

## Relazioni di ricorrenza

Data una funzione ricorsiva, come calcoliamo l'ordine di grandezza?

*Esempio:*

$$n! = \begin{cases} 1 & \text{se } n = 0 \\ n \cdot (n-1)! & \text{altrimenti} \end{cases}$$

*con tempo computazionale:*

$$T(n) = \begin{cases} c & \text{se } n = 0 \\ T(n-1) + d & \text{altrimenti} \end{cases}$$

**Dunque** un algoritmo ricorsivo ha un tempo computazionale **ricorsivo**

Però qual è esattamente l'ordine di grandezza di  $T(n)$ ?

- **Metodo dell'iterazione:**

Applichiamo ripetutamente la relazione di ricorrenza fino a trovare la soluzione.

$$T(n) = T(n-1) + d = T(n-2) + d + d = \dots = T(n-k) + kd = T(0 + nd) = c +$$

con  $k \leq n$  scegliendo  $k = n$

- **Metodo di sostituzione:**

Ipotizziamo inizialmente una soluzione e, induttivamente, la verifichiamo

Soluzione ipotizzata:  $T(n) = c + nd$

Caso base:  $c + 0 \cdot d = c = T(0)$

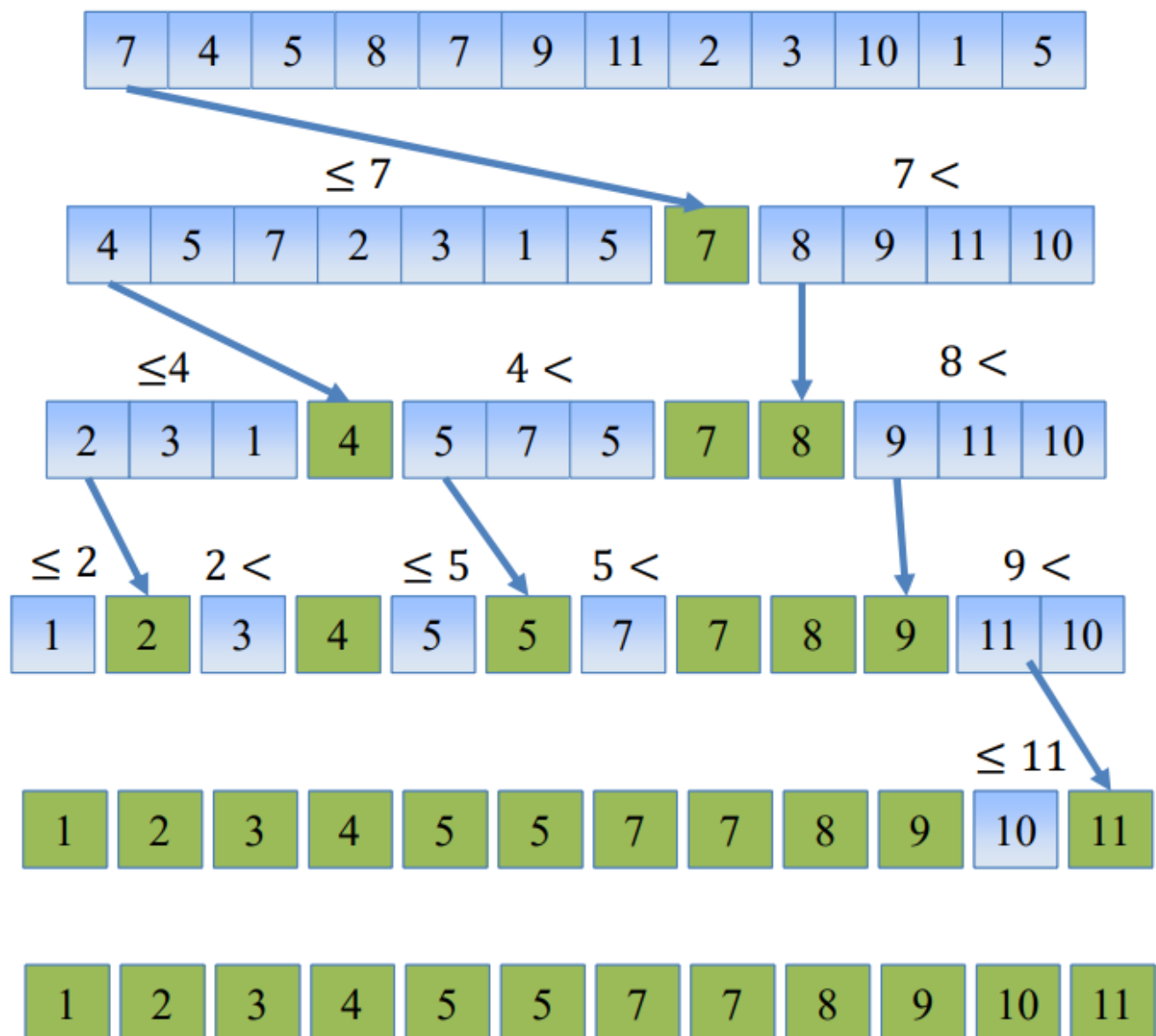
Passo induttivo: dimostriamo che

- $T(n) = c + nd \rightarrow T(n+1) = c + (n+1)d$
- Secondo la relazione di ricorrenza:  
