

# GTX Compressor 使用报告

(技术预览版)

人和未来生物科技有限公司

2017年1月



# 摘要

自 2010 年以来,随着新一代测序技术的发展,更大数量级的基因组数据产出日渐增加(从GB,TB级到PB,EB级。Illumina公司最新的推出的HISEQ X10测序仪3 天内测序约 1.8TB 的测序数据)。大规模的基因组数据的分析和管理正在成为推动生命科学创新的重要源泉。由于基因测序规模庞大,其传输与存储都需要消耗大量的时间与经济成本,制约了生物大数据发展。

GTX Compressor 是 Genetalks 公司 GTX Lab 实验室开发的通用数据压缩打包系统,可以对任意基因测序数据的目录进行高压缩率的快速打包,形成单个压缩数据文件,以方便存档与远程传输、校验。GTX Compressor 可以以超过 114MB/s 的速度将接近 200GB 大小的文件在 29 分钟内压缩到原大小的 13%,而对于 X10 等只有 7个质量数的 FASTQ 数据,其压缩率更可以达到 5.5%。

GTX Compressor 提供"直压上云"功能。考虑商业使用时,用户不仅需要将测序产生的海量数据存储于本地,更迫切地寻求将数据快速稳定传输至云端的能力。
GTX Compressor 的数据压缩引擎允许用户直接将 fastq 文件压缩存储到亚马逊 AWS
平台或者阿里云 OSS 平台,并保持与本地压缩相同的压缩速度与压缩效率。



# 系统特点

## 该数据打包压缩系统的特点:

- ➤ **高压缩比:**采用 Context Model 压缩技术,配合多种优化的预测模型,平衡系统并发度与内存资源消耗后,能达到极高的压缩率。
- ▶ **高性能**: GTX compressor 充分发挥了 CPU 的并发性以及新型 Haswell CPU 体系结构与 AVX2、BMI2 等指令集的计算能力,使得在普通服务器上的压缩速度,最高能够以接近 114MB/s 的输入流量输入数据并压缩完毕。
- ▶ **高速直压上云:** GTX compressor 支持直压上云和从云端直接解压下载功能。普通的 20 核服务器,通过百兆 Intenet 线路,可以在短短30分钟内稳定地将 200GB Fastq 文件的直压上云。



# 软件操作手册(技术预览版)

# 2.1 命令行说明

执行 ./gtz -h , 输出命令行帮助说明

#### **USAGE**:

## 通用选项说明:

-h:输出以上命令行帮助信息

--version:输出 gt\_compress 程序的版本号

### 压缩选项说明:

-f, --force : 强制删除容器内的 object

--endpoint : 指定阿里云 OSS 平台的访问域名和数据中心

--timeout : 指定上传超时阀值

--access-key-id : 指定云平台用户 ID

--secret-access-key: 指定云平台用户密钥

-i:压缩时增加索引,主要用于在压缩文件中快速检索 fastq 文件的某段内容,该选项

#### 会降低压缩速度

-a: 追加模式,本次压缩的内容会追加到压缩文件中

-g:分组加速压缩,分组越多,需要的 cpu 和内存越多,压缩速度越快。不指定该值



时,程序会根据 cpu 和内存自动选择最优值

-o:指定压缩文件名,不指定时,默认为out.gtz

file\_name:需要压缩的文件或目录,若不指定,则从标准输入中读入数据

#### 解压选项说明:

-d,--decode : 解压模式

-f, --force : 强制删除容器内的 object

--endpoint : 指定阿里云 OSS 平台的访问域名和数据中心

--timeout : 指定下载超时阀值

--access-key-id : 指定云平台用户 ID

--secret-access-key: 指定云平台用户密钥

-t,--terminal : 解压数据输出至标准输出

-i,--index : 解压模式下,启用索引功能

-l, --line : 指定需检索的起始行, 起始行在 fastq 中的位置为 (该值-1)\*4

-n, --number : 指定需要检索输出的行数,输出的行数为该值\*4,负数为向后

#### 检索

-o:指定输出文件名,使用-n或-l时需要指定该选项,否则不需要该选项

file\_name:需要压缩的文件或目录,若不指定,则从标准输入中读入数据



# 2.2 压缩和解压示例

为了与阿里云 OSS 平台和亚马逊 AWS 平台命令保持一致, -o 指定上传文件路径或者-d 指定文件解压路径方式如下:

oss://bucket/directory/filename.gtz

s3://bucket / directory / filename.gtz

第一部分 oss/s3 为用户要上传的云平台

第二部分 bucket 为用户要上传到的 bucket

第三部分 directory 为用户在 bucket 中存储数据的目录

第四部分 filename.gtz 为用户在目录中存储的压缩文件名称

# 2.2.1 直压上阿里云的 OSS 与从 OSS 直接解压

通过将云平台的相关信息(access-key-id, secret-access-key, endpoint) 配置成环境变量的方式,压缩软件可以自动读取。例如:

export access\_key\_id=xxxxxx export secret\_access\_key=xxxxxx export endpoint=xxxxxx (该环境变量只有上传至 OSS 时才需设置)

若不在环境变量中设置密钥,也可以通过 gtz 命令行参数具体指定。

注: 以下示例,均以环境变量已经设置为前提。

#### ▶ 直压上传至阿里云 OSS

./gtz -o oss://gt-compress/dest.gtz source.fastq

或者,若 fastq 文件是 gzip 压缩过的(如: source.fastq.gz),可以通过下面方式边 gzip 解压、边 gtz 重压缩、边直传:

zcat source.fastq.gz | ./gtz -o oss://gt-compress/dest.gtz

## ▶ 从阿里云 OSS 直接解压

./gtz -d oss://gt-compress/dest.gtz



# 2.2.2 直压上 AWS S3 与从 S3 直接解压

通过将云平台的相关信息(access-key-id, secret-access-key)配置成环境变量的方式,压缩软件可以自动读取。例如:

export access\_key\_id=xxxxxx export secret\_access\_key=xxxxxx

若不在环境变量中设置密钥,也可以通过 gtz 命令行参数具体指定。

注: 以下示例,均以环境变量已经设置为前提。

## ➤ 直压上传至 AWS S3

./gtz -o s3://gt-compress/dest.gtz source.fastq

或者,若 fastq 文件是 gzip 压缩过的(如: source.fastq.gz),可以通过下面方式边 gzip 解压、边 gtz 重压缩、边直传:

zcat source.fastq.gz | ./gtz -o s3://gt-compress/dest.gtz

# ➤ 从 AWS S3 直接解压

./gtz -d s3://gt-compress/dest.gtz



# 2.2.3 压缩至本地磁盘

## ▶ 压缩过程

./gtz -o /gt-compress/dest.gtz source.fastq

或者,若 fastq 文件是 gzip 压缩过的(如: source.fastq.gz),可以通过下面方式边 gzip 解压、边 gtz 重压缩、边直传:

zcat source.fastq.gz | ./gtz -o /gt-compress/dest.gtz

# 从本地文件解压

./gtz -d /gt-compress/dest.gtz