# Algoritmi aleatorii/ probabiliști

#### Cadru

- Probleme pentru care nu se cunosc algoritmi polinomiali
- Căutarea limitată (BT, BB) în spaţiul soluţiilor candidat –
   lentă
  - ⇒ relaxăm restricțiile impuse soluțiilor

## Relaxarea restricțiilor impuse soluțiilor

- Probleme de optim
  - · se preferă o soluție suboptimală acceptabilă
  - · marja de eroare poate fi controlată probabilistic

## Relaxarea restricțiilor impuse soluțiilor

- Probleme de optim
  - · se preferă o soluție suboptimală acceptabilă
  - marja de eroare poate fi controlată probabilistic
- Probleme cu soluție unică
  - se preferă o soluție care nu este exactă
  - se apropie cu o probabilitate mare de soluția exacta

## Relaxarea restricțiilor impuse soluțiilor

- genetici
- probabilişti de tip Monte Carlo
- probabilişti de tip Las Vegas
- numerici
- euristici greedy

- Sunt utilizaţi în probleme de optim, pentru care
  - spaţiul de căutare a soluţiilor posibile este mare
  - nu se cunosc algoritmi exacţi mai rapizi
- Furnizează o soluţie care nu este neapărat optimă.
- Căutarea în spaţiul soluţiilor candidat euristică, bazată pe principii ale evoluţiei în genetică

Denumirea lor se datorează preluării unor mecanisme din biologie: moştenirea genetică şi evoluţia naturală pentru populaţii de indivizi

#### Aplicaţii

- Robotică, bioinformatică, inginerie
  - · Probleme de trafic, rutare, proiectare
- Criptare, code-breaking
- Teoria jocurilor
- Clustering
- etc

Exemplu – pentru ilustrarea conceptelor

#### Maximul unei funcții pozitive

```
Fie f:D \to R. Să se calculeze

\max\{ f(x) \mid x \in D \}, \text{ unde } D = [a, b].
```

• Presupunem f(x) > 0,  $\forall x \in D$ .

## Algoritmi Genetici - Noţiuni

Cromozom = mulţime ordonată de elemente (gene) ale căror valoare (alele) determină caracteristicile unui individ

|     | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 |
|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|
| _ L |   |   |   |   |   |   |   |   |

Populaţie = mulţime de indivizi care trăiesc într-un mediu la care trebuie să se adapteze

## Algoritmi Genetici - Noţiuni

Cromozom = mulţime ordonată de elemente (gene) ale căror valoare (alele) determină caracteristicile unui individ

| 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 |
|---|---|---|---|---|---|---|---|
|---|---|---|---|---|---|---|---|

- Populaţie = mulţime de indivizi care trăiesc într-un mediu la care trebuie să se adapteze
- Fitness (adecvare) = măsură a gradului de adaptare la mediu pentru fiecare individ (funcţie de fitness)

## Algoritmi Genetici - Noţiuni

- Generație = etapă în evoluția populației
- Selecție = proces prin care sunt promovați indivizii cu grad ridicat de adaptare la mediu
- ▶ Operatori genetici ⇒ indivizi din noua generaţie:
  - încrucişare (combinare, crossover) moştenesc caracteristicile părinților
  - mutație pot dobândi și caracteristici noi

# Structura unui algoritm genetic (J. Holland, 1970)

- t = 0
- considerăm o **populație inițială** P(0) multiset al lui D

$$t = t + 1$$

- t = 0
- considerăm o **populație inițială** P(0) multiset al lui D
- cât timp nu este îndeplinită **condiția de terminare** construim o populație nouă P(t+1) din P(t) astfel

$$t = t + 1$$

- t = 0
- considerăm o **populație inițială** P(0) multiset al lui D
- cât timp nu este îndeplinită condiția de terminare
   construim o populație nouă P(t+1) din P(t) astfel
   selecție populație intermediară P'(t)

