

### 1. 개요

본 분석은 통계학의 기초적인 기법들을 활용하여 Iris(붓꽃) 데이터셋의 특성을 파악하고, 특히 꽃잎의 길이 **Petal Length**가 종별로 어떤 차이를 보이는지 검증하는 데 목적이 있다. 나아가 꽃받침의 길이와 너비, 꽃잎의 너비 데이터를 활용하여 꽃잎의 길이를 예측하는 회귀 모델을 구축함으로써 데이터 간의 인과관계와 예측 가능성을 탐색하고자 한다.

### 2. 기술통계 및 EDA

분석에 앞서 전체적인 데이터의 구조를 파악하였다. Iris 데이터셋은 **Setosa**, **Versicolor**, **Virginica** 세 가지 종으로 구성되어 있으며, 각 종별로 꽃잎 길이의 분포를 살펴본 결과는 다음과 같다.

1. **Setosa**: 평균 약 1.46cm로 가장 짧으며, 데이터의 변동성이 작고 매우 일관된 특징을 보인다.
2. **Versicolor**: 평균 약 4.26cm로 중간 수준의 길이를 나타낸다.
3. **Virginica**: 평균 약 5.55cm로 세 종 중 가장 긴 꽃잎을 가졌으며, 분포의 범위가 가장 넓게 나타났다.

시각화를 위해 작성한 **Boxplot**을 보면, **Setosa** 종은 다른 두 종과 완전히 분리된 분포를 보여주어 꽃잎 길이만으로도 충분히 분류가 가능함을 시사한다. 반면 **Versicolor**와 **Virginica**는 일부 구간이 겹치지만, 중앙값의 위치를 통해 값의 차이가 있음을 확인할 수 있다. 이러한 분포 차이가 통계적으로 유의미한 것인지 확인하기 위해 통계적 가설 검정을 수행하였다.

### 3. 통계적 가설 검정

**ANOVA**(분산 분석)를 수행하기 전, 데이터가 통계적 가정을 만족하는지 검토하였다.

1. 정규성 검정 (**Shapiro-Wilk Test**): 각 그룹별로 정규분포를 따르는지 확인하였다. 모든 그룹에서 유의수준 0.05를 상회하여 정규성을 만족한다고 가정하고 분석을 진행하였다.
2. 등분산성 검정 (**Levene's Test**): 세 그룹 간의 분산이 동일한지 검정한 결과, **p-value**가 3.1288e-08로 나타나 귀무가설을 기각하였다. 즉, 그룹 간 분산은 통계적으로 다르다고 판단되나, 본 과제의 지침에 따라 등분산성을 만족한다는 전제하에 **ANOVA**를 실시하였다.

### 4. One-way ANOVA

세 가지 종에 따른 꽃잎 길이 평균의 차이가 통계적으로 유의미한지 확인하기 위해 가설을 수립하고 **ANOVA**를 실시하였다.

1. 귀무가설(**Null hypothesis**): 세 종의 꽃잎 길이 평균은 모두 같다.
2. 대립가설(**Alternative hypothesis**): 적어도 한 종의 평균은 다른 종과 다르다.

분석 결과:

- F-statistic: 1180.1612
- p-value: 2.8568e-91

p-value가 유의수준 0.05보다 압도적으로 작으므로 귀무가설을 기각한다. 즉, 세 종의 꽃잎 길이는 통계적으로 매우 유의미한 차이가 있음이 증명되었다.

## 5. 사후 검정 (Tukey HSD)

ANOVA 결과를 통해 차이가 있음을 확인하였으므로, 구체적으로 어떤 종들 사이에 차이가 있는지 Tukey HSD 검정을 통해 확인하였다. 분석 결과, 모든 종의 쌍(Setosa-Versicolor, Setosa-Virginica, Versicolor-Virginica)에서 Reject=True가 나타났다. 이는 세 종이 서로 모두 통계적으로 유의미하게 다른 꽃잎 길이를 가지고 있음을 의미하며, 길이는 Setosa < Versicolor < Virginica 순으로 길어지는 것을 최종 확인하였다.

## 6. 회귀 분석을 통한 예측 모델링

마지막으로 꽃잎의 길이 Petal length를 종속 변수로 설정하고, 나머지 세 변수 Sepal length, Sepal width, Petal width를 독립 변수로 하는 선형 회귀 모델을 구축하였다. 앞선 분석이 종에 따른 평균 차이를 검증하는 데 초점을 맞췄다면, 이 파트에서는 데이터셋의 다른 여러 변수가 Petal Length를 얼마나 잘 설명할 수 있는지 확인하고자 회귀 분석을 수행하였다.

- 모델 평가: R square(결정계수)는 0.9603으로 나타났으며, 이는 본 모델이 꽃잎 길이 변동의 약 96%를 설명하는 우수한 성능을 가졌음을 보여준다. MSE 또한 0.1300으로 매우 낮게 측정되었다. 이는 Petal Length가 다른 변수들과 매우 강한 선형 관계를 가짐을 시사한다.
- 변수 영향력: 회귀계수 분석 결과, Petal width(1.4675)가 꽃잎 길이에 가장 큰 양(+)의 영향을 미치는 핵심 변수임을 확인하였다.

## 7. 결과 해석 및 결론

본 분석에서는 Iris 데이터셋을 대상으로 종에 따라 Petal Length가 유의미한 차이를 보이는지를 단계적으로 검증하였다. 기술통계 및 시각화 결과, Setosa, Versicolor, Virginica 간 꽃잎 길이 분포에 뚜렷한 차이가 관찰되었으며, 이를 One-way ANOVA를 통해 통계적으로 검정한 결과 세 종 간 평균 차이는 매우 유의미함을 확인하였다( $p < 0.05$ ).

이어 수행한 Tukey HSD 사후 검정에서는 모든 종의 쌍에서 유의미한 차이가 나타났으며, Petal Length는 Setosa < Versicolor < Virginica 순으로 증가하는 경향을 보였다. 이는 꽃잎 길이가 Iris 종을 구분하는 핵심적인 특성 중 하나임을 시사한다.

또한 회귀 분석 결과, Sepal length, Sepal width, Petal width를 활용한 선형 회귀 모델은 Petal Length 변동의 약 96%를 설명하며 높은 예측 성능을 보였다( $R^2 = 0.9603$ ). 특히 Petal width가 가장 큰 영향을 미치는 변수로 나타나, 꽃잎 관련 특성 간의 강한 선형 관계를 확인할 수 있었다.

종합적으로 본 분석은 탐색적 분석 → 가설 검정 → 사후 검정 → 예측 모델링의 흐름을 통해, Petal Length가 종 구분과 예측 모두에서 중요한 역할을 하는 변수임을 통계적으로 해석하고 확인하였다는 점에서 의의를 가진다.