

Sesión 3: Visualización de datos con ggplot2

Gonzalo Almendariz Villanueva

0.1 Objetivo de la sesión de hoy

Dominar la lógica de la gramática de gráficos implementada en ggplot2. Construir gráficos claros, funcionales y personalizables para la exploración de variables numéricas y categóricas. Componer visualizaciones múltiples y utilizar recursos de diseño.

Poder visualizar la información no solo nos ayuda a anticipar ciertos patrones y comportamientos, sino que también facilita la comunicación de estos hallazgos a otros. Es importante reconocer que tendemos a dejarnos llevar más por los gráficos que por los resúmenes numéricos, aunque ambos sean igualmente importantes.

1. Principios de ggplot2

1. Principios de ggplot2

ggplot2 es uno de los paquetes más populares y poderosos en R para la creación de gráficos.

```
library(ggplot2)
```

La creación de gráficos con `ggplot2` se basa en la gramática de los gráficos (Grammar of Graphics). Esta gramática define una serie de componentes que forman parte de un gráfico:

1. **Datos:** El conjunto de datos que queremos visualizar.
2. **Estética:** La asignación de variables a aspectos visuales del gráfico, como posición, color, tamaño, etc.
3. **Geometría:** El tipo de gráfico (barras, puntos, líneas, etc.).
4. **Facetas:** Subdivisiones del gráfico en múltiples paneles basados en una o más variables.
5. **Estadísticas:** Transformaciones estadísticas que se aplican a los datos antes de graficarlos.
6. **Coordenadas:** El sistema de coordenadas usado (cartesiano, polar, etc.).
7. **Tema:** Elementos de diseño y formato del gráfico.

Piensa en cada uno de ellos como una capa que va encima. Para construir un gráfico en `ggplot2`, concatenamos diferentes capas usando el operador `+`. Cada capa añade un nuevo componente al gráfico.

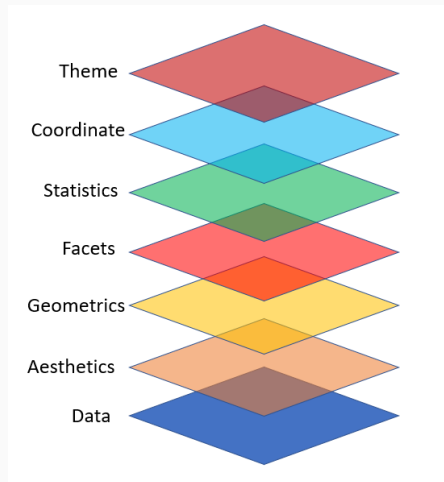


Figura 1: Extraído de: <https://cristoichkov.github.io>

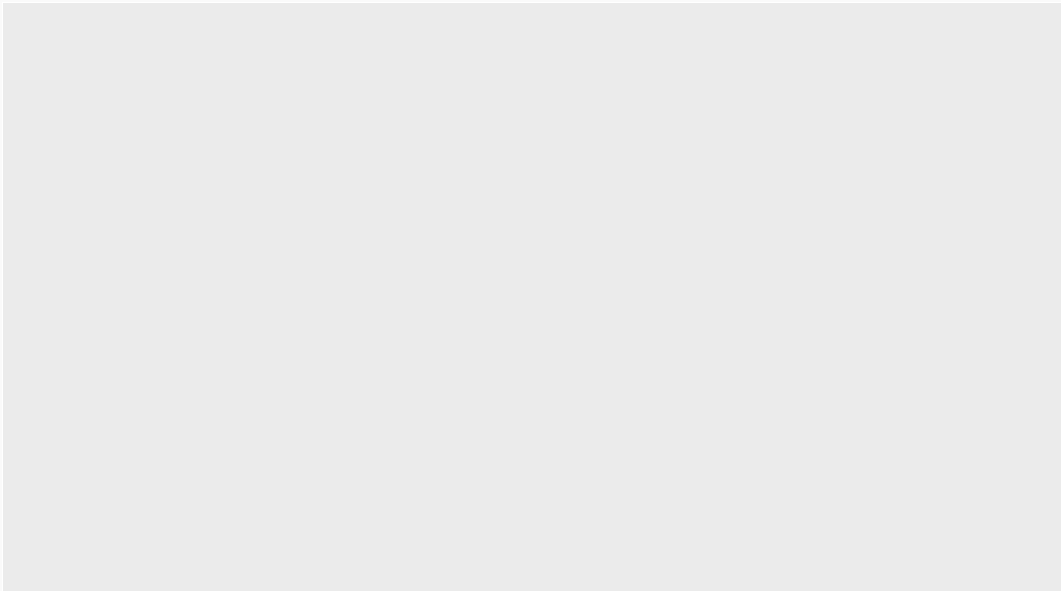

```
df = WDI::WDI(  
  country = "all",  
  indicator = c(  
    pib_capita = "NY.GDP.PCAP.CD",  
    esp_vida = "SP.DYN.LE00.IN",  
    poblacion = "SP.POP.TOTL"  
  ),  
  start = 2014, end = 2024, extra = T  
)
```

```
library(dplyr)  
df_22 = df %>%  
  filter(region != "Aggregates", year == 2022) %>%  
  select(-year)
```

Vamos a empezar con un gráfico de dispersión básico utilizando el conjunto de datos `df_22`. Este conjunto contiene datos sobre el Producto Interno Bruto (PIB) per cápita, la esperanza de vida y otros indicadores para varios países a lo largo del tiempo.