 $T(n+1) = T(n) + d =$
- Utilizzando l'ipotesi induttiva:  
 $= c + nd + d = c + (n+1)d$

## Quick-Sort

**Idea di base dato  $A[1..n]$ :**

- se  $n \leq 1$  il caso è banale e non faccio niente (vettore ordinato)
- scelgo un elemento del vettore  $q$ , chiamato **perno**
- riorganizzo il vettore in modo che
  - gli elementi a sinistra di  $q$  siano  $\leq q$
  - gli elementi a destra di  $q$  siano  $\geq q$
  - **Attenzione:** gli elementi a sinistra e a destra possono essere anche in disordine, basta soltanto che siano  $\leq$  (o  $\geq$ ) di  $q$
- ciò implica che  $q$  sia al posto giusto
- sia  $p$  la posizione di  $q$ , abbiamo dunque:  $A[1..p-1] \leq A[p] \leq A[p+1..n]$
- reitero il procedimento su  $A[1..p-1]$  e  $A[p+1..n]$



Funzionamento del Quick-Sort con partizionamento generico

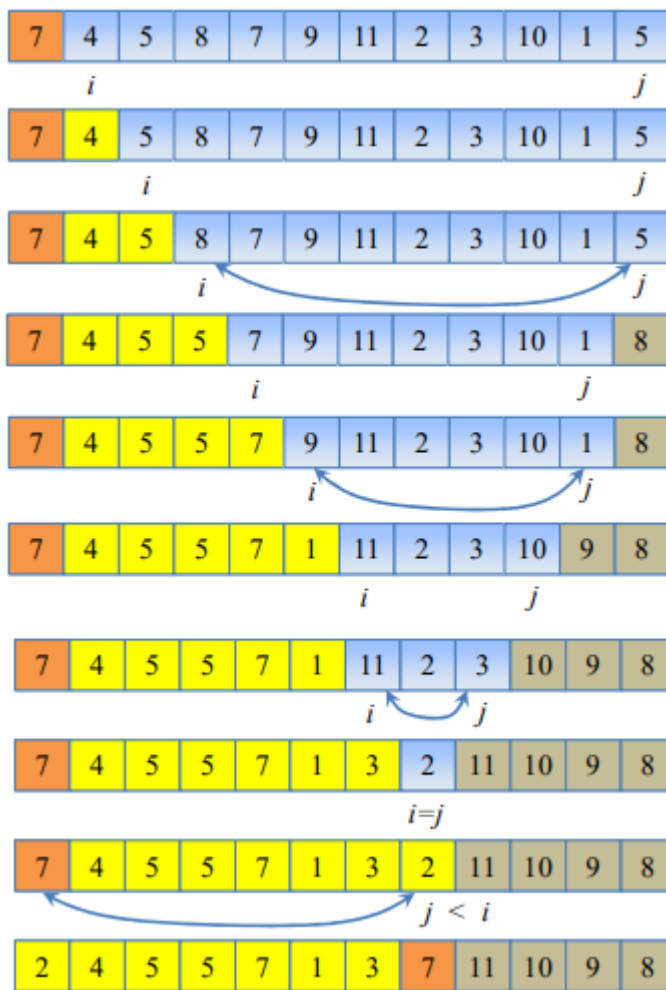
**Nota bene! Con  $A[1..n]$  si intende dal primo elemento ( $A[0]$ ) all'ultimo elemento ( $A[n-1]$ )**

## Partizionamento del Quick-Sort

Partizionamento in  $A[1..n]$  (Attenzione alla nota sopra!)

