

Annexe 3. Valeur de distance AptaMat des prédictions associées à RNAfold ou mfold avec différents modèles thermodynamiques pour chaque structure PDB du jeu de données ADN. L'absence de prédiction est marquée d'un « / »

PDB	Taille	RNAfold Turner (2004)	RNAfold Mathews (2004)	Mfold Mathews (1999)	Mfold SantaLucia (1998)
<i>1PQT</i>	7	/	/	0,00	0,00
<i>5GWL</i>	8	/	/	/	/
<i>5GWQ</i>	8	/	/	/	/
<i>6J37</i>	8	/	/	/	/
<i>6M0B</i>	8	/	/	/	/
<i>6M0C</i>	8	/	/	/	/
<i>2K71</i>	8	0,00	/	0,00	0,00
<i>5OND</i>	9	/	/	0,50	1,00
<i>2A0I</i>	10	/	/	5,00	3,00
<i>1ZHU</i>	10	/	/	2,00	0,00
<i>3WPD</i>	10	0,00	/	0,00	0,00
<i>6IY5</i>	10	/	/	0,00	0,67
<i>2LO8</i>	10	/	/	0,60	3,20
<i>3WPG</i>	11	1,00	/	1,00	1,00
<i>1BJH</i>	11	0,00	0,00	0,00	0,00
<i>6FKE</i>	12	0,00	0,00	0,00	0,29
<i>3WPH</i>	12	1,00	/	1,00	1,00
<i>2LO5</i>	12	0,43	0,43	0,43	0,43
<i>1LA8</i>	13	0,00	0,00	0,00	0,00
<i>1POU</i>	13	0,00	0,00	0,00	0,00
<i>5F55</i>	14	/	/	3,00	3,00
<i>2EXF</i>	14	1,29	0,00	0,00	0,00
<i>2JZW</i>	14	1,29	0,00	0,00	0,00
<i>6FK5</i>	14	0,00	0,00	0,00	0,00

2M8Y	15	0,00	0,00	0,00	0,00
1UUT	15	0,00	0,00	0,00	0,00
6FK4	16	0,00	0,00	0,00	0,00
1AC7	16	0,00	0,00	0,00	0,00
1XUE	17	/	/	8,00	3,00
1EN1	18	0,75	0,43	0,75	0,43
4KB0	18	0,33	0,33	0,33	0,33
4KB1	18	0,33	0,33	0,33	0,33
1ECU	19	0,00	0,00	0,00	0,13
3Q0A	20	0,00	0,00	0,00	0,00
4FF1	20	0,00	0,00	0,00	0,00
3C46	21	0,18	0,18	0,18	0,18
3Q23	22	0,18	0,18	0,18	0,18
3Q24	22	0,18	0,18	0,18	0,18
2A6O	22	0,00	0,00	0,00	0,00
3DSD	23	0,00	0,00	0,00	0,00
2L5K	23	0,00	2,73	0,00	2,73
2VHG	24	0,00	0,00	0,00	0,00
1OSB	25	0,50	0,18	0,50	0,18
1ZM5	25	0,50	0,18	0,50	0,18
2CDM	25	2,50	2,50	2,50	2,50
2VIC	26	0,12	0,12	0,00	0,12
5N2Q	26	0,00	0,00	0,00	0,00
1NGU	27	0,00	0,00	0,00	0,00
3ZH2	27	2,00	2,00	2,00	2,00
1NGO	27	0,00	0,00	0,00	0,00
1JVE	27	0,00	0,00	0,00	0,00
4HT4	28	0,00	0,00	0,00	0,00

1YTB	29	0,00	0,00	0,00	0,00
1B4Y	30	6,00	0,00	0,00	0,00
4ER8	32	0,11	0,11	0,11	0,11
6SEI	32	0,00	0,00	0,00	0,00
5HRU	32	4,11	1,20	4,11	5,00
4F41	32	0,07	0,07	0,07	0,07
4F43	32	0,07	0,07	0,07	0,07
5HTO	34	4,45	1,09	4,45	1,09
2VJU	35	1,05	1,05	1,05	1,05
1EZN	36	3,44	0,14	0,14	0,14
1SNJ	36	4,16	0,14	0,14	0,14
6U82	38	0,00	0,00	0,00	0,00
3HXO	40	8,91	10,17	10,17	10,17
2N8A	45	0,05	0,05	0,05	0,05
3THW	53	0,00	0,00	0,00	0,00