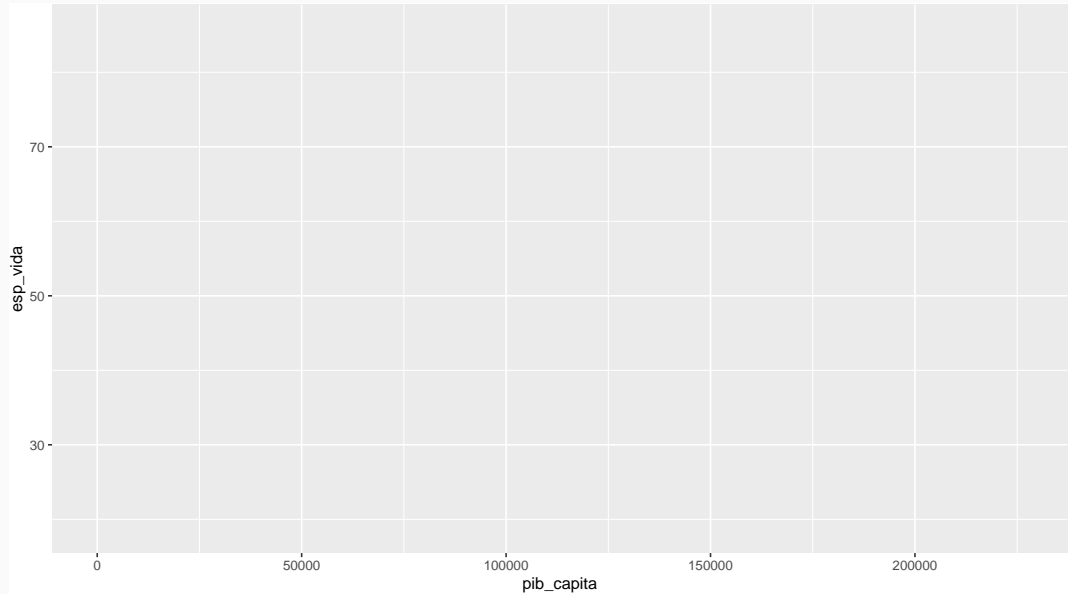
Empezamos agregando la primera capa, los datos. Para comenzar, creamos la base del gráfico con la función `ggplot()`, y como argumento el conjunto de datos `df_22`.

```
ggplot(df_22)
```



Como ves, los datos por sí solos únicamente nos dan un recuadro en blanco; debemos añadir el resto de capas. Definimos las estéticas del gráfico con la función `aes()`, asignando el PIB per cápita al eje x (`pib_capita`) y la esperanza de vida al eje y (`esp_vida`).

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida))
```

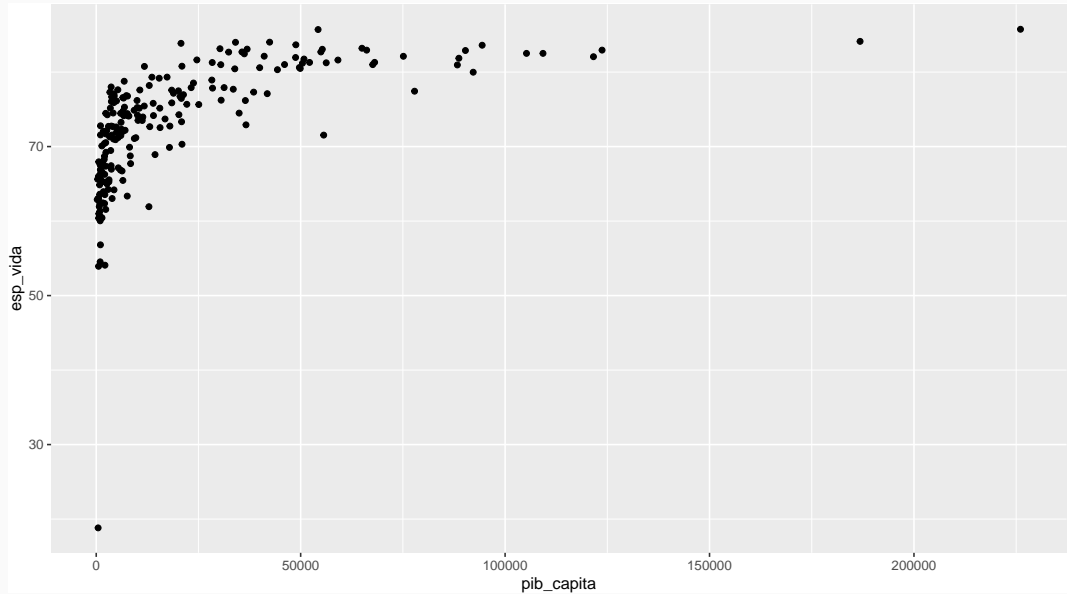


Ahora que R sabe qué datos vamos a utilizar y qué variables tomar como coordenadas, necesitamos especificar qué tipo de gráfico queremos crear. En `ggplot2`, hay muchas geoms (geometrías), y cada una proporciona un tipo de visualización distinta. Por ejemplo, `geom_bar` crea un gráfico de barras y `geom_line` genera uno de líneas.

En nuestro caso, como ambas variables (el PIB per cápita y la esperanza de vida) son numéricas, lo ideal es usar un gráfico de dispersión. Este tipo de visualización nos permite explorar visualmente si existe algún tipo de relación entre ambas.

Para crear este gráfico, usamos la función `geom_point()`:

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida)) +  
  geom_point()
```