- Scegliamo come elemento **perno**  $A[1]$
- Scegliamo due **indici di partizionamento**  $i$  e  $j$  tali che:
  - Gli elementi in  $A[2..i-1]$  sono già esaminati e  $A[2..i-1] \leq A[1]$
  - Gli elementi in  $A[i..j]$  sono elemento ancora da esaminare
  - Gli elementi in  $A[j+1..n]$  sono già esaminati e  $A[1] < A[j+1..n]$
- Scegliamo  $i = 2$  e  $j = n$
- $i$  e  $j$  si spostano, se  $i \leq j$ , nel seguente modo:
  - se  $A[i] \leq A[1]$  incremento  $i$
  - se  $A[i] > A[1] \wedge A[j] > A[1]$  decremento  $j$
  - se  $A[i] > A[1] \wedge A[j] \leq A[1]$  scambio  $A[i]$  e  $A[j]$  e incremento  $i$  e decremento  $j$
- Quando per la prima volta  $i > j$ , scambio  $A[1]$  con  $A[j]$

*In questo modo, arriverò a un punto dove gli elementi prima di  $i$  sono minori del perno e gli elementi dopo di  $j$  sono maggiori del perno. Quando  $i$  "supera"  $j$  scambio il perno con  $A[j]$  così da render vera la prima fase*



*Esempio di funzionamento di partizionamento nel quicksort*

## Correttezza del partizionamento

```

PARTITION( $A[1..n]$ )
 $i \leftarrow 2, j \leftarrow n$ 
while  $i \leq j$  do
  if  $A[i] \leq A[1]$  then
     $i \leftarrow i + 1$ 
  else
    if  $A[j] > A[1]$  then
       $j \leftarrow j - 1$ 
    else
      scambia  $A[i]$  con  $A[j]$ 
       $i \leftarrow i + 1, j \leftarrow j - 1$ 
    end if
  end if
end while
scambia  $A[1]$  con  $A[j]$ 
return  $j$ 

```

**Invariante di ciclo:**  $A[2..i-1] \leq A[1] \wedge A[1] < A[j+1..n]$

*Ovvero tutti gli elementi prima di  $i$  sono minori dell'elemento perno e tutti gli elementi dopo  $j$  sono maggiori dell'elemento perno*

## Inizializzazione:

Con  $i = 2$  e  $j = n$  i due sottovettori sono vuoti. Dunque è vero

## Mantenimento:

Il ciclo viene eseguito finchè  $i \leq j$  ed effettua **soltanto** una tra le seguenti operazioni:

- se  $A[i] \leq A[j]$  incremento  $i$  altrimenti
- se  $A[i] > A[j]$  decremento  $j$  altrimenti
- scambio  $A[i]$  e  $A[j]$ , incremento  $i$ , decremento  $j$

ed è evidente (visto che esegue soltanto una di quelle operazioni) che il ciclo viene **mantenuto**

## Correttezza del Quick Sort

QUICK-SORT( $A[1..n]$ )

**if**  $n > 1$  **then**

$p \leftarrow \text{PARTITION}(A[1..n])$       ▷ partizionamento porta il perno nella posizione  $p$

**if**  $p > 2$  **then**      ▷ se prima del perno ci sono almeno 2 elementi

    QUICK-SORT( $A[1..p-1]$ )

**end if**

**if**  $p < n-1$  **then**      ▷ se dopo il perno ci sono almeno 2 elementi

    QUICK-SORT( $A[p+1..n]$ )

**end if**

**end if**

Essendo un algoritmo **ricorsivo**, per dimostrare la sua correttezza bisogna usare una induzione completa, assumendo che il partizionamento funzioni correttamente.

**Caso base:** con  $n \leq 1$  il vettore in input è **ordinato**

**Passo induttivo:**

**HP:** Corretto con dimensione  $< n \Rightarrow$  Corretto con dimensione  $= n$

- Dopo aver effettuato la partizione:  $A[1..p-1] \leq A[p] < A[p+1..n]$
- Dall'ipotesi induttiva:
  - Se  $A[1..p-1]$  ha più di 1 elemento, sarà ordinato correttamente alla prima chiamata ricorsiva di Quick-Sort perchè ha meno di  $n$  elementi
  - Se  $A[p+1..n]$  ha più di 1 elemento, sarà ordinato correttamente alla

prima chiamata ricorsiva di Quick-Sort perchè ha meno di  $n$  elementi  
 $A[1..n]$  è dunque ordinato

## Complessità del Quick-Sort

- **Partizionamento:**

Il partizionamento scansiona una volta il vettore su cui opera.

