



几何是万物美的本原。

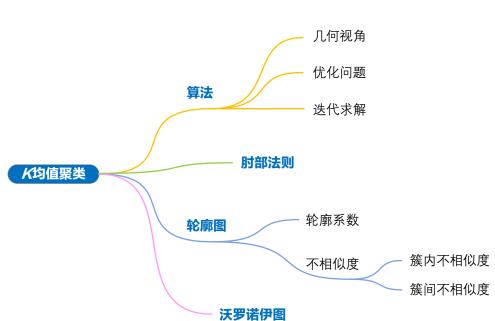
Geometry is the archetype of the beauty of the world.

—— 约翰内斯·开普勒 (Johannes Kepler) | 德国天文学家、数学家 | 1571 ~ 1630



- ◀ numpy.cov() 计算协方差矩阵
- ▼ pandas.DataFrame.cov() 计算数据帧协方差矩阵
- ◀ scipy.spatial.Voronoi 函数获得沃罗诺伊图相关数据
- ◀ scipy.spatial.voronoi_plot_2d 函数绘制沃罗诺伊图
- sklearn.cluster.KMeans() K均值聚类算法函数; model.fit() 拟合数据, model.predict() 预测聚类标签, model.cluster_centers_, 输出簇质心位置, model.inertia_输出簇 SSE 之和
- ◀ yellowbrick.cluster.SilhouetteVisualizer 函数绘制轮廓图





20.1 **K均值聚类**

K均值聚类 (K-means clustering) 的 K不同于 k 近邻中的 k。

本书第2章介绍的 k 近邻算法 (k-Nearest Neighbors, k-NN) 是有监督学习分类算法,样本数据有标 签, 它的 k 是指设定的近邻数量。

而 K均值聚类则是无监督学习聚类算法,样本数据无标签,K是指将给定样本集 Ω 划分成 K簇 C= $\{C_1, C_2, ..., C_K\}_{\circ}$

原理

图 I 所示为 K 均值算法原理图。K 均值聚类的每一簇样本数据用**簇质心** (cluster centroid) 来描述。比 如,二聚类问题有两个簇质心 μ 1和 μ 2。如果以欧氏距离为距离度量,距离质心 μ 1更近的点,被划分为 C_1 簇; 而距离质心 μ_2 更近的点, 被划分为 C_2 簇。

比如, $\mathbb{B}_1 + A$ 点明显距离 μ_1 更近,A 点被划分为 C_1 簇,C 点距离 μ_2 更近,因此 C 点划分到 C_2 簇。B 点距离 μ_1 和 μ_2 相等,因此 B 点位于决策边界。很明显,决策边界为 μ_1 和 μ_2 中垂线 (perpendicular bisector)_o

建议大家回顾《矩阵力量》第19章讲解的有关中垂线内容。

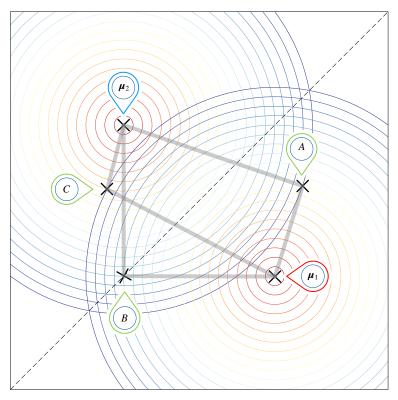


图 1. K均值算法原理

由于采用欧氏距离,图 1 中簇质心 μ_1 和 μ_2 等高线为两组同心圆;同心圆颜色相同,代表距离簇质心 μ_1 和 μ_2 距离相同。因此,同色同心圆的交点位于决策边界上。

20.2 优化问题

K均值聚类算法的优化目标是,将所有给定样本点划分 K簇,并使得簇内距离平方和最小。采用最简单的欧拉距离,以上优化目标记做:

$$\arg\min_{C} \sum_{k=1}^{K} \sum_{\mathbf{x} \in C_{k}} \|\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k}\|^{2}$$
 (1)

