

Annexe 5. Valeur de distance AptaMat des prédictions associées à CONTRAfold, CentroidFold, Linearfold-C, Linearfold-V, MC-Fold (défaut ou « pseudoknotted »), MXfold2, Ufold et SPOT-RNA pour chaque structure PDB du jeu de données ADN. L'absence de prédiction est marquée d'un « / »

PDB	CONTRAfold	CentroidFold	Linearfold-C	Linearfold V	MC-Fold Pseudoknotted	MC-Fold Défaut	MXfold2	Ufold	SPOT-RNA
1PQT	/	/	/	/	0,67	/	0,00	0,00	0,00
5GWL	/	/	/	/	/	/	4,00	/	/
5GWQ	/	/	/	/	/	/	4,00	/	/
6J37	/	/	/	/	/	/	4,00	/	/
6M0B	4,00	4,00	/	/	/	/	4,00	/	/
6M0C	4,00	4,00	/	/	/	/	4,00	/	/
2K71	0,40	0,40	0,00	/	0,00	/	0,00	0,00	0,00
5OND	0,80	0,80	/	/	1,00	/	0,50	1,00	0,50
2A0I	/	/	/	/	3,00	/	3,33	3,00	5,00
1ZHU	1,33	1,33	/	/	1,67	1,00	3,67	0,00	2,00
3WPD	1,33	1,33	0,00	/	0,00	/	1,00	0,00	0,00
6IY5	/	/	/	/	0,67	/	3,67	0,67	0,00
2LO8	0,00	0,00	/	/	1,25	/	0,60	3,20	0,60
3WPG	1,33	1,33	1,00	/	1,00	1,00	1,00	1,00	1,00
1BJH	0,00	0,00	0,00	/	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
6FKE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,29	0,00
3WPH	1,33	1,33	1,00	/	1,00	1,00	1,00	1,00	1,00
2LO5	0,00	0,00	0,43	0,43	0,43	0,50	0,43	0,43	0,43
1LA8	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1P0U	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
5F55	5,67	5,67	/	/	3,00	/	6,67	3,00	3,00
2EXF	0,63	0,63	1,29	0,00	0,00	0,43	1,29	0,00	0,00
2JZW	0,63	0,63	1,29	0,00	0,00	0,43	1,29	0,00	0,00
6FK5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
2M8Y	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1UUT	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
6FK4	0,18	0,18	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1AC7	0,15	0,15	0,00	0,00	0,18	0,00	0,00	0,00	0,00
1XUE	0,73	0,73	/	/	7,20	/	3,00	3,00	8,00
1EN1	1,82	1,82	0,75	0,43	0,75	0,75	0,75	0,43	0,75

4KB0	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33
4KB1	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33	0,33
1ECU	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13	0,00
3Q0A	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
4FF1	6,50	6,50	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
3C46	0,18	0,18	0,18	0,18	0,18	2,71	0,18	0,18	0,18	0,18
3Q23	0,18	0,18	0,18	0,18	0,18	2,71	0,18	0,18	0,18	0,18
3Q24	0,18	0,18	0,18	0,18	0,18	2,71	0,18	0,18	0,18	0,18
2A6O	0,12	0,12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
3DSD	0,13	0,13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
2L5K	0,47	0,47	0,00	2,73	0,00	0,00	0,00	2,73	0,00	0,00
2VHG	0,12	0,12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1OSB	0,62	0,62	0,50	0,18	0,50	0,50	0,50	0,18	0,50	0,50
1ZM5	0,62	0,62	0,50	0,18	0,50	0,50	0,50	0,18	0,50	0,50
2CDM	1,13	1,13	2,50	2,50	2,50	2,50	2,50	2,50	2,50	2,50
2VIC	0,12	0,12	0,12	0,12	0,12	0,12	0,12	0,12	0,12	0,00
5N2Q	0,13	0,13	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1NGU	0,29	0,29	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
3ZH2	2,44	2,44	2,00	2,00	2,00	1,57	2,00	2,00	2,00	2,00
1NGO	0,22	0,22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1JVE	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
4HT4	10,11	10,11	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1YTB	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00
1B4Y	1,29	1,29	6,00	0,00	6,00	6,00	6,00	0,00	0,00	0,00
4ER8	0,18	0,18	0,11	0,11	0,11	0,11	0,11	0,11	0,11	0,11
6SEI	0,08	0,08	0,00	0,00	0,00	0,36	0,00	0,00	0,00	0,00
5HRU	6,04	6,04	5,60	5,60	4,84	4,11	1,20	5,00	4,11	4,11
4F41	0,00	0,00	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07
4F43	0,00	0,00	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07	0,07
5HTO	6,81	6,81	5,95	1,09	4,45	4,45	1,09	1,09	4,45	4,45
2VJU	1,04	1,04	1,05	1,05	1,05	0,95	1,05	1,05	1,05	1,05
1EZN	0,00	0,00	3,44	0,14	3,44	3,43	0,14	0,14	0,14	0,14
1SNJ	0,00	0,00	9,48	0,14	9,48	9,48	0,14	0,14	0,14	0,14

[illegible]