

# Chapter 1

## Data Structures

---

### SEQUENCE

---

```
boolean isEmpty();  
boolean finished(Pos p);  
Pos head();  
Pos tail();  
Pos next(Pos p);  
Pos prev(Pos p);  
Pos insert(Pos p, Item v);  
Pos remove(Pos p);  
Item read(Pos p);  
write(Pos p , Item v);
```

---

---

### SET

---

```
int = size()  
boolean contains(ITEM x)  
insert(Item x)  
remvoe(Item x)  
Set union(Set A, Set B)  
Set intersection(Set A, Set B)  
Set difference(Set A, Set B)
```

---

---

### DICTIONARY

---

```
Item lookup(Item k)  
insert(Item k, Item v)  
remove(Item x)
```

---

**Lista bidirezionale**   Lista bidirezinale con sentinella

## 1.1 Stack

**Stack** Una struttura dati dinamica, lineare in cui l'elemento rimosso dall'operazione di cancellazione è predeterminato: "quello che per meno tempo è rimasto nell'insieme" (LIFO)

---

STACK
<b>boolean</b> isEmpty()
push( <b>Item</b> x)
<b>Item</b> pop()
<b>Item</b> top()

---

## 1.2 Queue

**Queue** Una struttura dati dinamica, lineare in cui l'elemento rimosso dall'operazione di cancellazione è predeterminato: "quello che per più tempo è rimasto nell'insieme" (FIFO)

---

QUEUE
<b>boolean</b> isEmpty()
enqueue( <b>Item</b> x)
<b>Item</b> dequeue()
<b>Item</b> top()

---

## 1.3 Tree

**Tree Data Structure** Binary Tree Data Structure

---

TREE
Tree( <b>Item</b> v)
<b>Item</b> read()
write( <b>Item</b> x)
<b>Item</b> top()
Tree left()
Tree right()
insertLeft(Tree x)
insertRight(Tree x)
deleteLeft()
deleteRight()

---

**Breath First Search** Breath first search. Costo Computazionale  $\Theta(n)$  in quanto ogni nodo viene visitato al massimo una volta.

---

dfs(TREE t)	
<b>if</b> $t \neq \text{nil}$ <b>then</b>	
/* Pre Order Visit	*/
<b>print</b> t	
/* In Order Visit	*/
dfs(t.left())	
<b>print</b> t	
/* Post Order Visit	*/
dfs(t.right())	
<b>print</b> t	

---

**Generic Tree**    Albero generico, non binario

---

TREE
Tree(Item v)
Item read()
write(Item x)
Tree parent()
Tree leftmostChild()
Tree rightSibling()
insertChild(Tree x)
insertSibling(Tree x)
deleteChild()
deleteSibling()

---

**Depth-First Search**    Depth-First Search

---

dfs(TREE t)	
<b>if</b> $t \neq \text{nil}$ <b>then</b>	
/* Pre Order Visit	*/
<b>print</b> t	
Tree u = t.leftmostChild() <b>while</b> $u \neq \text{nil}$ <b>do</b>	
dfs(u) u = u.rightSibling()	
/* Post Order Visit	*/
<b>print</b> t	

---

**Breadth-First Search**    Breadth First Search

---

```
bfs(TREE t)
Queue Q = Queue() Q.enqueue(t)
while Q.isEmpty() do
    Tree u = Q.dequeue() /* Visita per livello nodo u          */
    print t
    u = t.leftmostChild() while u != nil do
        Q.enqueue(u) u = u.rightSibling()
```

---

## Chapter 2

# Exams

### 2.1 04-09-2020

**Longest Single** Restituisce la lunghezza del più lungo sottovettore contiguo che non contiene valori duplicati

---

```
int longestSingle(int[] A, int n)
{
    Set S = Set()
    int maxSoFar = 0
    int start = 1
    int end = 1
    while end ≤ n do
    {
        if S.contains(A[end]) then
        {
            while A[start] != A[end] do
            {
                S.remove(A[start])
                start = start + 1
            }
            start = start + 1
        }
        else
        {
            S.insert(A[end])
            maxSoFar = max(maxSoFar, end - start + 1)
        }
        end = end + 1
    }
    return maxSoFar
}
```

---

### 2.2 24-07-2020

**closeDuplicates** Trova numeri duplicati in array raggio k

**Tree Mirror** Find if tree is Mirror

---

```

boolean isMirror(TREE  $t_L$ , TREE,  $t_R$ )
  if  $t_L == \text{nil}$  and  $t_R == \text{nil}$  then
    | return true
  else
    | if  $t_L != \text{nil}$  and  $t_R != \text{nil}$  then
    |   | return isMirror( $t_L$ .right,  $t_R$ .left) and isMirror( $t_R$ .right,  $t_L$ .left)
    |   else
    |     | return false

```

---

## 2.3 03-07-2020

**BinaryInsert** inserisce un array ordinato di numeri in un albero con T.size nei nodi. Poichè questo algoritmo è sostanzialmente una vista, la sua complessità sarà pari a  $\Theta(n)$

---

```

biRec(TREE t, int[] A, int i)
  int leftSize = 0
  if  $T.\text{left} != \text{nil}$  then
    | leftSize = t.left.size
    | biRec(t.left, A, i)
  t.value = A[i+leftSize]
  if  $T.\text{left} != \text{nil}$  then
    | biRec(t.left, A, i + leftSize + 1)

```

---

**hasMajority** Restituisce true se il vettore contiene un valore di maggioranza, ovvero un valore che compare più di  $n/2$  volte. Il costo computazionale, dato dalla ricerca dicotomica, è  $O(\log n)$ .