## Reconhecimento de Padrões Exercício prático de implementação de Análise de Componentes Principais e de Máquinas de Vetores de Suporte

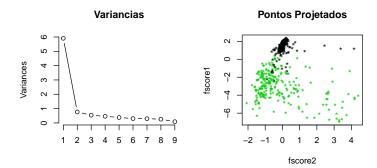
Prof. Frederico Coelho 8 de outubro de 2019

## 1 Introdução

Neste exercício o(a) aluno(a) realizará a implementação do método de Análise de Componentes Principais (PCA) e de uma Máquina de Vetores de Suporte (SVM) para realizar a classificação do conjunto de dados *Breast Cancer*.

## 2 PCA

Primeiramente o método PCA é empregado para projetar os dados em um novo espaço de caracteristicas, como mostrado na figura a seguir. Para gerar esta figura utilizou-se as 2 primeiras componentes geradas, mas para a solução do problema de classificação o aluno deverá utilizar quantas componentes forem necessárias. Pode-se usar a função nativa do R prcomp para extrair as componentes.



## 3 SVM

Posteriormente, deve-se utilizar as variáveis do novo espaço projetado como a entrada de uma SVM de base radial (com parâmetros: C, h) para realizar a classificação dos dados. A biblioteca kernlab possui a função ksvm para implementar uma SVM.

O aluno deverá seguir os seguintes passos:

1. Carregar a base e tratar os dados como mostrado abaixo;

```
\label{eq:library} \begin{array}{l} {\rm library(mlbench)} \\ {\rm data(BreastCancer)} \ \# \ {\rm carrega} \ {\rm dados} \\ {\rm db} <- \ {\rm na.omit(BreastCancer)} \ \# \ {\rm elimina} \ {\rm dados} \ {\rm faltantes} \\ {\rm db} Label[db{\rm Class} == "benign"] <- \ {\rm 1} \ \# \ {\rm muda} \ {\rm labels} \\ {\rm db} Label[db{\rm Class} == "malignant"] <- \ {\rm 1} \ \# \ {\rm muda} \ {\rm labels} \\ {\rm X} <- \ {\rm data.matrix}({\rm db}[,2:10]) \\ {\rm y} <- \ {\rm data.matrix}({\rm db}[,12]) \\ \end{array}
```

- 2. Aplicar o PCA nos dados;
- 3. Definir quantas componentes utilizar;

- 4. Separar os dados em treinamento e teste usando as componentes do PCA e considerando 10 folds para a validação cruzada;
- Treinar a SVM com os dados no espaço mapeado pelo PCA (atenção para a definição dos parâmetros do kernel escolhido e do parâmetro C de regularização da SVM.);
- 6. aplicar modelo treinado ao conjunto de testes;
- 7. Calcular as acurácias para cada classe em cada um dos folds e calcular a acurácia média.

O aluno deverá entregar um relatório PDF contendo a justificativa para a quantidade de componentes escolhida para ser usado na SVM, o gráfico da variância das componentes ordenadas, e a tabela de acurácias mostrando o desempenho em cada classe do problema separadamente em cada fold e na média total.

Material original do Prof. Antônio Braga