Nel caso peggiore,  $T_p(n) \in O(n)$  infatti  $T_p(n) = an$

- Per quanto riguarda il **Quick-Sort:**

Dopo aver partizionato i vettori, le due chiamate ricorsive lavorano su  $p - 1$  elementi e  $n - p$  elementi

- Le due situazioni estreme sono:

- $A[1..p - 1]$  e  $A[p + 1..n]$  hanno circa lo stesso numero di elementi
- $A[1..p - 1]$  ha  $n - 1$  elementi e  $A[p + 1..n]$  è vuoto(o viceversa)

La seconda casistica dà luogo alla seguente relazione di ricorrenza:

$$T(n) = \begin{cases} c & n = 1 \\ T(n - 1) + T_p(n) + b & n > 1 \end{cases} = \begin{cases} c & n = 1 \\ T(n - 1) + an + b & n > 1 \end{cases}$$

## Relazioni di ricorrenza a partizione costante

Il quick-sort, come altri algoritmi che abbiamo visto, vengono definiti da una relazione ricorrenza a **partizione costante**.

Esiste inoltre un teorema, detto **Teorema master per relazioni lineari a partizioni costanti** che ci fornisce una formula per calcolare "facilmente" il tempo di complessità rispetto a  $O$  :

$$T(n) = \begin{cases} d & \text{se } n \leq m \leq h \\ \sum_{1 \leq i \leq h} a_i T(n-i) + cn^\beta & \text{se } n > m \end{cases}$$

Teorema. Se  $c > 0, \beta \geq 0, a = \sum_{1 \leq i \leq h} a_i$  allora  $\begin{cases} T(n) \in O(n^{\beta+1}) & \text{se } a = 1 \\ T(n) \in O(a^n n^\beta) & \text{se } a \geq 2 \end{cases}$

dove:

- $a$  è una **costante** e indica il **numero di volte** che viene effettuata la chiamata ricorsiva dentro il codice (nel caso del **quick-sort**,  $a$  dovrebbe valere 2 ma invece vale 1 visto che una chiamata si può trascurare visto che ha complessità  $O(1)$ )
- $\beta$  è l'ordine di complessità della funzione "ausiliaria" (nel caso del quick-sort,  $\beta$  si riferisce alla complessità del partizionamento, quindi 1 visto che il partizionamento è **lineare**)
- $c$  è una costante moltiplicativa legata alla funzione ausiliaria sopra descritta

Viene detto a **partizione costante** perchè l'input diminuisce costantemente e NON in funzione di  $n$  ( $T(n-i)$ )

## Relazioni di ricorrenza Divide et Impera

“Per meglio dominare occorre dividere gli avversari”

Ossia: suddividi il problema in sottoproblemi di dimensione circa uguale; risolvi i sottoproblemi in maniera ricorsiva, infine combina i risultati

$$T(n) = \begin{cases} d & \text{se } n \leq k \\ D(n) + C(n) + \sum_{i=1}^h T(n_i) & \text{se } n > k \end{cases}$$

Tempo per dividere

Tempo per combinare

Somma dei tempi dei sottoproblemi

## DI Min Max

**DI-Min-Max** (A, p, q)

```
1  if p = q then return (A[p], A[p])
2  if p = q - 1 then
3      if A[p] < A[q] then return (A[p], A[q])
4      else return (A[q], A[p])
5  r ← (p + q)/2
6  (min1, max1) ← DI-Min-Max (A, p, r)
7  (min2, max2) ← DI-Min-Max (A, r + 1, q)
8  return (min (min1, min2), max(max1, max2))
```

Questo algoritmo calcola il **minimo** e il **massimo** in  $A[p..q]$

Le **prime due righe** sono casi banali:

- **Riga 1:** Se il vettore contiene un solo elemento, restituisco semplicemente l'unico elemento disponibile
- **Riga 2:** Se il vettore contiene due elementi, li restituisco entrambi, facendo attenzione alla loro relazione di  $< o >$



Se il vettore contiene più di due elementi, divido in due sottovettori il vettore originale, e richiamo il metodo su essi(**Divide et Impera**)

Infine calcolo il minimo tra i valori minimi dei due sottovettori  
Stessa cosa per il valore massimo

## Relazione di ricorrenza di DI Min-Max

Se  $n = q - p + 1$  allora i confronti  $C(n)$  sono:

$$C(n) = \begin{cases} 0 & \text{se } n = 1 \\ 1 & \text{se } n = 2 \\ C(\lfloor n/2 \rfloor) + C(\lceil n/2 \rceil) + 2 & \text{se } n > 2 \end{cases}$$

La **relazione di ricorrenza** è definita nel seguente modo:

- Se il vettore ha 0 elementi, banalmente effettuo 0 confronti
- Se il vettore ha 2 elementi, banalmente effettuo 1 confronto(per capire il valore minimo e il valore massimo).
- Invece se il vettore ha  $n > 2$  elementi, effettuo 2 confronti più i confronti necessari per ogni sottovettore( $C(n/2) + C(n/2)$ )