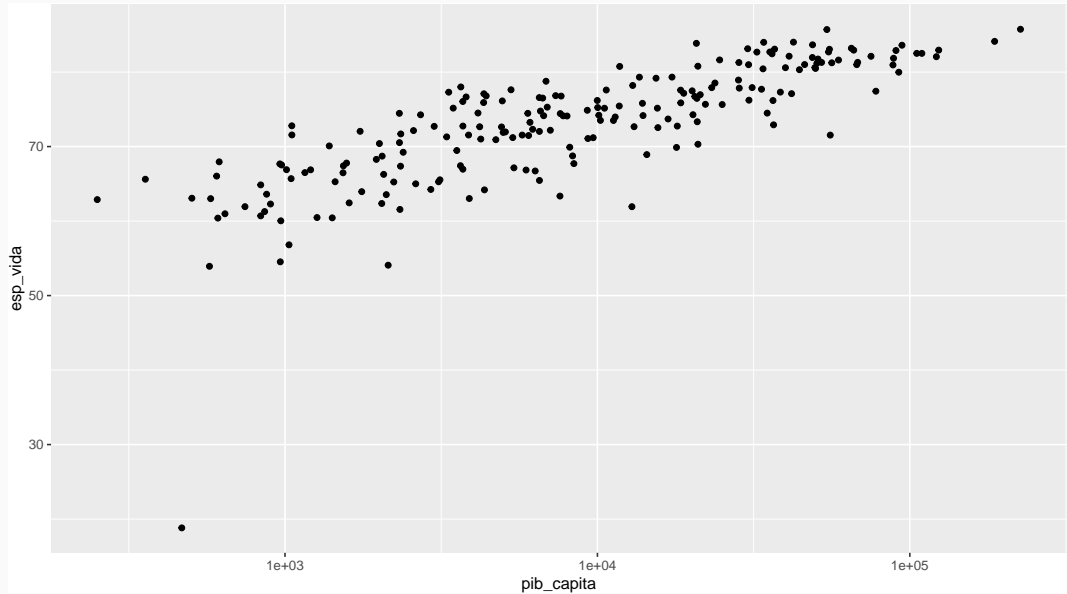
En este ejemplo, `aes(x = pib_capita, y = esp_vida)` define la estética del gráfico, es decir, qué variable irá en cada eje. Luego, `geom_point()` le indica a R que queremos un gráfico de puntos (dispersión).

Una vez que ejecutamos este código, ya podemos empezar a observar patrones generales en los datos. Sin embargo, probablemente notes que los puntos están bastante agrupados hacia la izquierda del gráfico. Esto ocurre porque el rango del PIB per cápita varía mucho entre países: algunos tienen valores muy altos y otros muy bajos, lo que comprime los datos en un extremo del eje.

Para mejorar la visualización, podemos transformar la escala del eje x utilizando una escala logarítmica. Esto nos permite “expandir” las diferencias entre países con bajo PIB y comprimir un poco los valores más altos, facilitando así la comparación visual.

Usamos `scale_x_log10()` para transformar el eje x a una escala logarítmica.

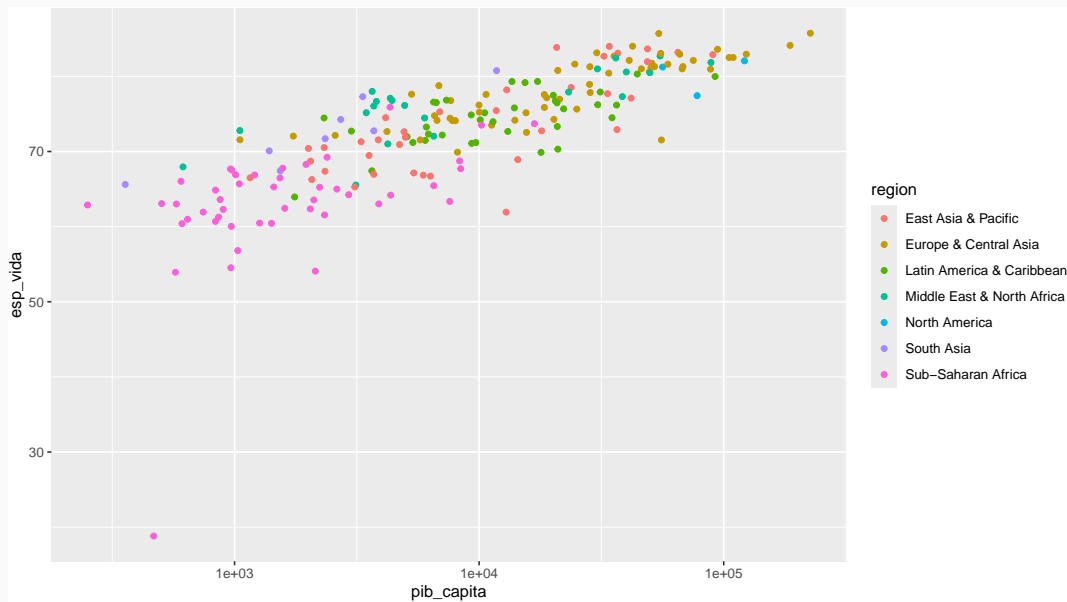
```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida)) +  
  geom_point() +  
  scale_x_log10()
```



Solo recuerda: aplicar una escala logarítmica cambia la forma en que leemos los datos. No estamos viendo el valor bruto del PIB per cápita, sino su logaritmo. Aun así, esta transformación es muy útil para interpretar mejor patrones cuando hay mucha dispersión entre valores bajos y altos.

También podemos incluir una dimensión adicional de información visual usando la región de cada país como color. Para hacerlo, dentro de `aes()` agregamos el argumento `color = region`, lo que permite que cada punto se coloree según la región correspondiente.

