

# Présentation de l'avancement du projet

Florian CHARRIAT  
17 Avril 2018

# Résumé

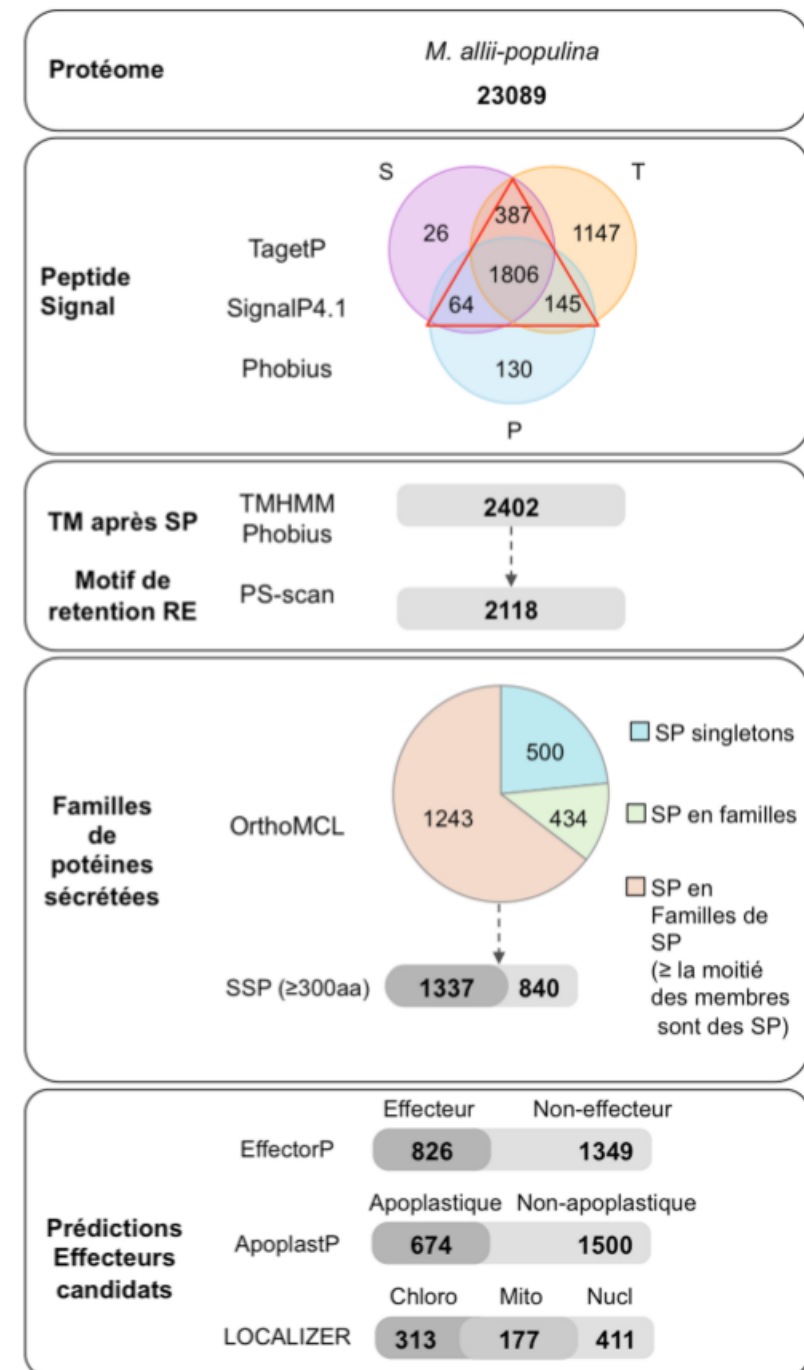
- Assemblage :
  - Utilisation outils ABYSS
  - 67 souches sélectionnées
  - 30 souches en cours de séquençage
- RepeatMasker :
  - 4.67 à 8.18 % des séquences masquées
  - Certains scaffolds ne sont constitués que d'éléments répétés
- Souches disponible :
  - 67 souches assemblé précédemment
  - 85 souches de la littérature
  - 4 souches PacBio

# Annotation

- Braker :
  - Input :
    - Assemblage au format Fasta
    - Alignement de RNAseq sur le genome au format Bam ou fichier gff des intron issue de ce RNA seq
- Annotation :
  - Création d'un fichier gff des introns :
    - Bam2hints : hints issue de l'alignement des RNAseq
    - Exonerate : hints issues de l'annotation des protéines de la souche 70-15

# Recherche de protéines sécrétées

Figure 1: Pipeline de prédiction du secretome de Cecile Lorrain



# Comparison outils

Measure	SignalP 4.1	SignalP-NN 3.0 (D- Score)	SignalP-HMM 3.0	SignalP-NN 2.0	Signal-HMM 2.0	Phobius	TargetP 1.1	WoLF PSORT	ProtComp 9.0
Sensitivity	94.9%	95.6%	95.8%	95.6%	95.8%	95.4%	95.1%	88%	63.3%
Specificity	99.7%	99.6%	98.4%	99.4%	98.2%	98.7%	98.3%	99.8%	97.2%
MCC	<b>0.96</b>	<b>0.96</b>	0.94	<b>0.96</b>	0.94	0.94	0.93	0.91	0.68