Ponendo  $n = 2^k$  per semplificarci i conti, sviluppando la relazione di ricorrenza otteniamo:

$$\begin{aligned} C(n) &= 2C\left(\frac{n}{2}\right) + 2 = 2\left(2C\left(\frac{n}{4}\right) + 2\right) + 2 = 4C\left(\frac{n}{4}\right) + 4 + 2 = \\ &= 4\left(2C\left(\frac{n}{8}\right) + 2\right) + 4 + 2 = 8C\left(\frac{n}{8}\right) + 8 + 4 + 2 = \dots \\ &= 2^j C\left(\frac{n}{2^j}\right) + 2^j + 2^{j-1} + \dots + 2 = \end{aligned}$$

$$\text{con } \frac{n}{2^j} = 2 \Rightarrow j = \log_2 n - 1$$

$$C(n) = 2^{\log_2 n - 1} C\left(\frac{n}{2^{\log_2 n - 1}}\right) + 2^{\log_2 n - 1} + 2^{\log_2 n - 2} + \dots + 2 =$$

$$\begin{aligned}
C(n) &= 2^{\log_2 n - 1} C\left(\frac{n}{2^{\log_2 n - 1}}\right) + 2^{\log_2 n - 1} + 2^{\log_2 n - 2} + \dots + 2 = \\
&= \frac{n}{2} C(2) + \frac{n}{2} + \frac{n}{4} + \dots + 2 = \frac{n}{2} + \left(\frac{n}{2} + \frac{n}{4} + \dots + 2 + 1\right) - 1 = \\
&= \frac{n}{2} + (2^{k-1} + 2^{k-2} + \dots + 2 + 1) - 1 = \\
&= \frac{n}{2} + n - 1 - 1 = \frac{3}{2}n - 2
\end{aligned}$$

Ora possiamo dunque, applicando la relazione iterativamente, a dimostrarla con l'**induzione**:

**Caso base:**  $C(2) = \frac{3}{2} \cdot 2 - 2 = 3 - 2 = 1$  **verificato!**

**Passo induttivo:**  $C\left(\frac{n}{2}\right) = \frac{3}{2} \cdot \frac{n}{2} - 2 \Rightarrow C(n) = \frac{3}{2}n - 2$

$$C(n) = 2C\left(\frac{n}{2}\right) + 2 = \dots = \frac{3}{2}n - 2$$

**Binary Search DI**

BINSEARCH-RIC( $x, A, i, j$ )

▷ Pre:  $A[i..j]$  ordinato

▷ Post: *true* se  $x \in A[i..j]$

**if**  $i > j$  **then**      ▷  $A[i..j] = \emptyset$

**return** *false*

**else**

$m \leftarrow \lfloor (i + j) / 2 \rfloor$

**if**  $x = A[m]$  **then**

**return** *true*

**else**

**if**  $x < A[m]$  **then**

**return** BINSEARCH-RIC( $x, A, i, m - 1$ )

**else**      ▷  $A[m] < x$

**return** BINSEARCH-RIC( $x, A, m + 1, j$ )

**end if**

**end if**

**end if**

$$T(n) = \begin{cases} c & \text{se } n \leq 1 \\ T\left(\frac{n}{2}\right) + d & \text{altrimenti} \end{cases}$$

$$\begin{aligned} T(n) &= T\left(\frac{n}{2}\right) + d \\ &= T\left(\frac{n}{4}\right) + d + d = T\left(\frac{n}{4}\right) + 2d \\ &\dots \end{aligned}$$

$$= T\left(\frac{n}{2^k}\right) + dk \quad \text{se } k \leq \log_2 n$$

con  $k = \log_2 n$  (assumiamo  $n$  sia potenza di 2)

$$= T(1) + d \cdot \log_2 n = c + d \cdot \log_2 n$$

quindi

$$T(n) \in \Theta(\log n)$$

(con  $T(n) = T(n/b) + d$  viene lo stesso ordine di grandezza)

## Relazioni di ricorrenza a partizione bilanciata

Esiste il **Teorema master per le relazioni di ricorrenza a partizione bilanciata**:

Teorema. Se  $a \geq 1; b \geq 2; c > 0; d, \beta \geq 0$ , posto  $\alpha = \log a / \log b$  allora :

$$\begin{cases} T(n) \in O(n^\alpha) & \text{se } \alpha > \beta \\ T(n) \in O(n^\alpha \log n) & \text{se } \alpha = \beta \\ T(n) \in O(n^\beta) & \text{se } \alpha < \beta \end{cases}$$

che ci permette di calcolare "facilmente" la complessità di un algoritmo in funzione di  $O$ .