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita,  
                  y = esp_vida,  
                  color = region)) +  
  geom_point() +  
  scale_x_log10()
```

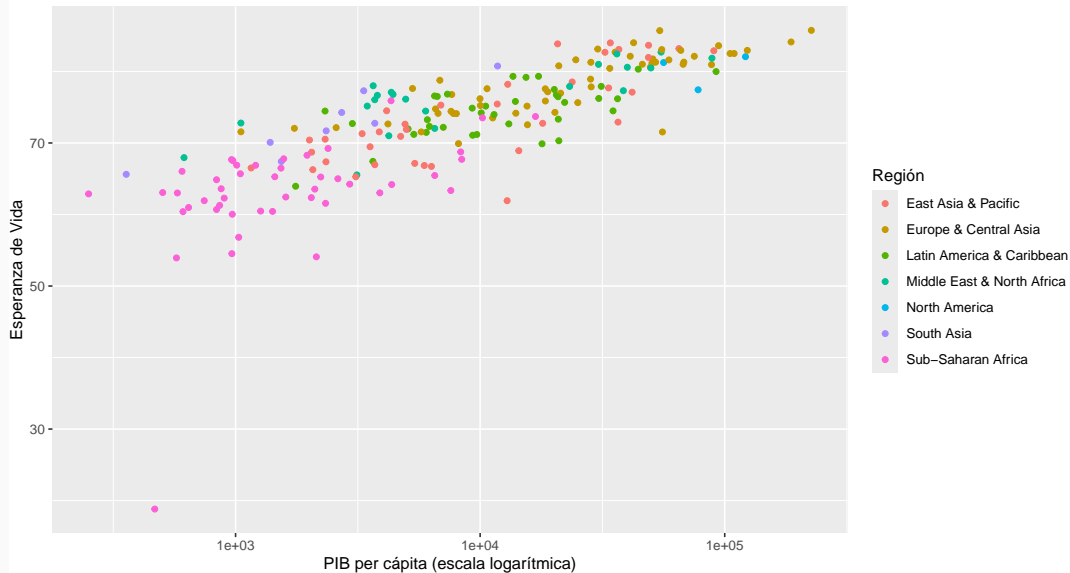


Esto permite explorar visualmente si ciertos patrones se agrupan por región. Por ejemplo, si hay regiones donde los países tienen una esperanza de vida similar a pesar de tener diferentes niveles de ingreso.

Para que el gráfico sea más claro, añadimos etiquetas con `labs()`. Esto incluye un título para el gráfico, nombres para los ejes y una leyenda para el color.

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita,  
                  y = esp_vida,  
                  color = region)) +  
  geom_point() +  
  scale_x_log10() +  
  labs(title = "Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida",  
        x = "PIB per cápita (escala logarítmica)",  
        y = "Esperanza de Vida",  
        color = "Región")
```

Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida



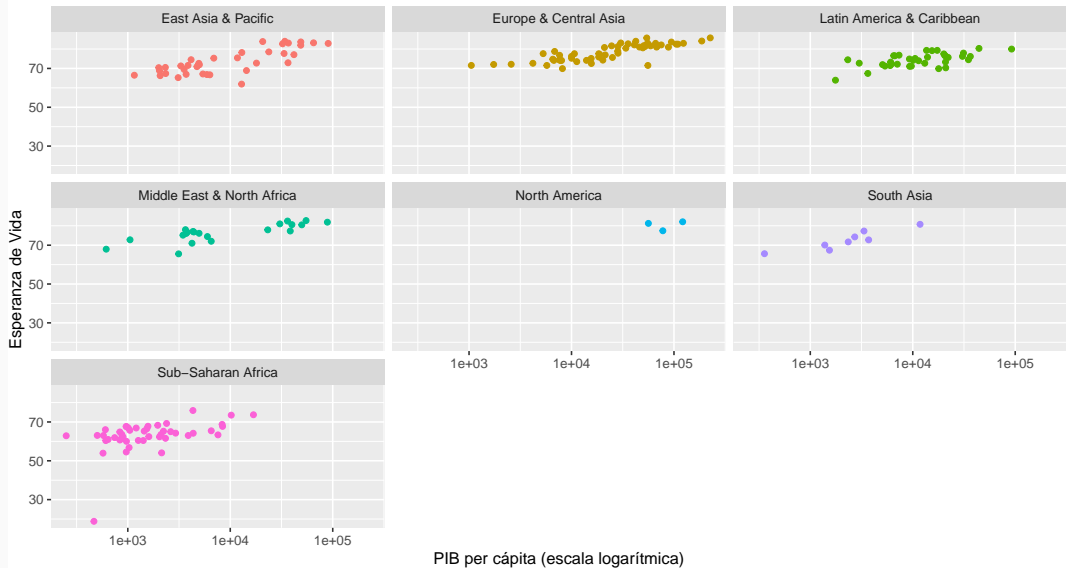
Con esto obtenemos un gráfico claro, donde cada capa cumple una función específica: `geom_point()` dibuja los puntos, `scale_x_log10()` transforma el eje x, `color = region` añade una variable categórica como color, y `labs()` da contexto e interpretación.

Otra capa opcional que podemos agregar es `facet_wrap()`. El facetado permite dividir el gráfico en paneles separados según una variable categórica. En este caso, podemos crear un gráfico por cada región.

Usamos `facet_wrap(~ region)` para crear un panel por región. Esto facilita comparar patrones dentro y entre regiones.