$$t = t + 1$$

- t = 0
- considerăm o **populație inițială** P(0) multiset al lui D
- cât timp nu este îndeplinită condiția de terminare
  construim o populație nouă P(t+1) din P(t) astfel
  selecție populație intermediară P'(t)
  aplicăm operatorul de încrucișare pentru indivizii din P'(t) o nouă populație intermediară P"(t)

$$t = t + 1$$

- t = 0
- considerăm o **populație inițială** P(0) multiset al lui D
- cât timp nu este îndeplinită condiția de terminare construim o populație nouă P(t+1) din P(t) astfel selecție populație intermediară P'(t) aplicăm operatorul de încrucișare pentru indivizii din P'(t) o nouă populație intermediară P"(t) aplicăm **operatorul de mutație**  $\longrightarrow$  populația P(t+1) t = t + 1

## Condiție de oprire

- număr maxim de iterații / durată de execuție
- stabilizarea performanței medii /maxime
- am obținut o soluție *suficient de bună*

#### Exemplu - maximul unei funcții pozitive

#### Date de intrare + parametri de control

- intervalul [a, b]
- precizia p (numărul de zecimale)
- dimensiunea populației n
- numărul de generații
- probabilitatea de încrucișare pc
- probabilitatea de mutație pm

- > Dimensiune (număr de cromozomi) :
  - n fixă, dată
  - constantă pe parcursul algoritmului

Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă



Cum calculăm lungimea pentru puncte din D = [a,b]?

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă

Cum calculăm lungimea pentru puncte din D = [a,b]?



depinde de precizie (număr de zecimale)

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă
  - Pentru D = [a,b] și o precizie p dată (ca număr de zecimale):
    - − discretizarea intervalului ⇒ subintervale
    - lungimea cromozomului l

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă
  - Pentru D = [a,b] și o precizie p dată (ca număr de zecimale):
    - discretizarea intervalului  $\Rightarrow$  (b a)\* 10° subintervale
    - lungimea cromozomului l

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă
  - Pentru D = [a,b] și o precizie p dată (ca număr de zecimale):
    - discretizarea intervalului  $\Rightarrow$  (b a)\* 10° subintervale
    - lungimea cromozomului l

$$2^{l-1} < (b-a)10^p \le 2^l \implies l = \lceil \log_2((b-a)10^p) \rceil$$

- Codificare = cum asociem unei configurații din spațiul de căutare un cromozom
  - În general: codificare binară, lungime fixă
  - Pentru D = [a,b] și o precizie p dată (ca număr de zecimale):
    - discretizarea intervalului  $\Rightarrow$  (b a)\* 10° subintervale
    - lungimea cromozomului l

$$2^{l-1} < (b-a)10^p \le 2^l \implies l = \lceil \log_2((b-a)10^p) \rceil$$

$$X_{(2)} \to X_{(10)} \to \frac{b-a}{2^l-1} X_{(10)} + a$$

- Populaţia iniţială
  - se generează aleator (cromozomii)

- Populaţia iniţială
  - se generează aleator (cromozomii)

### Funcția de fitness

- se pot folosi distanțe cunoscute (euclidiană, Hamming)
- pentru problema de maxim funcția este chiar f

⇒ determinarea unei populații intermediare, ce conține indivizi care vor fi supuși operatorilor genetici

- Selecție proporțională
- Selecție elitistă
- Selecție turneu
- Selecție bazată pe ordonare

- Selecție proporțională
  - Presupunem  $P(t) = \{X_1, ..., X_n\}$
  - asociem fiecărui individ X<sub>i</sub> o probabilitate p<sub>i</sub> de a fi selectat, în funcție de performanța acestuia (dată de funcția de fitness f)

 folosind metoda ruletei selectăm n indivizi (!copii), cu distribuția de probabilitate (p<sub>1</sub>, p<sub>2</sub>, ..., p<sub>n</sub>)

