- La fonction ne retournera aucun résultat mais affichera l'heure directement
- exemple : quelle\_heure() => résultat : "il est 12h00"
- exemple: quelle\_heure("14h00") => résultat: "il est 14h00"



# Compteur de lettre

- Écrire une fonction compter\_lettre\_a
- Cette fonction prendra en paramètre une chaîne
- Créer une boucle qui parcourt les lettres de la chaine et compte le nombre de lettres égales à "a"
- La fonction renverra un entier
- exemple : compter\_lettre\_a("C'est le b-a ba") => résultat : 2
- exemple : compter\_lettre\_a("mixer") => résultat : 0
- Écrire une autre fonction sans boucle qui utilisera count à la place.



### **ADN**

Écrire un programme qui permet de saisir une chaine d'ADN ainsi qu'une séquence d'ADN et qui retourne le % d'occurrences de la séquence dans la chaîne Cette séquence sera composée uniquement de la combinaison de lettre suivante : 'a', 't', 'c', 'g'

- 1. Écrire une fonction **vérification\_adn** qui permet de renvoyer la valeur True si la chaine d'ADN est valide, False si elle est invalide
- 2. Écrire une fonction **saisie\_adn** qui récupère une saisie, vérifie sa validité et renvoie une chaine d'ADN valide sous forme de chaine
- 3. Écrire une fonction **proportion** qui reçoit deux paramètres : une chaine d'ADN et une séquence d'ADN. Elle renverra le % d'occurrences de la séquence dans la chaîne
- 4. Créer des instructions pour pouvoir tester le programme