其中,x 为样本数据任意一点,形式为列向量; μ_k 为任意一簇 C_k 样本数据的质心。

实际上,(1) 中簇内距离平方和相当于**残差平方和** (Sum of Squared Error, SSE)。SSE 度量样本数据的聚集程度;为了方便读者理解,下一节专门讲解质心、协方差矩阵、残差平方和等描述簇数据的数学工具。

任意一点x和质心 μ_k 欧氏距离平方,可以通过下式计算得到:

$$d^{2} = \operatorname{dist}(\mathbf{x}, \boldsymbol{\mu}_{k})^{2} = \|\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k}\|^{2} = (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})^{T} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})$$
(2)

其中.

$$\boldsymbol{x} = \begin{bmatrix} x_1 & x_2 & \cdots & x_D \end{bmatrix}^{\mathrm{T}}, \quad \boldsymbol{\mu}_k = \begin{bmatrix} \mu_{k,1} & \mu_{k,2} & \cdots & \mu_{k,D} \end{bmatrix}^{\mathrm{T}}$$
 (3)

两特征聚类

当特征数为D=2时,欧氏距离平方和展开为下式:

$$d^{2} = (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})^{\mathrm{T}} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})$$

$$= (x_{1} - \mu_{k,1})^{2} + (x_{2} - \mu_{k,2})^{2}$$
(4)

丛书反复介绍,当 d 取某一定值时,(4) 所示解析式是以 ($\mu_{k,1}$, $\mu_{k,2}$) 为圆心的正圆,d 为半径。如图 1 所示,d 取不同值时,(4) 的几何表达为以 μ_1 和 μ_2 为中心得到两组同心正圆。

对干二分类问题. 决策边界满足:

$$(\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_1)^{\mathrm{T}} (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_1) = (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_2)^{\mathrm{T}} (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_2)$$
 (5)

整理得到决策边界解析式

$$\left(\boldsymbol{\mu}_{1} - \boldsymbol{\mu}_{2}\right)^{\mathrm{T}} \left(\boldsymbol{x} - \frac{\left(\boldsymbol{\mu}_{1} + \boldsymbol{\mu}_{2}\right)}{2}\right) = 0 \tag{6}$$

发现 K均值聚类决策边界为一超平面,超平面通过 μ_1 和 μ_2 中点,并垂直于 μ_1 和 μ_2 连线,即垂直于 $(\mu_2 - \mu_1)$ 。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

三聚类

图 2 所示为三聚类问题簇数据和质心位置。根据这三个质心位置,可以绘制两两质心的中垂线。决策边界在这三条中垂线上。图 2 实际上便是**沃罗诺伊图** (Voronoi diagram)。本章最后一节介绍沃罗诺伊图。

