## Klebsiella pneumoniae

"Klebsiella pneumoniae" es un tipo de bacteria que se encuentra comúnmente en el medio ambiente, así como en el sistema digestivo humano. Puede causar varias infecciones, entre ellas la neumonía. La Klebsiella pneumoniae es una bacteria, por lo tanto, es una célula procariota. Nótese que no puede ser un gen, ya que esta bacteria es una célula que tiene ADN el cual contiene genes. Además, no puede ser un genoma, ya que este, por definición, es un conjunto que contiene todos los genes.

Particularmente, la Klebsiella pneumoniae que se está estudiando es una bacteria específica que se consiguió en China.

## REFERENCIAS:

Podschun R, Ullmann U. "Klebsiella spp. as nosocomial pathogens: epidemiology, taxonomy, typing methods, and pathogenicity factors." Clinical Microbiology Reviews, 1998.

Centro Nacional de Información Biotecnológica. (s. f.). Recuperado el 26 de marzo de 2023, de https://www.ncbi.nlm.nih.gov/gene/11849089

Liu P, Li P, Jiang X, Bi D, Xie Y, Tai C, Deng Z, Rajakumar K, Ou HY. Complete genome sequence of Klebsiella pneumoniae subsp. pneumoniae HS11286, a multidrugresistant strain isolated from human sputum. J Bacteriol. 2012 Apr;194(7):1841-2. doi: 10.1128/JB.00043-12. PMID: 22408243; PMCID: PMC3302456.

## Consideraciones del programa:

El archivo FASTA debe de estar a la misma altura que el script .py para que puede leer el archivo.