- Selecție proporțională
  - Presupunem  $P(t) = \{X_1, ..., X_n\}$
  - asociem fiecărui individ X<sub>i</sub> o probabilitate p<sub>i</sub> de a fi selectat, în funcție de performanța acestuia (dată de funcția de fitness f)

$$p_i = \frac{f(X_i)}{F}$$
 
$$F = \sum_{j=1}^n f(X_j) = performanţa \ total \ a \ populaţiei$$

 folosind metoda ruletei selectăm n indivizi (!copii), cu distribuția de probabilitate (p<sub>1</sub>, p<sub>2</sub>, ..., p<sub>n</sub>)

- Selecție proporțională
  - folosind metoda ruletei selectăm n indivizi (!copii), cu distribuția de probabilitate (p<sub>1</sub>, p<sub>2</sub>, ..., p<sub>n</sub>)

- Selecție proporțională
  - folosind metoda ruletei selectăm n indivizi (!copii), cu distribuția de probabilitate (p<sub>1</sub>, p<sub>2</sub>, ..., p<sub>n</sub>)

#### Etapa de selecție:

```
P'(t) \leftarrow \emptyset for i = 1, n genereaza j cu probabilitatea (p1, p2, ..., pn) folosind metoda ruletei:
```

adauga la populația selectată P'(t) o copie a lui  $X_j$ 

## Selecția

- Selecție proporțională
  - folosind metoda ruletei selectăm n indivizi (!copii), cu distribuția de probabilitate (p<sub>1</sub>, p<sub>2</sub>, ..., p<sub>n</sub>)

#### Etapa de selecție:

```
P'(t) ← Ø
for i = 1,n
    genereaza j cu probabilitatea (p1,p2,...,pn) folosind
    metoda ruletei:
```

- genereaza u variabila uniformă pe [0,1)
- determină indicele j astfel încât u este între  $q_{j-1}=\ p_1+...+p_{j-1}\ \text{și}\ q_j=\ p_1+...+p_j\ (\text{cu convenția}\ q_0=0)$

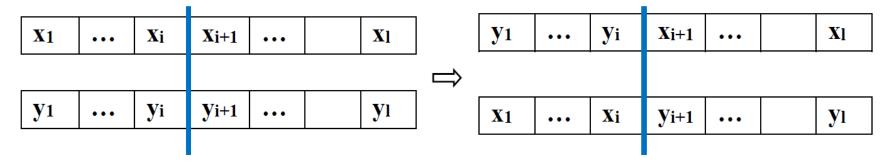
adauga la populația selectată P'(t) o copie a lui  $X_j$ 

# Selecția

- Selecție elitistă = trecerea explicită a celui mai bun individ în generația următoare
- Selecție turneu = se aleg aleatoriu k indivizi din populație şi se selectează cel mai performant dintre ei
- Selecție bazată pe ordonare = se ordonează indivizii după performanță şi li se asociază câte o probabilitate de selecție în funcție de locul lor după ordonare
- etc

- Permite combinarea informațiilor de la părinți
- Doi părinți dau naștere la doi descendenți
  - cu un punct de tăietură (de rupere)
  - cu mai multe puncte de rupere
  - uniformă
  - etc

- Cu un punct de tăietură (de rupere)
  - > 2 părinți >> 2 indivizi noi care iau locul părinților în populație



i – punct de rupere generat aleator

- Cu un punct de tăietură (de rupere)
  - > Nu toți cromozomii din P'(t) participă la încrucișare.
  - Un cromozom participă la încrucișare cu o probabilitate fixată pc
     (probabilitate de încrucișare dată de intrare)

- Cu un punct de tăietură (de rupere)
  - Un cromozom participă la încrucișare cu o probabilitate fixată pc
     (probabilitate de încrucișare dată de intrare)

#### Etapa de încrucișare:

```
Notăm P'(t) = \{X'_1, ..., X'_n\} for i = 1, n genereaza u variabila uniformă pe [0, 1] daca u<pc atunci marcheaza X'_i (va participa la incrucisare)
```