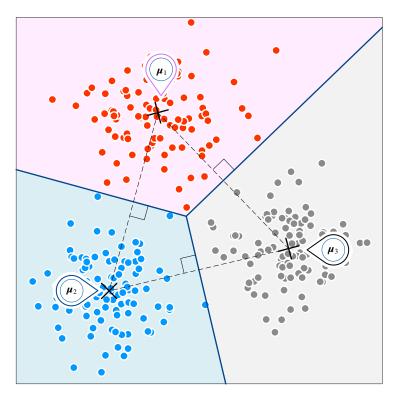


图 2. 三聚类问题簇质心、决策边界和区域划分

图 3 中, z 轴高度代表三聚类预测标签。

容易发现,在确定决策边界位置上,K均值聚类原理和本书第 2 章介绍的最近质心分类器 (Nearest Centroid Classifier) 很相似。

不同的是, K均值聚类算法采用迭代方式找到簇质心位置, 这是下一节要介绍的内容。

采用欧氏距离的 K 均值聚类相当于**高斯混合模型** (Gaussian Mixture Model, GMM) 的一个特例。这一点,下一章会详细介绍。

目前 Scikit-learn 中 K 均值聚类算法距离度量仅支持欧氏距离;MATLAB 中 K 均值聚类算法函数还支持城市街区距离、余弦距离、相关系数距离等。

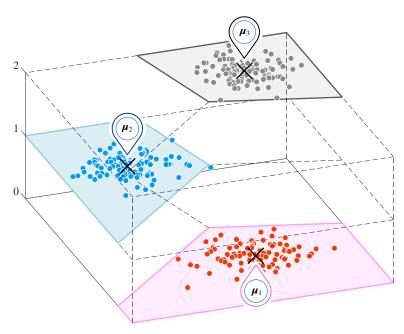


图 3. 三聚类预测标签

20.3 迭代过程

本节以二聚类为例介绍 K 均值聚类流程图。

流程

流程输入为样本数据和聚类簇数 (比如 2)。然后,从样本中随机选取 2 个数据作为初始簇质心 μ_1 和 μ_2 。然后进入如下迭代循环:

- **◄** 计算每一个样本和均值向量 μ_1 和 μ_2 距离;
- ▼ 比较每个样本和 µ1 和 µ2 距离,确定簇划分;
- ◀ 根据当前簇, 计算并更新均值向量 µ₁ 和 µ₂

直到均值向量 μ_1 和 μ_2 满足迭代停止条件,得到簇划分。

图 4 所示为一鸢尾花数据为例 K 均值算法迭代过程。随机选取三个样本点 (黄色高亮) 作为初始簇质 $\dot{\nu}$ $\dot{\mu}_1$ 、 $\dot{\mu}_2$ 和 $\dot{\mu}_3$,经过 10 次迭代,簇质心位置不断连续变化,最终收敛。

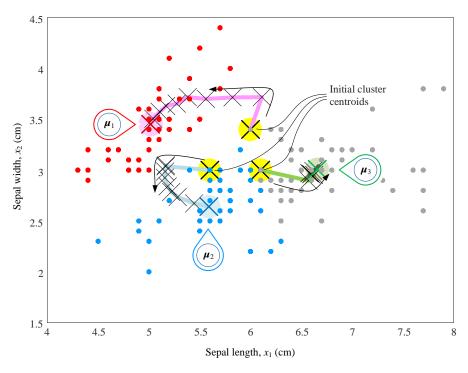


图 4. K均值算法迭代过程,鸢尾花数据为例

鸢尾花数据聚类

图 5 所示为 K 均值算法聚类鸢尾花数据。Scikit-learn 工具包用来 K 均值聚类算法函数为 sklearn.cluster.KMeans()。利用 model.fit() 拟合数据后, model.predict() 预测聚类标签, model.cluster centers ,输出簇质心位置。

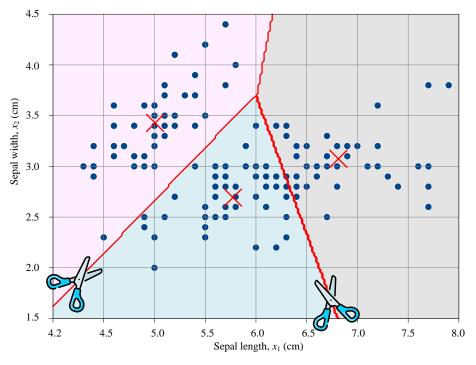


图 5. K均值算法聚类鸢尾花数据

代码 Bk7_Ch20_01.ipynb 绘制图 5。下面聊聊其中关键语句。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

- ③用 sklearn.datasets.load_iris() 导入数据。
- □ 只用鸢尾花数据的前两个特征 (花萼长度、花萼宽度) 训练聚类。请大家尝试使用鸢尾花其他特征组合完成聚类。
 - ⓒ用 sklearn.cluster.KMeans()创建 KMeans 对象。

n_clusters=3 指定了要将数据分成的簇的数量。请大家尝试其他簇数,比如 2、4 等等,并比较结果。

n_init='auto'指定了初始化中心点的次数。KMeans 算法的结果可能受到初始中心点位置的影响,因此可以尝试多次不同的初始化以找到更好的聚类结果。'auto'表示算法会自动选择一个合适的初始化次数,当前默认 10 次。