Viene detta a partizione bilanciata perchè l'input diminuisce in funzione di  $n$ , come nella seguente(generica) relazione di ricorrenza:

$$T(n) = \begin{cases} d & \text{se } n = 1 \\ aT(n/b) + cn^\beta & \text{se } n > 1 \end{cases}$$

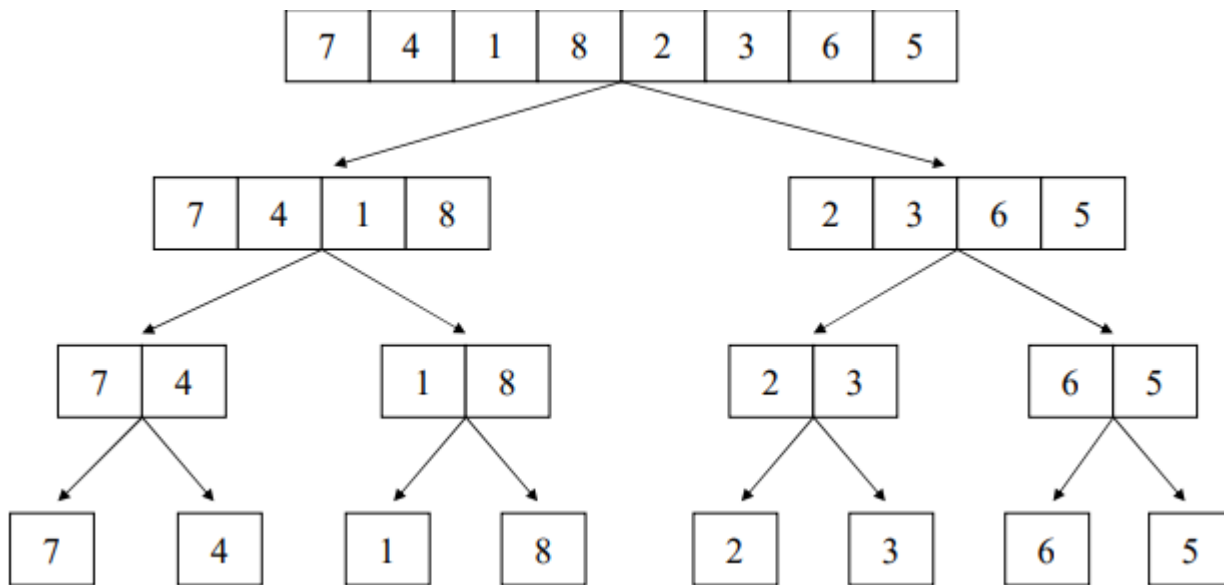
dove l'input diminuisce di  $n/b$  ogni volta.

## Algoritmo per fusione: Merge-Sort

Anche quest'algoritmo si basa sul principio Divide et Impera.

**Idea di base:**

Consiste nel **dividere** l'array in due ogni volta, finchè non arriviamo ad avere array **composti da un singolo elemento**.



*Array scomposto in sottovettori atomici (composti da un solo elemento)*

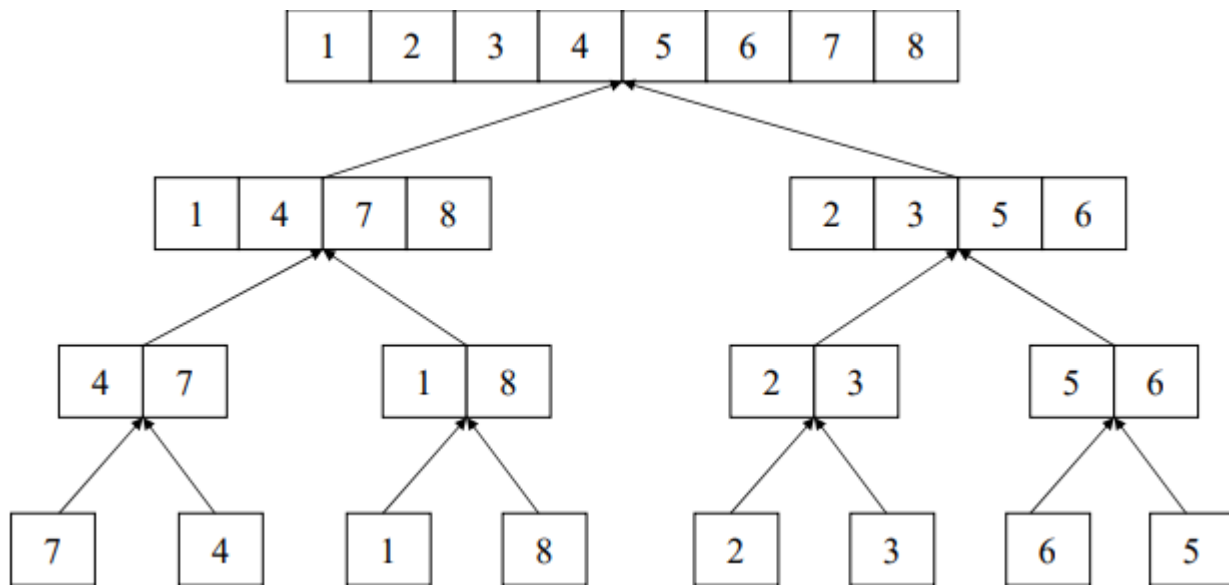
Una volta che abbiamo l'array scomposto in sottosequenze di singoli elementi, prendiamo questi a coppia di due in due e li **fondiamo** (da questo deriva il nome **Merge**).