- Cu un punct de tăietură (de rupere)
  - Un cromozom participă la încrucișare cu o probabilitate fixată pc
     (probabilitate de încrucișare dată de intrare)

#### **Etapa de încrucișare:**

```
Notăm P'(t) = \{X'_1, ..., X'_n\} for i = 1, n genereaza u variabila uniformă pe [0, 1] daca u<pc atunci marcheaza X'_i (va participa la incrucisare)
```

formeaza perechi disjuncte de cromozomi marcați și aplică pentru fiecare pereche operatorul de încrucișare;

descendeții rezultați înlocuiesc părinții în populație

## Mutația

- schimbarea valorilor unor gene din cromozom
- asigură diversitatea populației
- probabilitatea de mutație pm dată de intrare

## Mutația

#### Etapa de mutație - Varianta 1 (mutație rară):

```
Notăm P''(t) = \{X''_1, ..., X''_n\} populația obținută după încrucișare for i = 1, n genereaza u variabila uniformă pe [0,1) daca u<pm atunci generează o poziție aleatoare p și trece gena p din cromozomul X''_i la complement 0 \leftrightarrow 1
```

## Mutația

#### **Etapa de mutație** – Varianta 2:

```
Notăm P''(t) = \{X''_1, ..., X''_n\} populația obținută după încrucișare for i = 1, n for j = 1, l genereaza u variabila uniformă pe [0, 1] daca u<pm atunci trece gena j din cromozomul X''_i la complement 0 \leftrightarrow 1
```

# Alte exemple

- Knapsack problem- Problema rucsacului
- ▶ **TSP** (Travelling salesman problem)

Schema = tipar care surprinde similarităţi dintre cromozomi

```
    Formal = cuvânt de lungime l peste {0,1,*}
    * = "don't care symbol"
    1*01*00*
```

- Ordinul schemei H
  - o(H) = numărul de poziţii fixe din schemă
    - ⇒ particularitatea schemei
- Lungimea schemei H
  - $\delta(H)$  = distanţa de la prima la ultima poziţie fixă
    - ⇒ cât de compactă este informația

- Ordinul schemei H o(H)
- Lungimea schemei H  $\delta(H)$
- m(H,t) = numărul de exemplare ale schemei H în P(t)
- f(H,t) = fitness pentru schema H
  - = media funcției de fitness pentru indivizi din P(t)

Teorema schemei: Algoritmul genetic bazat pe selecţie proporţională, încrucişare cu un punct de tăietură şi mutaţie rară încurajează înmulţirea schemelor mai bine adaptate decât media, de lungime redusă şi de ordin mic:

$$m(H,t+1) \ge m(H,t) \frac{f(H,t) \cdot n}{F(t)} \left( 1 - pc \cdot \frac{\delta(H)}{l-1} - pm \cdot o(H) \right)$$

Teorema schemei:

$$m(H,t+1) \ge m(H,t) \cdot \frac{f(H,t) \cdot n}{F(t)} \cdot \left(1 - pc \cdot \frac{\delta(H)}{l-1} - pm \cdot o(H)\right)$$

- Probabilitatea de distrugere a schemei după încrucișare  $\frac{\delta(H)}{l-1}$
- O mutație poate distruge o schemă dacă modifică o poziție fixă

Teorema schemei:

$$m(H,t+1) \ge m(H,t) \cdot \frac{f(H,t) \cdot n}{F(t)} \cdot \left(1 - pc \cdot \frac{\delta(H)}{l-1} - pm \cdot o(H)\right)$$

Ipoteza blocurilor constituente: Un algoritm genetic caută soluţia suboptimală prin juxtapunerea schemelor scurte, de ordin mic şi performanţă mare, numite building blocks (blocuri constituente/constructive)

### **Bibliografie**

Michalewicz, Zbigniew (1999),

Genetic Algorithms + Data Structures = Evolution Programs, Springer-Verlag.