- d 调用 KMeans 对象 kmeans,用 fit()方法对训练数据进行拟合。
- ●使用 KMeans 模型对网格数据进行聚类预测。

其中, ravel() 是 numpy 中的方法, 它将多维数组转换为一维。np.c_[xx.ravel(),

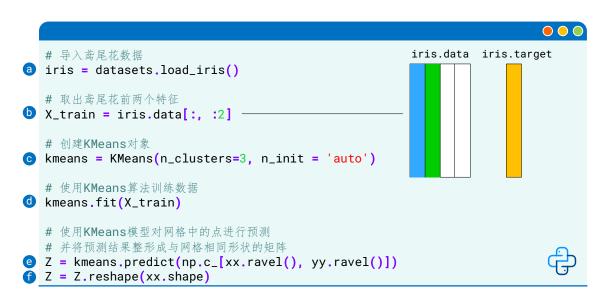
yy.ravel()] 按列并列拼接两个一维数组,形成一个包含网格中所有点坐标的二维数组。

《编程不难》介绍过,对于已经训练好的聚类模型,如果模型可以将全新的数据点分配到确定的簇中,这类聚类算法叫做归纳聚类 (inductive clustering)。

不具备这种能力的聚类算法叫做非归纳聚类 (non-inductive clustering)。非归纳聚类只能对训练数据进行聚类,而不能将新数据点添加到已有的模型中进行预测。

显然. KMeans 是一种归纳聚类算法。

①将聚类预测结果规整成和网格数据相同形状的矩阵。



代码 1. 用 sklearn.cluster.KMeans()完成聚类 | 中 Bk7_Ch20_01.ipynb

20.4 肘部法则: 选定聚类簇值

手肘法则 (elbow method) 可以用来判断合适的聚类簇值 K。手肘法则的关键指标是误差平方和 SSE:

$$SSE(\boldsymbol{X}|K) = \sum_{k=1}^{K} SSE(C_k) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{\boldsymbol{x} \in C_k} \|\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_k\|^2$$
(7)

SSE 也叫惯性量 (inertia)。

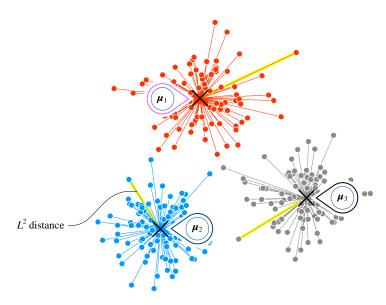


图 6. 样本数据和各簇质心 μ_1 、 μ_2 和 μ_3 之间的距离

随着聚类簇数 K 不断增大,均值聚类算法对样本数据划分会逐渐变得更加精细;因此,随着 K 不断 增大,每个簇的聚合程度会逐渐提高,SSE会逐渐变小。

极端情况, 当 K = n, 也就是每个样本数据自成一簇, SSE = 0。

K不断增大,SSE 不断减小的过程如图7所示。观察此图发现一个有意思的现象,当 K 小于"合适"聚 类数时,K增大时,会导致 SSE 大幅下降;但是,K大于"合适"聚类数时,K再增大,SSE 下降幅度不 断变缓。

这就是为什么图7呈现出"手肘"形状,也便是手肘法则的名称来由。理想的聚类簇数 K 便是"肘"拐点 的位置。K均值聚类算法函数输出值 model.inertia 便是当前 SSE 值。

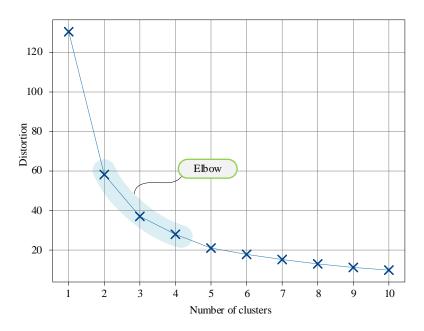


图 7. K均值算法聚类鸢尾花数据



代码 Bk7_Ch20_02.ipynb 绘制图 7。请大家自行学习这段代码。

20.5 轮廓图: 选定聚类簇值

轮廓图 (silhouette plot) 也常用来选定聚类簇值 K。

轮廓图上每一条线代表的是**轮廓系数** (silhouette coefficient), s_i , 可以通过下式计算获得:

$$s_i = \frac{b_i - a_i}{\max\{a_i, b_i\}} \tag{8}$$

其中, a_i为簇内不相似度, b_i为簇间不相似度。

簇内不相似度

如图 8 (a) 所示,簇内不相似度 a_i 代表样本 i ($i \in C_k$) 到同簇其他样本 j ($j \in C_k$, $i \neq j$) 距离平均值:

$$a_i = \frac{1}{\operatorname{count}(C_k) - 1} \sum_{j \in C_k, i \neq j} d_{i,j}$$
(9)

其中, $d_{i,j}$ 为样本 i 和 j 之间距离。 a_i 越小, 说明样本 i 越应该被划分到 C_k 簇。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。 代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML 本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

本书配套徵课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466 欢迎大家批评指教,本书专属邮箱:jiang.visualize.ml@gmail.com

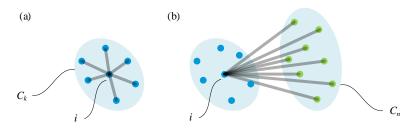


图 8. a, 为簇内不相似度, 和 b, 为簇间不相似度

簇间不相似度

如图 8 (b) 所示,簇间不相似度 b_i 代表样本 i ($i \in C_k$) 到其他簇 (C_m) 样本 j ($j \in C_m$, $C_m \neq C_k$) 距离平均值的最小值:

$$b_i = \min \frac{1}{\operatorname{count}(C_m)} \sum_{j \in C_m} d_{i,j}$$
(10)

b_i越大,说明样本 i 越不应该被划分到其他簇。

▲ 注意, 当簇数超过 2 时, bi需要在不同簇之间取最小值。

以鸢尾花数据为例

轮廓系数 s_i 的取值在 [-1, 1] 区间。 s_i 越趋向于 1,说明样本 i 分类越证确; s_i 越趋向于 -1,说明样本 i 分类越错误。当 s_i 在 0 附近时,样本 i 靠近聚类边界。

图 9、图 10 和图 11 所示为 K 分别取 3、4 和 5 时,聚类边界和轮廓图。理想的聚类结果是,簇内尽量紧密,簇间尽量远离。轮廓系数平均值越高,说明分类越合理。比较图 9、图 10 和图 11, K=3 时,轮廓系数较高,并且轮廓图簇宽度均匀。轮廓图结合肘部法则判断聚类簇数更合适。

计算轮廓系数的函数为 sklearn.metrics.silhouette score。

yellowbrick.cluster.SilhouetteVisualizer函数绘制轮廓图。

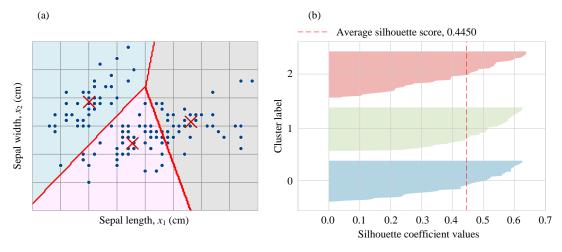


图 9. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图, K=3

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

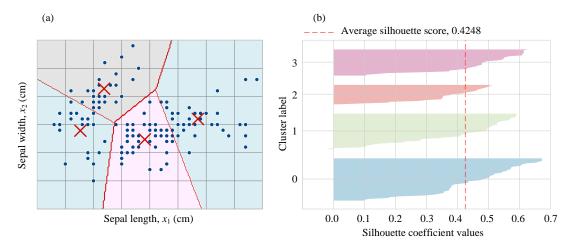


图 10. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图, K=4

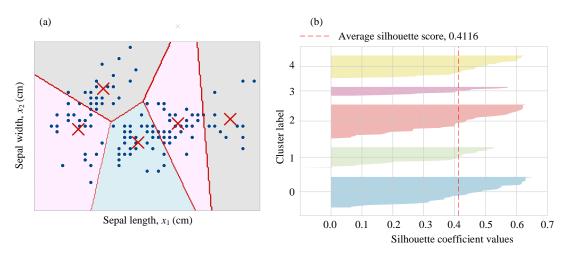


图 11. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图,K=5



代码 Bk7_Ch20_03.ipynb 绘制图 9、图 10 和图 11。请大家先用 pip install yellowbrick 安装 yellowbrick。