Tableau 1: Performance of secretion prediction tools applied to secreted fungal proteins sourced from SwissProt. Table issue de *Evaluation of secretion prediction highlights differing approaches needed for oomycete and fungal effectors* [1]

[1] Sperschneider J, Williams AH, Hane JK, Singh KB, Taylor JM. 2015. Evaluation of secretion prediction highlights differing approaches needed for oomycete and fungal effectors. Front Plant Sci 6:1168. doi:10.3389/fpls.2015.01168.

# Comparison outils (suite)

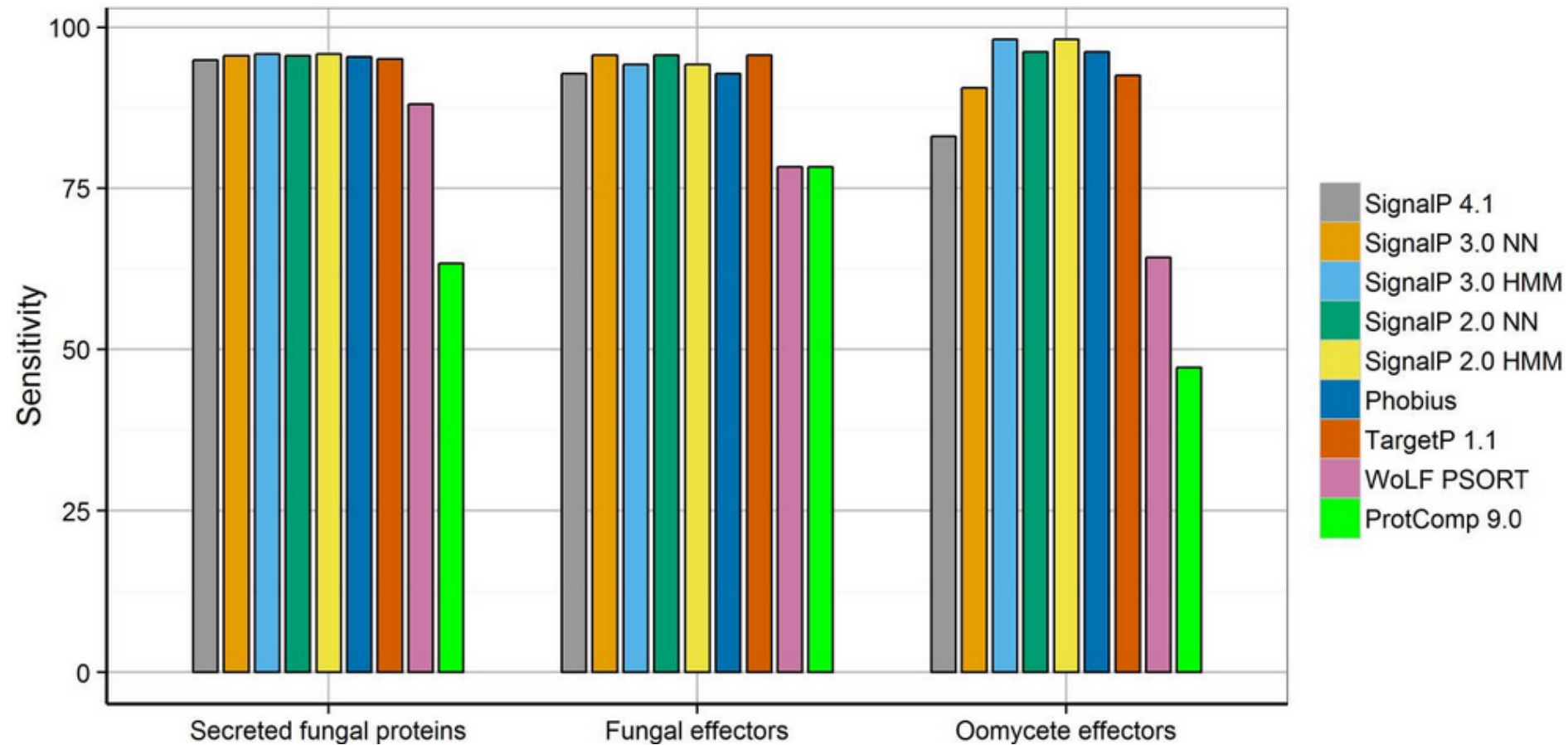


Tableau 2: Sensitivity of secretion prediction tools for secreted fungal proteins, fungal effectors, and oomycete effectors. Table issue de *Evaluation of secretion prediction highlights differing approaches needed for oomycete and fungal effectors*