

Отчёт по лабораторной работе 6

дисциплина: Математическое моделирование

Фогилева Ксения Михайловна, НПИбд-02-18

Содержание

1	Цель работы	5
2	Задание	6
3	Теоретическое введение	7
4	Выполнение лабораторной работы	9
5	Выводы	14

List of Tables

List of Figures

4.1	Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) \leq I^*$	13
4.2	Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) > I^*$	13

1 Цель работы

Построить простейшую модель эпидемии с помощью Python.

2 Задание

Вариант 43

На одном острове вспыхнула эпидемия. Известно, что из всех проживающих на острове ($N = 5500$) в момент начала эпидемии ($t = 0$) число заболевших людей (являющихся распространителями инфекции) $I(0) = 45$, а число здоровых людей с иммунитетом к болезни $R(0) = 3$. Таким образом, число людей восприимчивых к болезни, но пока здоровых, в начальный момент времени $S(0) = N - I(0) - R(0)$.

Постройте графики изменения числа особей в каждой из трех групп. Рассмотрите, как будет протекать эпидемия в случае:

- 1) если $I(0) \leq I^*$
- 2) если $I(0) > I^*$

3 Теоретическое введение

Предположим, что некая популяция, состоящая из N особей, (считаем, что популяция изолирована) подразделяется на три группы:

- $S(t)$ — восприимчивые к болезни, но пока здоровые особи;
- $I(t)$ — это число инфицированных особей, которые также при этом являются распространителями инфекции;
- $R(t)$ — это здоровые особи с иммунитетом к болезни.

До того, как число заболевших не превышает критического значения I^* считаем, что все больные изолированы и не заражают здоровых. Когда $I(t) > I^*$, тогда инфицирование способны заражать восприимчивых к болезни особей.

Скорость изменения числа $S(t)$ меняется по закону:

$$\frac{\partial S}{\partial t} = \begin{cases} -\alpha S, & I(t) > I^* \\ 0, & I(t) \leq I^* \end{cases}$$

Поскольку каждая восприимчивая к болезни особь, которая в конце концов заболевает, сама становится инфекционной, то скорость изменения числа инфекционных особей представляет разность за единицу времени между заразившимися и теми, кто уже болеет и лечится, т.е.:

$$\frac{\partial I}{\partial t} = \begin{cases} -\alpha S - \beta I, & I(t) > I^* \\ -\beta I, & I(t) \leq I^* \end{cases}$$

А скорость изменения выздоравливающих особей (при этом приобретающие иммунитет к болезни):

$$\frac{\partial R}{\partial t} = \beta I$$

Постоянные пропорциональности:

- α — коэффициент заболеваемости
- β — коэффициент выздоровления

Для того, чтобы решения соответствующих уравнений определялись однозначно, нужно задать начальные условия. Считаем, что на начало эпидемии в момент времени $t = 0$ нет особей с иммунитетом к болезни $R(0) = 0$, а число инфицированных и восприимчивых к болезни особей $I(0)$ и $S(0)$ соответственно. Для анализа картины протекания эпидемии необходимо рассмотреть два случая: $I(0) \leq I^*$ и $I(0) > I^*$.

4 Выполнение лабораторной работы

1. Изучили начальные условия. Популяция состоит из 5500 особей. В начальный момент времени: 45 особей инфицированы; 3 здоровая особь с иммунитетом; $(5500 - 45 - 3)$ особей, восприимчивых к болезни. Задали коэффициент заболеваемости, он равен $0,15$, коэффициент выздоровления - $0,02$.

2. Код на Python:

```
a = 0.15
```

```
b = 0.02
```

```
N = 5500
```

```
I0 = 45
```

```
R0 = 3
```

```
S0 = N - I0 - R0
```

```
x0 = [S0, I0, R0]
```

3. Задали условия для времени: $t_0 = 0$ – начальный момент времени, $t_{max} = 200$ – предельный момент времени, $dt = 0,01$ – шаг изменения времени.

4. Добавили в программу условия времени:

```
t0 = 0
```

```
tmax = 200
```

```
dt = 0.01
```

```
t = np.arange(t0, tmax, dt)
```

5. Код системы уравнений, соответствующей 1-ому случаю ($I(0) \leq I^*$):

```
def S1(x, t):  
    dx1_0 = 0  
    dx1_1 = - b*x[1]  
    dx1_2 = b*x[1]  
    return dx1_0, dx1_1, dx1_2
```

6. Код системы уравнений, соответствующей 2-ому случаю ($I(0) > I^*$):

```
def S2(x, t):  
    dx2_0 = -a*x[0]  
    dx2_1 = a*x[0] - b*x[1]  
    dx2_2 = b*x[1]  
    return dx2_0, dx2_1, dx2_2
```

7. Запрограммировали решение систем уравнений:

```
y1 = odeint(S1, x0, t)  
y2 = odeint(S2, x0, t)
```

8. Построение графика для 1-ого случая ($I(0) \leq I^*$):

```
plt.plot(t, y1[:,0], label='S(t)')  
plt.plot(t, y1[:,1], label='I(t)')  
plt.plot(t, y1[:,2], label='R(t)')  
plt.title('I(0) <= I*')  
plt.legend()
```