Ora abbiamo molteplici array composti da due elementi ciascuno.

Reiteriamo questo procedimento finché non abbiamo il nostro array originale ordinato.

Abbiamo i due sottovettori  $A$  e  $B$  e il vettore  $C$  ordinato che vogliamo restituire

- Se  $A[0] \leq B[0]$ 
  - $C[0] = A[0]$
  - Controllo il prossimo elemento di  $A$
- Se  $A[0] > B[0]$ 
  - $C[0] = B[0]$
  - Controllo il prossimo elemento di  $B$



*Fondo i sottovettori(all'inizio atomici), a coppia di due in due, in vettori ordinati.*

*Reiterando questo processo, arrivo ad ottenere l'array originale ordinato*

## Codice del Merge-Sort

```

MERGE-SORT( $A$ )
  if  $length(A) = 1$  then
    return  $A$ 
  else
     $k \leftarrow \lfloor length(A)/2 \rfloor$ 
     $B \leftarrow \text{MERGE-SORT}(A[1..k])$ 
     $C \leftarrow \text{MERGE-SORT}(A[k + 1..length(A)])$ 
    return MERGE( $B, C$ )
  end if

```

Con  $A$  array da ordinare:

- Se la lunghezza del vettore  $A$  è 1, significa che è un vettore atomico, e quindi, banalmente, è già ordinato e lo restituisco
- Altrimenti procedo a dividere  $A$  in due sottoparti ordinate e infine le fondo ordinatamente.

Funzione ausiliaria di **Merge**:

$\text{MERGE}(B, C)$

**if**  $B = []$  **then**

**return**  $C$

**else**

**if**  $C = []$  **then**

**return**  $B$

**else**

**if**  $B[1] \leq C[1]$  **then**

**return**  $[B[1], \text{MERGE}(B[2..length(B)], C)]$

**else**

**return**  $[C[1], \text{MERGE}(B, C[2..length(C)])]$

**end if**

**end if**

**end if**

Con  $B$  e  $C$  due sottovettori da ordinare:

- Se uno dei due sottovettori è vuoto, semplicemente ritorno l'altro non vuoto
- Altrimenti
  - Se il primo elemento di  $B$  è  $\leq$  di  $C$ , ritorno un sottovettore il cui primo elemento è  $B[0]$  ( $B[1]$  in figura) seguito dalla fusione dei restanti sottovettori (questa volta considero  $B$  a partire dal secondo elemento)
  - Altrimenti, analogamente, ritorno un sottovettore il cui primo elemento è  $C[0]$  seguito dalla fusione dei restanti sottovettori (questa volta considero  $C$  a partire dal secondo elemento)

**Tempo computazione del Merge-Sort**

Il tempo computazionale del **Merge-Sort** può esser definito dalla seguente relazione di ricorrenza:

$$T(n) = 2T(n/2) + T_{\text{Merge}}(n)$$

Infatti il suo **costo computazionale** su un array lungo  $n$  ( $T(n)$ ) è dato da due volte il costo su un vettore lungo la metà  $2T(n/2)$  più il costo computazionale della funzione ausiliaria di **Merge**