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita,  
                  y = esp_vida,  
                  color = region)) +  
  geom_point() +  
  scale_x_log10() +  
  labs(title = "Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida",  
        x = "PIB per cápita (escala logarítmica)",  
        y = "Esperanza de Vida",  
        color = "Región") +  
  facet_wrap(~ region) +  
  theme(legend.position = "none") # Esta línea oculta la leyenda
```

Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida



Al usar `facet_wrap()`, cada gráfico mantiene la misma escala, pero muestra solo los países de una región. Esto permite observar variaciones internas que podrían quedar ocultas en un gráfico global.

La última capa que veremos es la de `theme()`. Esta capa permite modificar con precisión la apariencia del gráfico: tamaños, posiciones, colores, fuentes, márgenes, etc. Por ejemplo, en el gráfico anterior eliminamos la leyenda usando un `theme(legend.position = "none")`.

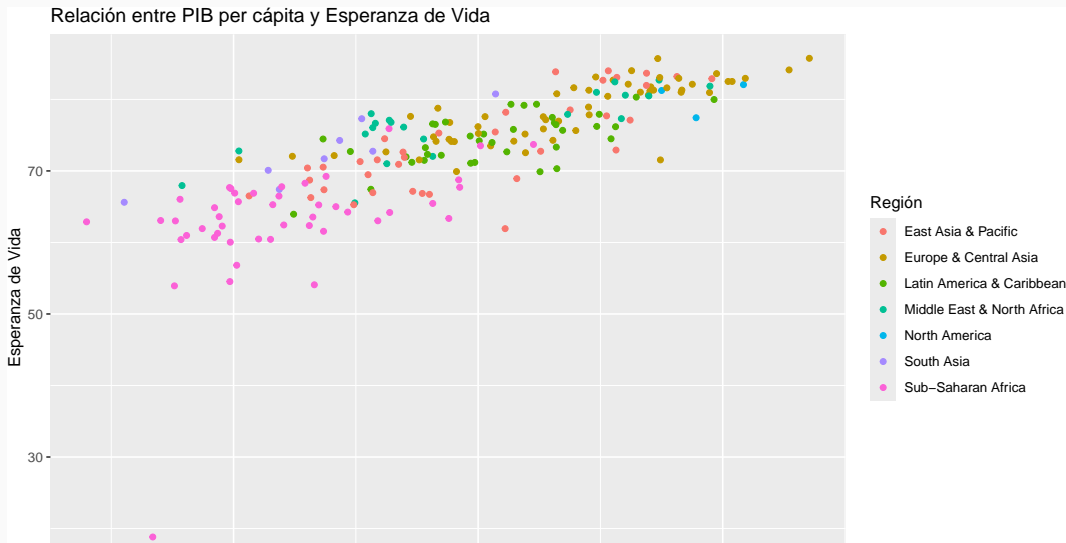
`ggplot2` tiene varios temas predeterminados que permiten cambiar la apariencia del gráfico sin complicarse demasiado. No exploraremos toda la personalización posible, sino solo algunos de los themes básicos.

¿Recuerdas el gráfico que generamos antes del facet? Podemos usarlo nuevamente. No hace falta reescribirlo completo: los gráficos también son objetos en R, por lo que se pueden guardar en una variable.

```
grafico = ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida,  
                           color = region)) +  
  geom_point() +  
  scale_x_log10() +  
  labs(title = "Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida",  
        x = "PIB per cápita (escala logarítmica)",  
        y = "Esperanza de Vida",  
        color = "Región")
```

Para mostrarlo, solo hay que llamarlo:

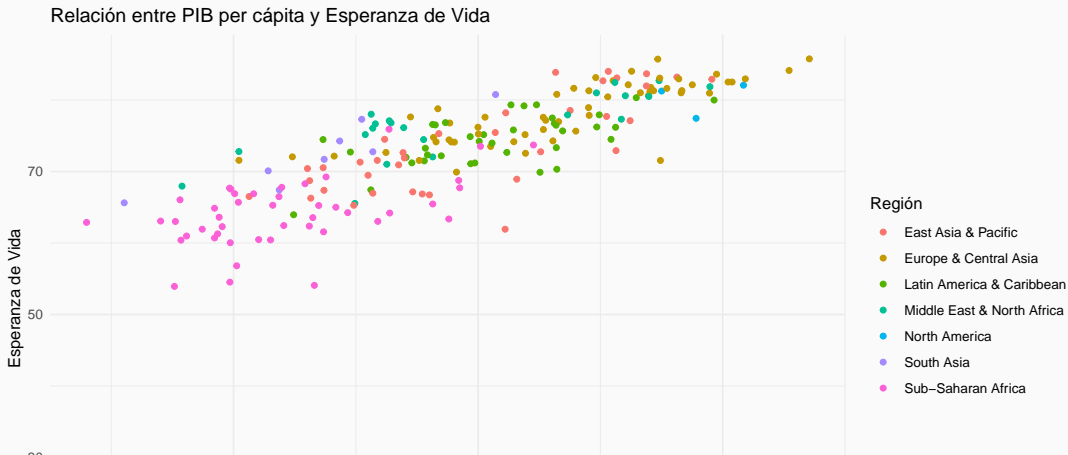
```
grafico
```



1.1 Y ahora, simplemente podemos sumarle una capa theme:

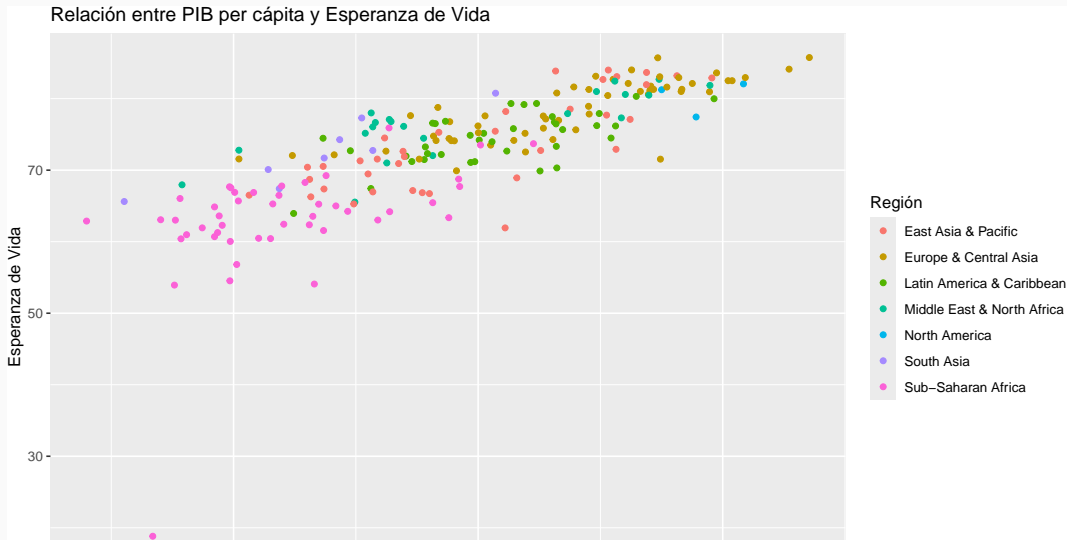
`theme_minimal()` crea un gráfico con fondo blanco y cuadrícula ligera:

```
grafico + theme_minimal()
```



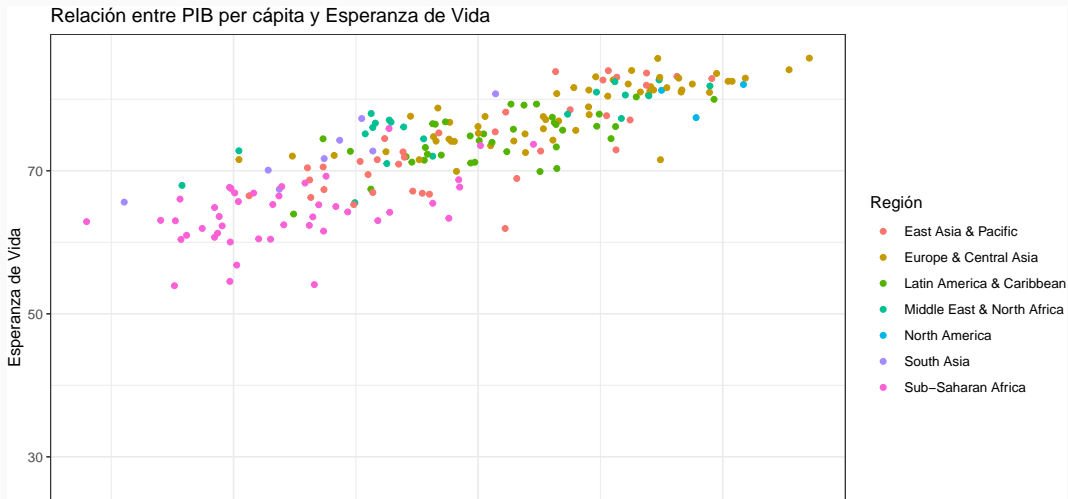
theme_gray() es el tema por defecto de ggplot2: fondo gris claro y cuadrícula blanca.

```
grafico + theme_gray()
```



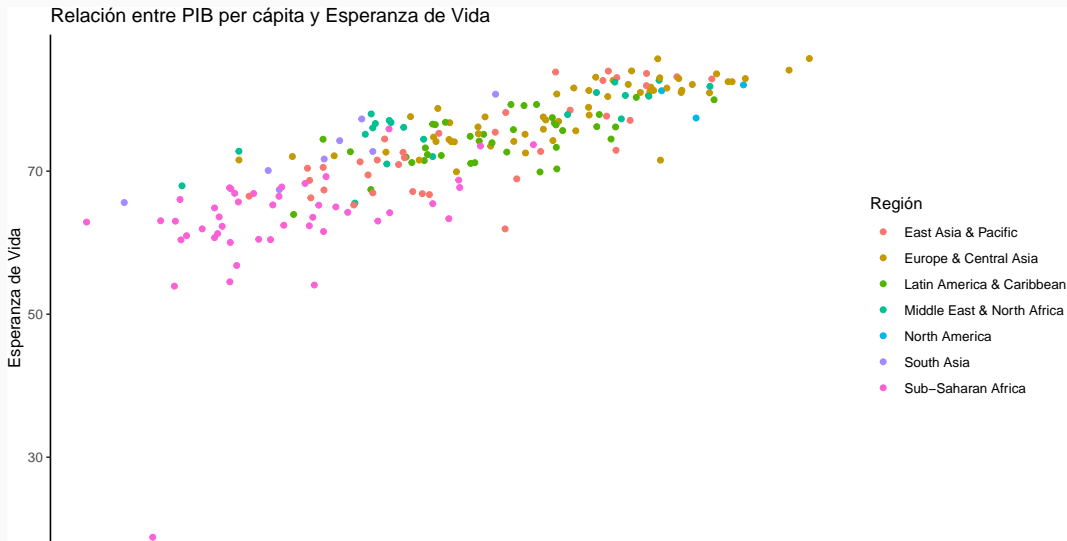
`theme_bw()` tiene fondo blanco y líneas más marcadas. Es útil si se imprimirá el gráfico en blanco y negro.

```
grafico + theme_bw()
```



theme_classic() imita el estilo clásico de los gráficos base de R.

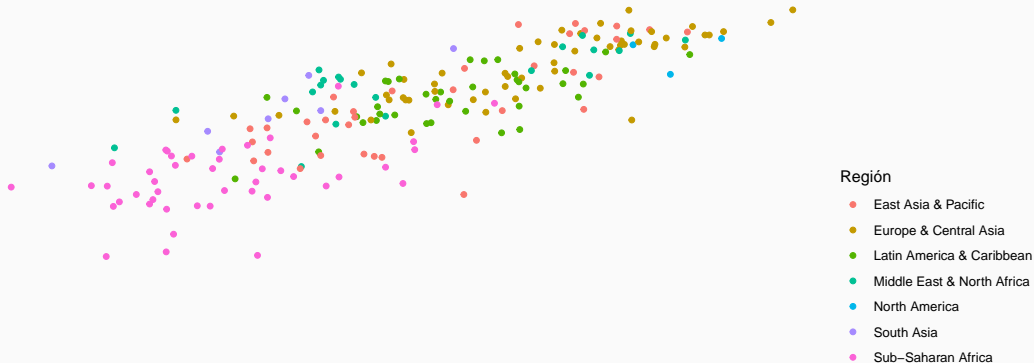
```
grafico + theme_classic()
```



`theme_void()` elimina todos los elementos del gráfico, dejando solo los datos.

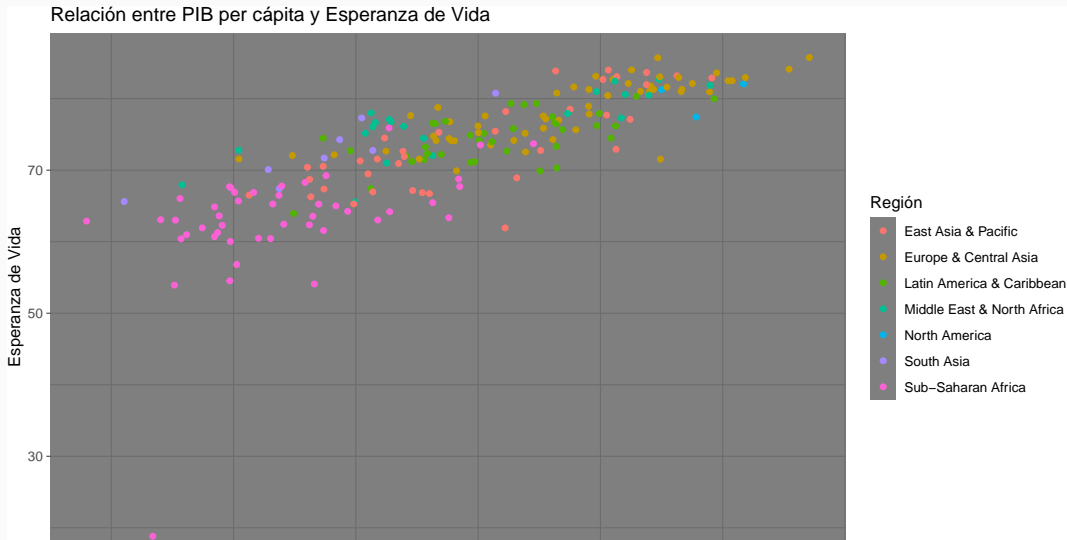
```
grafico + theme_void()
```

Relación entre PIB per cápita y Esperanza de Vida



`theme_dark()` aplica un fondo oscuro con líneas claras.

