## 文件目录说明

* .\doc：“复杂系统典型应用问题的建模与优化方法”课程作业的相关文档存放目录；
  + .\doc\GA\_for\_MOF\_Array\_opt：复现的“用于MOF阵列优化的遗传算法库”开发文档的存放目录；
  + .\doc\HomeWorks：结课报告存放目录。
* .\src：复现的“用于MOF阵列优化的遗传算法库”源文件的存放目录；
* .\data: 复现的“用于MOF阵列优化的遗传算法库”输出数据的存放目录。

## src代码使用及data目录使用的详细说明

### src代码使用说明：

* 文件main.py是使用本代码的入口文件，直接打开运行即可，同时可以根据其中的注释自行修改各项参数；
* 子目录GA\_for\_MOF\_Array\_opt中存放的是本作业遗传算法的代码源文件，如果没有修改遗传算法结构的需求，建议不要改动。

### data目录使用说明：

* 文件夹子目录命名为mutation\_rate = num1 to num2 step = num3，其中num1、num2、num3分别为变异率参数化扫描的起始值、终止值、步长；
* 文件夹子目录的子目录命名为crossover&mutation或mutation\_only，分别代表着产生子代的策略为交叉加变异，以及只使用变异。
* 文件夹子目录的子目录中名为DataPlot.m的文件，为matlab script，可以直接运行绘制出遗传算法适值-代数曲线，数据已经准备好不需要重新使用csv文件导入，数据文件为matlab\_data.mat，另外的fig和tif文件是绘制好的遗传算法适值-代数曲线。