Considerando la versione iterativa della funzione ausiliaria di **Merge**:

```
function merge (a[], left, center, right)
    i ← left
    j ← center + 1
    k ← 0
    b ← array temp size= right-left+1

    while i ≤ center and j ≤ right do
        if a[i] ≤ a[j] then
            b[k] ← a[i]
            i ← i + 1
        else
            b[k] ← a[j]
            j ← j + 1
        k ← k + 1
    end while

    while i ≤ center do
        b[k] ← a[i]
        i ← i + 1
        k ← k + 1
    end while

    while j ≤ right do
        b[k] ← a[j]
        j ← j + 1
        k ← k + 1
    end while

    for k ← left to right do
        a[k] ← b[k-left]
```

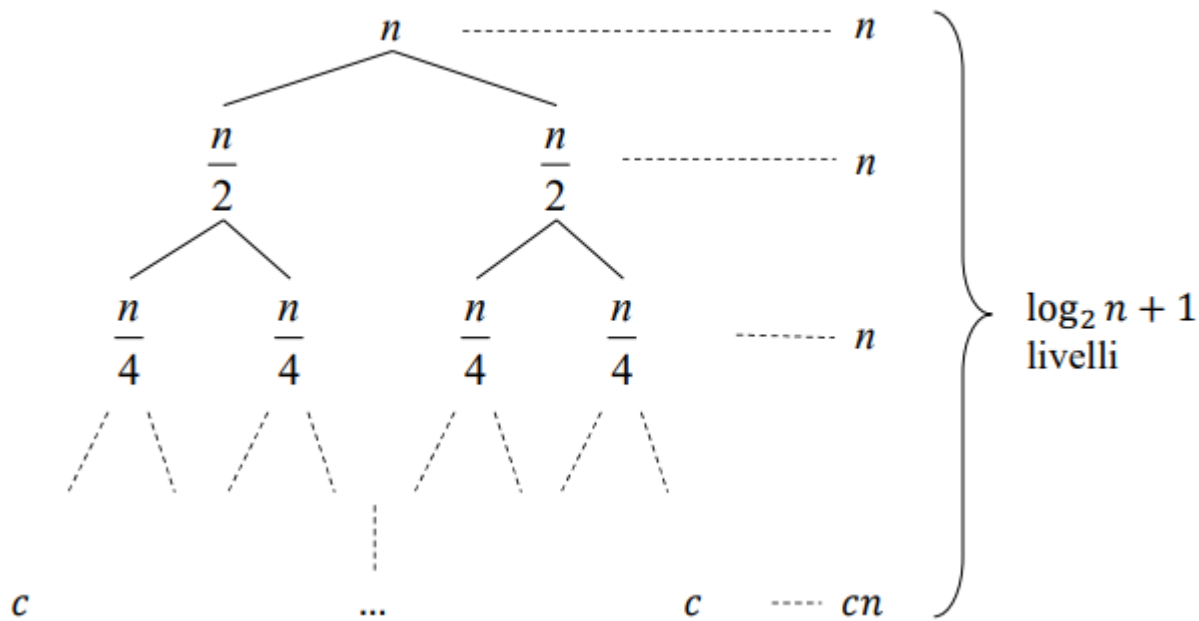
Possiamo facilmente notare che  $T_{\text{Merge}}(n) \in \Theta(n)$



Dunque:

$$T(n) = \begin{cases} c & \text{se } n \leq 1 \\ 2T(n/2) + n & \text{se } n > 1 \end{cases}$$

Analizzando l'albero di ricorsione è evidente che il tempo computazionale totale è  $\in \Theta(n \cdot \log n)$



Ricollegandoci al [teorema master](#) per le partizioni bilanciate:

$$T(n) = \begin{cases} d & \text{se } n = 1 \\ aT(n/b) + cn^\beta & \text{se } n > 1 \end{cases} \quad \text{Merge Sort}$$

$$T(n) = 2T(n/2) + cn$$

$$a = b = 2, \alpha = \log 2 / \log 2 = 1 = \beta$$

$$\begin{aligned} T(n) &\in O(n^\alpha \log n) \\ &= O(n \log n) \end{aligned}$$

## Caso medio del Quick Sort

Prima di tutto, cosa si intende per **Caso Medio**?

Per **Caso Medio** si intende che prendiamo in considerazione ogni possibile **input** con la stessa probabilità.

Nel caso del Quick-Sort, significa prendere in considerazione ogni possibile **posizione** dell'elemento **pivot**.

Ciò è dato dalla seguente relazione di ricorrenza:

$$T(n) = \begin{cases} a & \text{se } n \leq 1 \\ \frac{1}{n} \sum_{k=1}^n (T(k-1) + T(n-k)) + bn + c & \text{altrimenti} \end{cases}$$

Attraverso *varie* manipolazioni, arriviamo ad ottenere che

$$T(n) \in O(n \cdot \log n)$$

---