```
grafico + theme_dark()
```



Todos estos temas pueden ser personalizados si necesitas ajustes más detallados. En esta sesión usaremos `theme_minimal()` por preferencia, pero puedes elegir el que mejor se adapte a tu estilo o propósito.

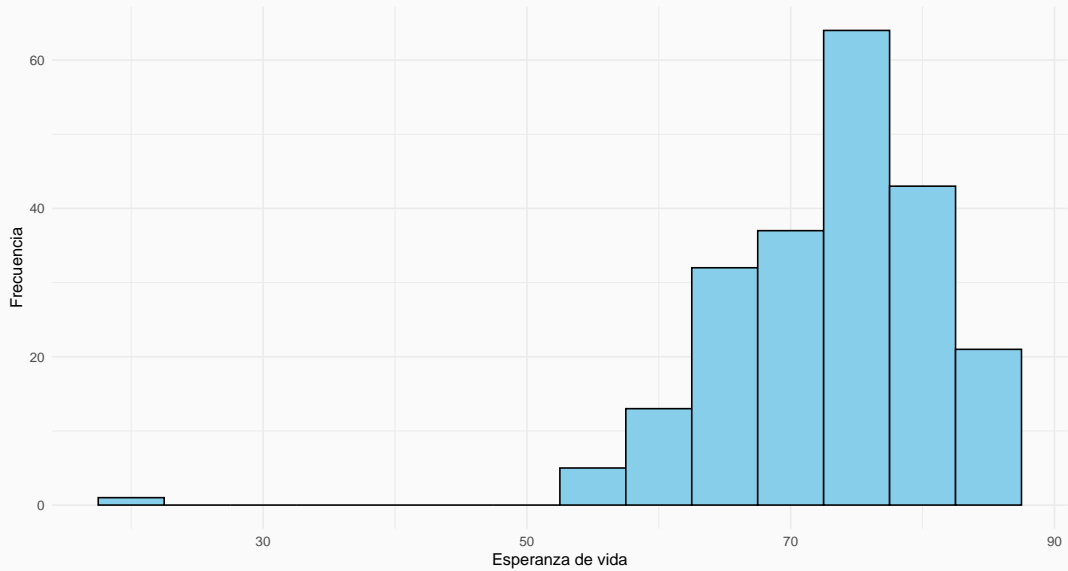
2. Gráficos para variables continuas

2.1 Histograma

El histograma permite observar la distribución de una variable numérica. Por ejemplo, ¿cómo están distribuidos los valores de esperanza de vida?

```
ggplot(df_22, aes(x = esp_vida)) +  
  geom_histogram(binwidth = 5, fill = "skyblue", color = "black") +  
  labs(title = "Distribución de la esperanza de vida",  
        x = "Esperanza de vida",  
        y = "Frecuencia") +  
  theme_minimal()
```

Distribución de la esperanza de vida



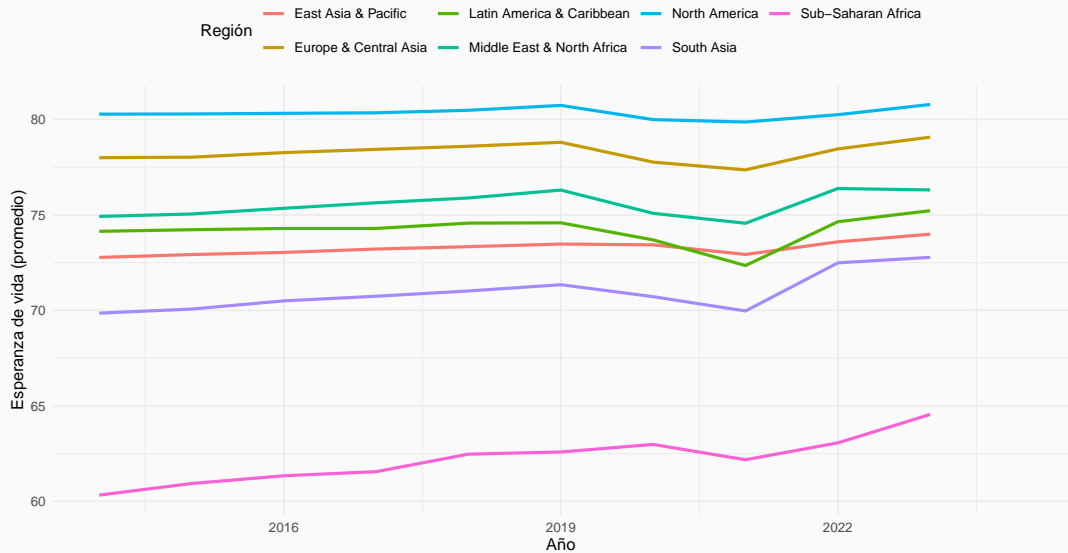
2.2 Gráfico de líneas

Un gráfico de líneas es útil para ver cómo cambia una variable a lo largo del tiempo. Si tuvieras datos de varios años, podrías agrupar por año.

Podemos combinar `dplyr` con `ggplot2` utilizando el operador pipe (`%>%`) para encadenar directamente una transformación de datos con una visualización. Esto nos permite filtrar, agrupar o resumir datos con `dplyr`, y luego pasar el resultado directamente a `ggplot()` para graficarlo, sin necesidad de guardar objetos intermedios.

