Control-vs-Treat/HiC\_RNA联合分析部分：

包含两个样品：Control以及Treat；Control为对照组，Treat为处理组。

结果文件说明：

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.compartment.expression.boxplot.png：** 两个样本分别在

compartmentA/B中的基因表达情况箱线图。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.compartment.expression.density.png：** 两个样本分别在

compartmentA/B中的基因表达情况密度分布图。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.compartment.GC.png ：** 两个样本分别在compartmentA/B中的GC含量密度分布图。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.compartment.GeneNum.png：** 两个样本分别在compartmentA/B中的genes数量barplot。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.switch.expression.boxplot.png：** 两个样本在compartment转换区域，以及稳定区域的genes表达量比较统计信息boxplot图。其中A2B代表对照组中的A compartment转换到处理组中的B compartment；其中B2A代表对照组中的B compartment转换到处理组中的A compartment。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.switch.fpkm.boxplot.png：** 两个样本在compartment转换区域，以及稳定区域的genes表达量统计信息boxplot图。

**01.compartment\_RNA\Control-vs-Treat.switch.logfc.boxplot.png：** 两个样本在compartment转换区域，以及稳定区域的genes logFC值统计信息boxplot图。

**02.TAD\_RNA\Control-vs-Treat.TAD.expression.boxplot.png：** 两个样本分别在TAD Boundary 及TAD Interior中的基因表达情况箱线图。

**02.TAD\_RNA\Control-vs-Treat.TAD.expression.density.png：**两个样本分别在TAD Boundary 及TAD Interior中的基因表达情况密度分布图。

**02.TAD\_RNA\Control-vs-Treat.TAD.GC.png：** 两个样本分别在TAD Boundary 及TAD Interior中的GC含量密度分布图。

**02.TAD\_RNA\Control-vs-Treat.TAD.GeneNum.png：** 两个样本分别在TAD Boundary 及TAD Interior中的genes数量barplot。