TP2

GADO Seman Giovanni Jocelyn ISEP 3

2024-04-13

Importation et mise en forme

Importation

```
#Nos données étant sous format xlsx, nous allons utiliser la fonction

#read_excel du package readxl

base_tp2 <- readxl::read_excel("Base TP2.xlsx")
```

Nombre de lignes et de colonnes

```
# Nombre de lignes
nb_lignes <- nrow(base_tp2)
# Nombre de colonnes (variables)
nb_colonnes <- ncol(base_tp2)</pre>
```

La base comporte 53 lignes et 30 colonnes

Labelisation et recodage

Labelisation des variables

```
attach(base_tp2)
labelled::var_label(sexe) = "Sexe"

labelled::var_label(age) = "Age"

labelled::var_label(sit_mat) = "Situation maritale"

labelled::var_label(si_chef_men) = "Statut dans le ménage"

labelled::var_label(ethnie) = "Ethnie"

labelled::var_label(occupation) = "Occupation"

labelled::var_label(formation) = "Formation"

labelled::var_label(niveau_alphabs) = "Niveau d'alphabétisation"

# labelled::var_label(sup_tot) = "Quelle est la superficie totale emblavée en sésame la saison passée en sesame la saison passée
```

```
labelled::var_label(types_varietes) = "Quelles sont les variétés que vous utilisez pour la production d

#labelled::var_label(var_trad) = "Si variétés traditionnelles, donnez les noms ?"

#Cette variable n'existe pas dans la base

# labelled::var_label(raison_var_trad) = "Pourquoi utilisez-vous les variétés traditionnelles ?"

#Cette variable n'existe pas dans la base

# labelled::var_label(var_amel) = "Si variétés améliorées, laquelle utilisez-vous ?"

#Cette variable n'existe pas dans la base

# labelled::var_label(raison_var_amel) = "Pourquoi utilisez-vous les variétés améliorées ?"

#Cette variable n'existe pas dans la base

labelled::var_label(criteres_var) = "Quelles sont les critères de choix des variétés de sésame ?"
```

Recodage des modalités

```
attach(base_tp2)
## Les objets suivants sont masqués _par_ .GlobalEnv:
##
##
       age, criteres_var, ethnie, formation, niveau_alphabs, occupation,
##
       sexe, si_chef_men, sit_mat, types_varietes
## Les objets suivants sont masqués depuis base_tp2 (pos = 3):
##
##
       age, criteres_var, criteres_var_1, criteres_var_10,
       criteres_var_11, criteres_var_12, criteres_var_13, criteres_var_14,
##
##
       criteres_var_15, criteres_var_16, criteres_var_2, criteres_var_3,
##
       criteres_var_4, criteres_var_5, criteres_var_6, criteres_var_7,
       criteres_var_8, criteres_var_9, departement, ethnie, formation,
##
##
       niveau alphabs, occupation, region, sexe, si chef men, sit mat,
##
       types_varietes, types_varietes_1, types_varietes_2
sexe <- labelled::labelled(sexe, c("Homme" = 1, "Femme" = 2))</pre>
sit_mat <- labelled::labelled(sit_mat,</pre>
  c("Marié(e)" = 1,
    "Veuf(ve)" = 3,
    "Divorcé(e)" = 4,
    Séparé(e) = 5
    "Célibataire" = 6))
si_chef_men <- labelled::labelled(si_chef_men,</pre>
  c("Femme du chef de ménage" = 1,
    "Chef de ménage" = 2,
    "Fils-fille du chef de ménage" = 3,
    "Autres" = 99))
ethnie <- labelled::labelled(ethnie,</pre>
```

```
c("Wolof" = 1,
    "Pulaar/Toucouleur" = 2,
    "Sérère" = 3,
    "Mandika/Bambara" = 4,
    "Soninké" = 5,
    "Diola" = 6,
    "Manjack" = 7,
    "Bainouk" = 8,
    "Maures" = 9,
    "Balante" = 10,
    "Autre" = 77))
occupation <- labelled::labelled(occupation,
  c("Agriculture, Elevage, Sylviculture, Pêche" = 1,
    "Activités extractives" = 2,
    "Activités de fabrication (Artisanat)" = 3,
    "Activités de transformation" = 4,
    "Production et distribution d'électricité et de gaz" = 5,
    "Production et distribution d'eau, assainissement, traitement des déchets et dépollution" = 6))
formation <- labelled::labelled(formation,</pre>
  c("Non scolarisé" = 1,
    "Elémentaire" = 2,
    "Moyen" = 3,
    "Secondaire" = 4,
    "Licence" = 5,
    "Master" = 6,
    "Doctorat" = 7,
    "Ne sait pas" = 99))
niveau_alphabs <- labelled::labelled(niveau_alphabs,</pre>
  c("Sans niveau" = 0,
    "Sait lire dans une langue" = 1,
    "Sait lire et écrire dans une langue" = 2))
types_varietes <- labelled::labelled(types_varietes,</pre>
  c("Traditionnelles" = "1",
    "Améliorées" = "2"))
criteres_var <- labelled::labelled(criteres_var,</pre>
  c("Rendements élevés" = "1",
    "Taille des graines" = "2",
    "Résistantes aux maladies/ravageurs" = "3",
    "Tolérantes aux sécheresses" = "4",
    "Tolérantes aux inondations" = "5",
    "Faible charge de travail" = "6",
    "Faibles quantités d'intrants" = "7",
    "Facile à transformer" = "8",
    "Haute teneur en huile" = "9",
    "Haut rendement après transformation" = "10",
    "Demande sur le marché" = "11",
    "Bon gôut" = "12",
    "Belle couleur" = "13",
```

```
"Haut rendement en fourrages" = "14",

"Qualité du fourrage" = "15",

"Autres à spécifier" = "16"))
```