20.6 沃罗诺伊图

沃罗诺伊图 (Voronoi diagram),是由俄国数学家格奥尔吉·沃罗诺伊 (Georgy Voronoy) 发明的空间分割算法。本章介绍的 K 均值聚类,本书前文介绍的最近质心分类器 (Nearest Centroid Classifier),实际上都依赖沃罗诺伊图确定决策边界。

图 12 所示为平面 4 点构造的沃罗诺伊图。距离较近的两点连线,绘制中垂线;若干中垂线便是分割平面区域的边界线。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。 代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML 本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

scipy.spatial.Voronoi 函数获得沃罗诺伊图相关数据。 scipy.spatial.voronoi_plot_2d 函数绘制沃罗诺伊图。图 13 所示为随机生成平面 30 个点,以及它们构造的沃罗诺伊图。

K 均值聚类,相当于在利用圆圈 (欧氏距离) 描述每个簇质心;而实际上,描述簇数据更好的形状可能是正椭圆,甚至旋转椭圆。这就是下一章高斯混合模型 GMM 需要解决的问题。

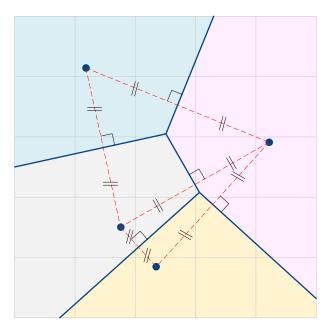


图 12.4 点平面沃罗诺伊图

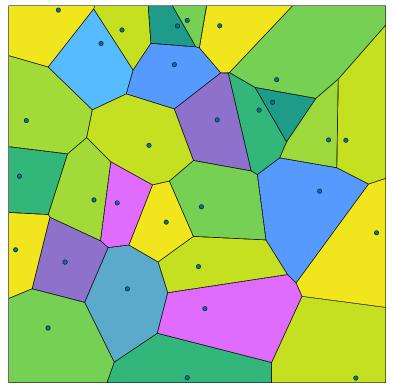


图 13.30 点平面沃罗诺伊图

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com



代码 Bk7_Ch20_04.ipynb 绘制图 13。



K均值聚类是一种无监督的机器学习技术,用于将数据集分为K个不同的簇。该算法首先需要随机 初始化 K 个聚类中心,然后根据数据点和聚类中心的距离将数据点划分到最近的簇中。接着更新聚类中 心,并重复以上步骤,直到聚类中心不再发生变化或达到预设的迭代次数。

该算法的优化问题是最小化数据点与其所属聚类中心之间的距离和,可以使用梯度下降等方法来求 解。肘部法则是一种确定最佳 K 值的方法,它基于聚类中心数量 K 与聚类误差平方和之间的关系。当 K值增大时,SSE逐渐减小,但减小速度会逐渐变慢,当 K 达到某个值时,SSE 的下降速度会急剧减缓, 这个 K 值对应的点就是肘部。轮廓图是一种衡量聚类结果质量的方法,它基于数据点与其所属簇的紧密 度和分离度之间的平衡。



注意,K-means 聚类结果的簇质心并不是从样本数据点挑选出来的;如果从样本数据点所在位置挑 选合适的位置作为簇质心的话,这种方法叫做 k 中心聚类 (k-medoids clustering)。请大家参考下例,这个 例子还使用不同距离度量。

https://scikit-learn-extra.readthedocs.io/en/latest/auto_examples/cluster/plot_kmedoids_digits.html