9. Построение графика для 2-ого случая ($I(0) > I^*$):

```
plt.plot(t, y2[:,0], label='S(t)')  
plt.plot(t, y2[:,1], label='I(t)')
```

```
plt.plot(t, y2[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) > I*')
plt.legend()
```

10. Код всей программы:

```
import math
import numpy as np
from scipy.integrate import odeint
import matplotlib.pyplot as plt

a = 0.15
b = 0.02

N = 5500
I0 = 45
R0 = 3
S0 = N - I0 - R0
x0 = [S0, I0, R0]

t0 = 0
tmax = 200
dt = 0.01
t = np.arange(t0, tmax, dt)

def S1(x, t):
    dx1_0 = 0
    dx1_1 = - b*x[1]
    dx1_2 = b*x[1]
    return dx1_0, dx1_1, dx1_2
```

```

def S2(x, t):
    dx2_0 = -a*x[0]
    dx2_1 = a*x[0] - b*x[1]
    dx2_2 = b*x[1]
    return dx2_0, dx2_1, dx2_2

y1 = odeint(S1, x0, t)
y2 = odeint(S2, x0, t)

plt.plot(t, y1[:,0], label='S(t)')
plt.plot(t, y1[:,1], label='I(t)')
plt.plot(t, y1[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) <= I*')
plt.legend()

plt.plot(t, y2[:,0], label='S(t)')
plt.plot(t, y2[:,1], label='I(t)')
plt.plot(t, y2[:,2], label='R(t)')
plt.title('I(0) > I*')
plt.legend()

```

11. Получились следующие динамики изменения числа людей из каждой группы (см. рис. 4.1 и 4.2):

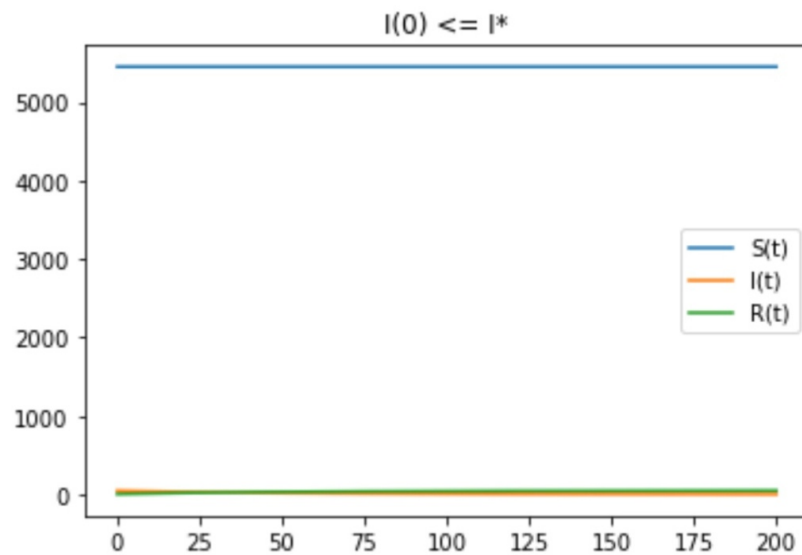


Figure 4.1: Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) \leq I^*$

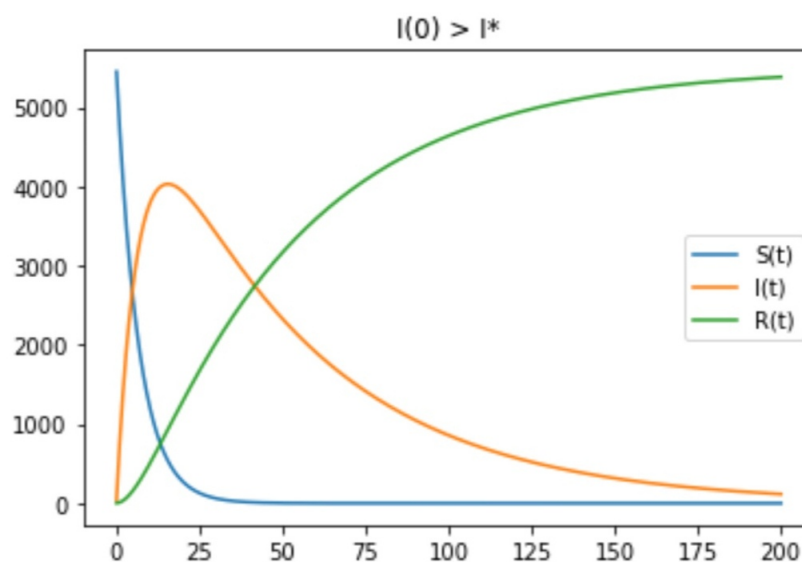


Figure 4.2: Динамика изменения числа людей в каждой из трех групп при $I(0) > I^*$

5 Выводы

Построили простейшую модель эпидемии с помощью Python.

В обоих случаях люди острова смогут победить болезнь.