Analyses descriptives

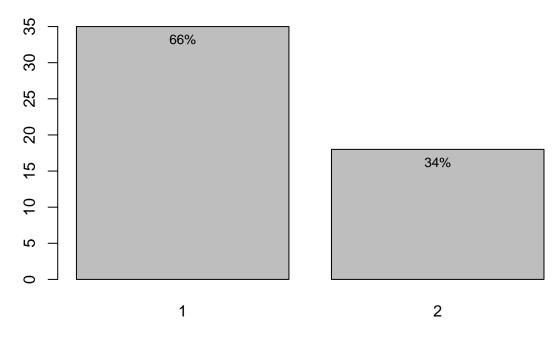
Analyse univariée

```
# Nous allons lier les fonctions créées dans le TP_1 à ce TP
source("fonctions.R")

fonction_uni(base_tp2,"sexe")

##
## Répartition suivant le sexe
## 2 : 18
## 1 : 35
##
## Graphiques:
```

Histogramme de la répartition suivant le sexe

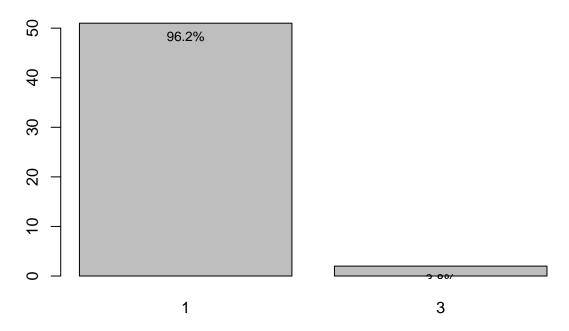


```
fonction_uni(base_tp2, "sit_mat")

##
## Répartition suivant le sit_mat
## 1 : 51
## 3 : NA
```

Graphiques:

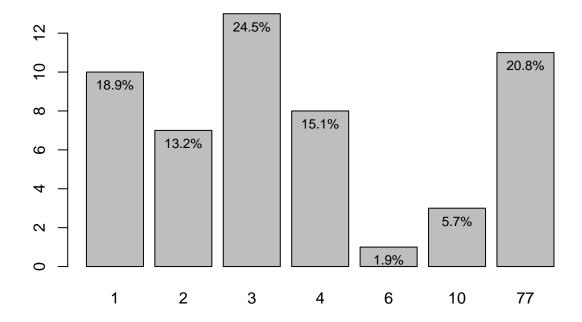
Histogramme de la répartition suivant le sit_mat



fonction_uni(base_tp2, "ethnie")

```
##
## Répartition suivant le ethnie
## 10 : NA
## 1 : 10
## 3 : 13
## 77 : NA
## 2 : 7
## 4 : 8
## 6 : 3
##
## Graphiques:
```

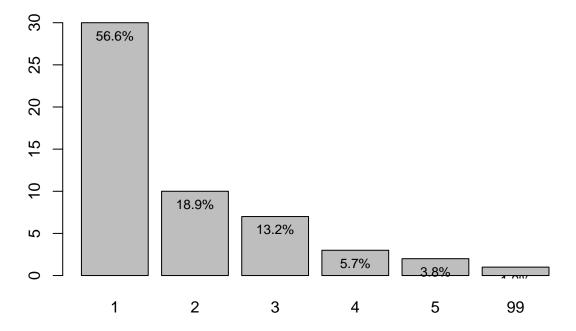
Histogramme de la répartition suivant le ethnie



fonction_uni(base_tp2, "formation")

```
##
## Répartition suivant le formation
## 4 : 3
## 1 : 30
## 3 : 7
## 5 : 2
## 99 : NA
## 2 : 10
##
## Graphiques:
```

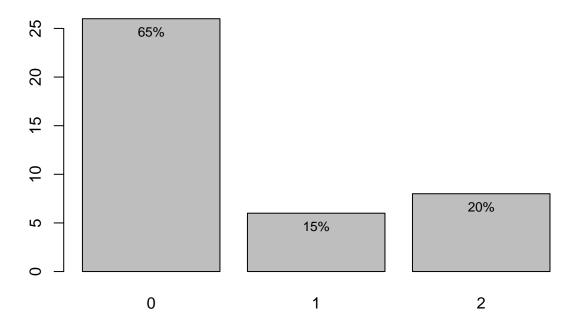
Histogramme de la répartition suivant le formation



fonction_uni(base_tp2, "niveau_alphabs")

```
##
## Répartition suivant le niveau_alphabs
## NA : NA
## 0 :
## 1 : 26
## 2 : 6
##
## Graphiques:
```

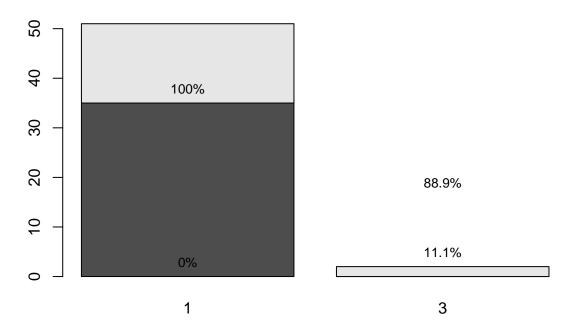
Histogramme de la répartition suivant le niveau_alphabs



```
\#\# Analyse bivariée
source("fonctions.R")
fonction_bi(base_tp2,"sexe","sit_mat")
## Répartition suivant le sexe et sit_mat
##
## 2:
## 1 : 16
## 3 : 2
##
##
  1:
## 1 : 35
## Graphiques:
##
##
        1 3
     1 35 0
##
     2 16 2
##
```

Graphiques:

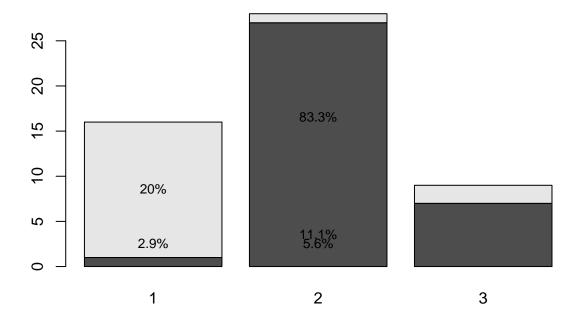
Histogramme de la répartition suivant le sexe et sit_mat



fonction_bi(base_tp2,"sexe","si_chef_men")

```
##
## Répartition suivant le sexe et si_chef_men
##
## 2:
## 1 : 15
## 3 : 2
## 2 : 1
##
##
   1:
## 2 : 27
## 3 : 7
## 1 : 1
## Graphiques:
##
        1 2 3
##
    1 1 27 7
##
    2 15 1 2
##
## Graphiques:
```

Histogramme de la répartition suivant le sexe et si_chef_men

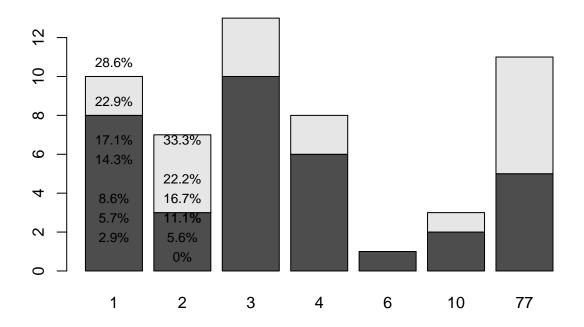


fonction_bi(base_tp2, "sexe", "ethnie")

```
##
## Répartition suivant le sexe et ethnie
##
## 2:
## 10 : 1
## 1 : 2
## 77 : 6
## 3 : 3
## 4 : 2
## 2 : 4
##
## 1:
## 1 : 8
## 3 : 10
## 2 : 3
## 77 : 5
## 4 : 6
## 10 : 2
## 6 : 1
##
## Graphiques:
##
##
       1 2 3 4 6 10 77
    1 8 3 10 6 1 2 5
##
```

```
## 2 2 4 3 2 0 1 6 ## ## Graphiques:
```

Histogramme de la répartition suivant le sexe et ethnie

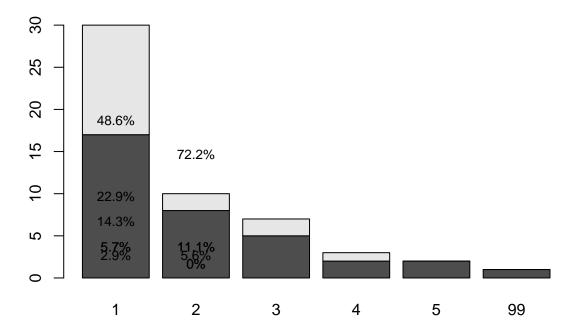


fonction_bi(base_tp2, "sexe", "formation")

```
##
## Répartition suivant le sexe et formation
## 2:
## 4 : 1
## 3 : 2
## 1 : 13
## 2 : 2
##
## 1:
## 1 : 17
## 5 : 2
## 99 : 1
## 3 : 5
## 4 : 2
## 2 : 8
##
## Graphiques:
##
##
       1 2 3 4 5 99
    1 17 8 5 2 2 1
##
```

```
## 2 13 2 2 1 0 0 ## ## Graphiques:
```

Histogramme de la répartition suivant le sexe et formation



```
fonction_bi(base_tp2,"sexe","niveau_alphabs")
```

```
##
## Répartition suivant le sexe et niveau_alphabs
## 2:
## NA : NA
## 1 : NA
## O : NA
##
##
   1:
## O : NA
## NA : NA
## 2 : NA
## 1 : NA
##
## Graphiques:
##
##
       0 1 2
     1 15 2 8
##
##
     2 11 4 0
##
## Graphiques:
```

Histogramme de la répartition suivant le sexe et niveau_alphabs

