Práctica 11

Prueba de normalidad analítica

Luis Eduardo Galindo Amaya (1274895)

Asignatura Estadística Avanzada
Docente Olivia Mendoza Duarte
Fecha 23-11-2022

Prueba de normalidad analítica

Luis Eduardo Galindo Amaya (1274895)

23-11-2022

Información del dataset¹

This is one of the best known datasets in statistics and machine learning. Fisher's paper is a classic in the field and is frequently used for tutorial and teaching purposes. The data set contains 3 classes of 50 instances each, where each class refers to a type of iris plant. One class is linearly separable from the other 2; the latter are not linearly separable from each other.

Predicted attribute: class of iris plant.

- 1. sepal length
- 2. sepal width
- 3. petal length
- 4. petal width
- 5. class

Desarollo de la práctica

Distribusion normal (sepal width)

Observacion previa

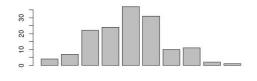
Se puede notar como el ancho del sépalo se distribuye de manera normal, el tamaño del sépalo tiende a ser de un tamaño especifico y no tanto del tamaño de los pétalos

Resultados

Efectivamente los valores coinciden en una distribucion normal RQ=0.9925113.

¹https://archive-beta.ics.uci.edu/ml/datasets/iris

Estadística Avanzada 2022-2



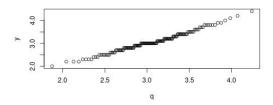


Figura 1: columna "sepal width"

Distribucion no normal (sepal length)

Observacion previa

El largo del sépalo se distribuye de manera serrada sobre los datos, no parece haber un patrón en la gráfica

Resultados

Aunque de a primera vista no es muy claro los datos de esta columna tambien cumplen la prueba de normalidad rQ=0.9891878.



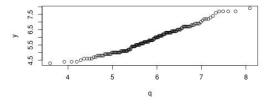


Figura 2: columna "sepal length" del dataset bezdeklris

Estadística Avanzada 2022-2

Distribucion no normal (petal length)

Observacion previa

Por otro lado el largo de los pétalos es muy interesante, en la parte derecha parece haber una distribución normal pero tiene unos sectores que sobresalen a la izquierda.

Resultados

Esta no es una distribución normal, la gráfica sale completamente dividida rQ=0.9378633

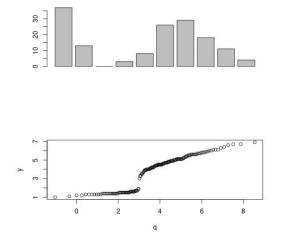


Figura 3: columna "petal length" del dataset bezdeklris

Conclusiones

Usar métodos que solo dependen de la observación es bastante peligroso, ya que no podemos determinar con total precisión si nuestras gráficas coinciden o no y que un simple cambio en el numero de clases puede hacer que la gráfica sea completamente diferente, el método analítico nos permite tener mucha precisión para determinar si nuestros casos coinciden

Código

```
## AUTHOR: Luis Eduardo Galindo Amaya
   ##
        DATE: 24-11-2022
   ##
        DESC: Prueba de normalidad grafica y analitica
3
   ## ENTRADAS
   n_{clases} < -10
6
   nombre_del_archivo <- "./bezdekIris.csv"
   columna <- 3
   filas <- 1:150
10
11
   archivo_salida <- "./practica 11/img/i3.jpeg"
13
```

Estadística Avanzada 2022-2

```
## OPERACIONES GRAFICA ####
   archivo <- read.csv(nombre_del_archivo)</pre>
   data <- archivo[filas, columna]
16
17
   valor_minimo <- min(data)</pre>
18
   valor_maximo <- max(data)</pre>
19
   amplitud_de_clase <- (valor_maximo - valor_minimo) / n_clases</pre>
20
21
22
   ## numero de elementos dentro de cada clase
   frecuencias <- array(0, dim = (n_clases))</pre>
24
   for (i in 1:n_clases) {
25
     rango_min <- valor_minimo + amplitud_de_clase * (i - 1)</pre>
      rango_max <- valor_minimo + amplitud_de_clase * i</pre>
27
      frecuencias[i] <- sum(data >= rango_min & data < rango_max)</pre>
28
29
30
31
   ## OPERACIONES ANALÍTICA ####
32
   n <- length(data) # tamaño del arreglo
33
   ## Se calcula las fracciones las fracciones correspondientes a
35
36
   ## los acuartiles teoricos
37
   fracciones <- c()
38
   xdata <- c()
40
   for (i in 1:n) {
41
     fraccion <- (i - 0.5) / n
     fracciones <- c(fracciones, fraccion)</pre>
43
44
     xdata <- c(xdata, data[i])</pre>
   }
46
   # se ordena el vector x y se asiga ordenado a la variable y
47
   y <- sort(xdata)
48
49
   \# se calcula la media y la desviación estándar de y
50
   media_y <- mean(y)</pre>
51
   std_y <- sd(y)
52
53
   ## se calculan los cuartiles teóricos usando la distribució
54
55
   ## normal inversa qnorm
56
   q <- c()
57
   for (i in 1:n) {
    qi <- media_y + std_y * qnorm(fracciones[i])
59
      q \leftarrow c(q, qi)
60
   }
61
62
   datosQQ=data.frame(q,y)
63
   rQ=cor(q,y)
64
65
67
68
   ## grafica
69
   jpeg(file = archivo_salida)
70
   par(mfrow = c(2, 1))
71
   barplot(frecuencias)
72
   plot(datosQQ)
73
   dev.off()
75
   ## SALIDAS GRAFICAS ####
76
   frecuencias
   n_clases
78
79
   valor_minimo
   valor_maximo
80
   amplitud_de_clase
81
   length(data)
   sum(frecuencias)
83
   ## SALIDAS ANALÍTICAS ####
84
85
   rQ
```