Supplemental Figure 1

	LZCII	Com1	Com1	Com2	Com2
	KSU	(Orig)	(IMGT)	(Orig)	(IMGT)
V1-80	7.10	6.07	2.89	6.40	6.45
V1-26	4.88	0.00	2.95	6.31	6.17
V1-9	3.59	4.81	3.23	5.04	5.07
V1-18	3.14		2.85	2.17	2.37
V1-53	3.05	3.95	4.37	6.55	6.59
V6-3	2.78	5.67	3.33	1.77	1.83
V9-3	2.76	2.76	2.58	0.92	0.92
V1-55	2.44	1.97	2.31	4.26	4.30
V1-50	2.37		1.14	2.00	2.02
V3-6	2.31	3.09	2.72	4.99	5.03
V1-76	2.26	3.11	1.22	4.08	4.12
V6-6	2.26	3.31	1.86	1.74	1.71
V1-64	2.12	2.82	3.51	4.64	4.69
V4-1	2.08	0.00	0.63	0.01	0.01
V2-6	2.01	0.01	0.17	0.01	0.96
V2-6-8	2.01	4.49	0.17	1.93	0.96
V1-82	1.99	1.95	3.01	1.72	1.73
V1-22	1.81	1.88	2.28	2.42	2.44
V1-81	1.79	2.07	2.29	0.04	0.04
V5-17	1.78	3.01	2.89	0.61	0.61
V2-2	1.77	1.99	2.26	0.67	0.69
V8-8	1.77	2.47	1.03	0.67	0.67
V7-3	1.66	1.06	0.79	2.66	1.81
V10-1	1.64	2.20	1.89	4.32	4.39
V1-72	1.56	2.24	3.08	2.35	2.08
V10-3	1.49	1.51	1.14	1.75	1.58
V1-69	1.43	0.97	1.03	3.45	3.23
V2-3	1.42	1.96	1.32	2.39	2.41
V11-2	1.41	2.43	0.12	0.12	0.12
V14-4	1.32	1.16	1.91	1.79	1.80
V1-78	1.19	1.04	0.66	1.18	1.21
V1-19	1.10	1.57	1.72	1.65	1.73
V8-12	1.04	1.18	0.67	0.54	0.55
V14-2	1.01	1.33	1.87	0.11	0.11
V1-52	0.99	1.00	0.40	0.02	0.02
V7-1	0.98	1.82	0.24	2.16	1.74
V1-15 V5-4	0.98	0.73	1.36		0.04
	0.92	1.13	0.90	1.25	1.26
V1-7 V1-39	0.89	0.65		1.11	1.06
	0.88	1.65	1.98	0.35	0.35
V5-16 V2-9	0.84	0.85	0.54	0.42	0.43
V2-9 V9-1	0.83	0.87	0.87	0.83	0.68
V2-9-1	0.79	0.00	1.16	0.43	0.43
V2-9-1 V1-75	0.79	1.30	1.36	1.06	1.07
V1-73 V1-4	0.73	0.39	0.41	0.99	1.16
V1-4 V2-5	0.68	0.59	0.41	0.33	0.28
v 2-3	0.00		U.U 1		0.20

	KSU	Com1 (Orig)	Com1 (IMGT)	Com2 (Orig)	Com2 (IMGT)
V3-8	0.68	0.70	0.52	0.14	0.14
V1-12	0.63	0.65	0.41	0.40	0.37
V1-74	0.63	0.91	0.56	0.91	0.92
V1-61	0.61		0.40	0.51	0.51
V14-3	0.59	0.63	0.75	0.52	0.51
V1-59	0.54	0.00	1.14	0.33	0.41
V14-1	0.53	0.45	0.71	0.19	0.20
V9-4	0.53	0.43	0.41	0.10	0.10
V1-5	0.51	0.73	0.77	0.54	0.53
V1-42	0.49	0.94	1.09	0.55	0.54
V1-66	0.48	0.69	0.97	0.72	0.74
V1-54	0.47	0.71	1.11	0.27	0.28
V3-1	0.45	0.41	0.55	0.00	0.00
V2-4	0.39	0.19	0.18	0.28	0.26
V5-6	0.38		1.05	0.05	0.42
V3-5	0.33	0.14	0.06	0.22	0.22
V8-5	0.33	0.49	0.25	0.17	0.17
V9-2	0.32	0.46	0.45	0.18	0.19
V1-20	0.32	0.23	0.26	0.16	0.17
V1-85	0.31	0.49	0.78	0.59	0.59
V5-9-1	0.30	0.59	0.31	0.25	0.14
V1-47	0.29	0.27	0.41	0.00	0.00
V1-58	0.29	0.48	0.33	0.26	0.27
V1-84	0.26	0.32	0.36	0.25	0.25
V12-3	0.25	0.21	0.11	0.01	0.01
V13-2	0.25	0.28	0.22	0.03	0.03
V5-15	0.24	0.44	0.13	0.55	0.56
V1-63	0.24	0.42	0.48	0.15	0.15
V1-36	0.24	0.28	0.35	0.22	0.22
V1-11	0.24	0.25	0.06	0.09	0.09
V1-34	0.22		2.95	0.13	0.11
V1-77	0.19	0.30	0.40	0.24	0.23
V5-9	0.18	0.36	0.44	0.23	0.22
V5-12	0.18	0.26	0.26	0.18	0.18
V1-67	0.14	0.04	0.10	0.00	0.00
V11-1	0.12	0.01	0.00	0.00	0.00
V5-2	0.12	0.13	0.17	0.11	0.11
V5S21	0.11	1.00	0.31	0.02	0.14
V1-62-2	0.10	1.02	0.64	0.12	0.07
V1-71	0.10	0.05	0.64	0.13	0.07
V1-49	0.09	0.05	0.11	0.00	0.00
V3-4	0.08	0.08	0.11	0.00	0.00
V1-31	0.07	0.10	0.16	0.00	0.00
V15-2	0.07	0.06	0.11	0.03	0.03
V3-3	0.07	0.03	0.04	0.05	0.05
V7-4	0.07	0.13	0.08	0.20	0.20
V1S100	0.07				0.00

	KSU	Com1	Com1	Com2	Com2
		(Orig)	(IMGT)	(Orig)	(IMGT)
V2-7	0.06	0.06	0.03		
V8-11	0.05	0.00	0.00	0.00	0.00
V1-43	0.05	0.03	0.05	0.00	0.00
V1S5	0.05	0.04	0.01	0.00	0.00
V1-23	0.04	0.03	0.19		
V1-37	0.04	0.03	0.06	0.02	0.02
V1-56	0.04	0.09	0.09	0.04	0.04
V3S7	0.03		0.00		
V8-4	0.03	0.01	0.01		
V8-6	0.02	0.00	0.00	0.00	0.00
V1-14	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01
V6-7	0.02	0.00			
V1-62-3	0.02	0.15	0.15		0.34
V6-4	0.02	0.01	0.00	0.00	0.00
V1-62-1	0.01				
V5-12-4	0.01		0.00		
V1-17-1	0.01				
V6-5	0.01	0.00	0.00		

Supplemental Figure 1. Comparison of V-gene segment usage with original and KSU/IMGT bioinformatics. Com1 and Com2 V-gene segment usage with company specific bioinformatics (original) and after processing through the KSU bioinformatic pipeline (IMGT). The highest value percent of repertoire is dark read while the lowest are white. Black boxes represent no detected reads (true zero). Rounded zeros are represented as 0.0.