Laboratorium: Metody zespołowe

1 Cel/Zakres

- Metody zespołowe.
 - równoległe,
 - sekwencyjne.
- Hard/soft voting.
- Bagging.
- Boosting.

2 Przygotowanie danych

```
from sklearn import datasets
data_breast_cancer = datasets.load_breast_cancer(as_frame=True)
```

3 Ćwiczenie

Uwaga: stosuj domyślne wartości parametrów dla użytych klas, chyba, że z opisu danego ćwiczenia wynika inaczej.

- 1. Podziel zbiór 'data_breast_cancer' na uczący i testujący w proporcjach 80:20.
- 2. Zbuduj ensemble używając klasyfikatorów binarnych, których używałeś(aś) w poprzednich ćwiczeniach, tj.: drzewa decyzyjne, regresja logistyczna, k najbliższych sąsiadów, do klasyfikacji w oparciu o cechy: mean texture, mean symmetry. Użyj domyślnych parametrów.
- 3. Porównaj dokładność (accuracy) w/w klasyfikatorów z zespołem z głosowaniem typu hard oraz soft.
- 4. Zapisz rezultaty jako listę par (dokładność_dla_zb_uczącego, dokładność_dla_zb_testującego) dla każdego z w/w klasyfikatorów (razem 5 elementów) i umieść ją w pliku Pickle o nazwie acc_vote.pkl

```
5 pkt
```

Zapisz klasyfikatory jako listę w pliku Pickle o nazwie vote.pkl (5 obiektów).

2 pkt

- 5. Wykonaj na zbiorze uczącym wykorzystując 30 drzew decyzyjnych:
 - Bagging,

- Bagging z wykorzystaniem 50% instancji,
- Pasting,
- Pasting z wykorzystaniem 50% instancji, oraz
- Random Forest,
- AdaBoost.
- Gradient Boosting.

Dlaczego Random Forest daje inne rezultaty niż Bagging + drzewa decyzyjne?

6. Oblicz dokładności oraz zapisz je jako listę par (dokładność_dla_zb_uczącego, dokładność_dla_zb_testującego) dla każdego z w/w estymatorów (razem 7 elementów) w pliku Pickle o nazwie acc_bag.pkl.

7 pkt

Zapisz klasyfikatory jako listę w pliku Pickle o nazwie bag.pkl

2 pkt

- 7. Przeprowadź sampling 2 cech z wszystkich dostepnych bez powtórzeń z wykorzystaniem 30 drzew decyzyjnych, wybierz połowę instancji dla każdego z drzew z powtórzeniami.
- 8. Zapisz dokładności w/w estymatora jako listę : dokładność_dla_zb_uczącego, dokładność_dla_zb_testującego w pliku Pickle acc_fea.pkl.

2 pkt

Zapisz klasyfikator jako jednoelementową listę w pliku Pickle o nazwie fea.pkl

1 pkt

9. Sprawdź, które cechy dają najwięszą dokładność. Dostęp do poszczególnych estymatorów, aby obliczyć dokładność, możesz uzyskać za pomocą: BaggingClasifier.estimators_, cechy wybrane przez sampling dla każdego z estymatorów znajdziesz w: BaggingClassifier.estimators_features_. Zbuduj ranking estymatorów jako DataFrame, który będzie mieć w kolejnych kolumnach: dokładność dla zb. uczącego, dokładnośc dla zb. testującego, lista nazw cech. Każdy wiersz to informacje o jednym estymatorze. DataFrame posortuj malejąco po wartościach dokładności dla zbioru testującego i uczącego oraz zapisz w pliku Pickle o nazwie acc_fea_rank.pkl

5 pkt

4 Prześlij raport

Prześlij plik o nazwie lab06/lab06.py realizujący ww. ćwiczenia.

Sprawdzane będzie, czy skrypt Pythona tworzy wszystkie wymagane pliki oraz czy ich zawartość jest poprawna.