```
df %>%  
  filter(region != "Aggregates") %>%  
  group_by(year, region) %>%  
  reframe(esp_vida_media = mean(esp_vida, na.rm = TRUE)) %>%  
  ggplot(aes(x = year, y = esp_vida_media, color = region)) +  
  geom_line(size = 1) +  
  labs(title = "Evolución de la esperanza de vida por región",  
        x = "Año",  
        y = "Esperanza de vida (promedio)",  
        color = "Región") +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "top")
```


Evolución de la esperanza de vida por región

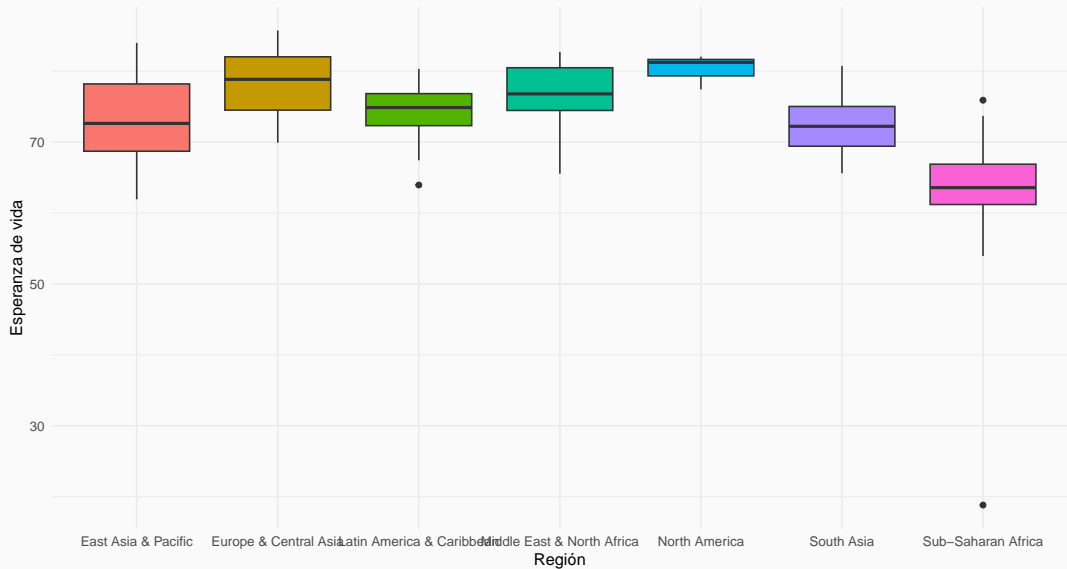


2.3 Boxplot

Un boxplot muestra cómo se distribuye una variable numérica en distintas categorías. Por ejemplo, la distribución de la esperanza de vida según región:

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_boxplot() +  
  labs(title = "Distribución de la esperanza de vida por región",  
        x = "Región",  
        y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "none")
```

Distribución de la esperanza de vida por región



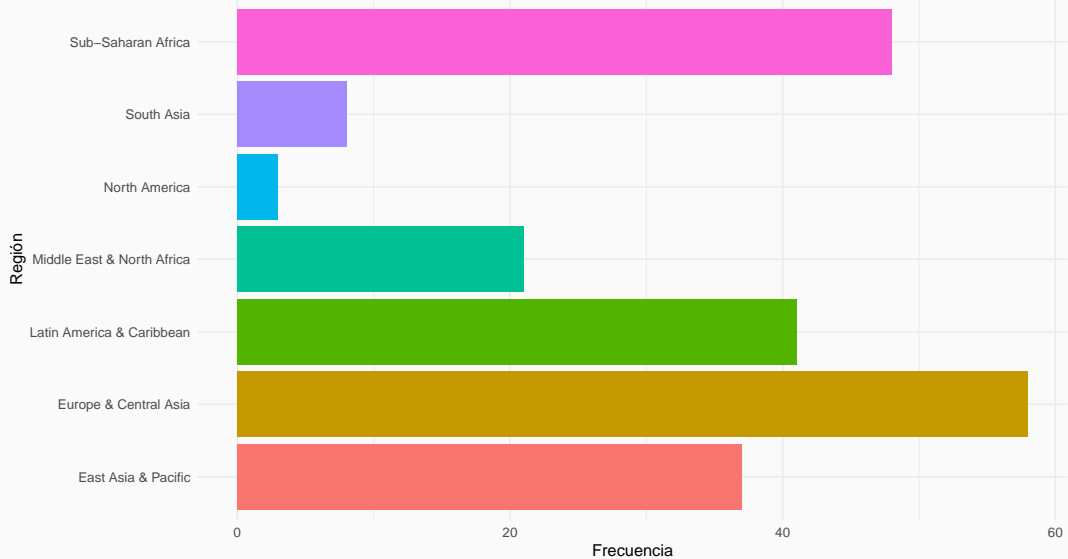
3. Gráficos para variables categóricas

3.1 Gráfico de barras

Permite ver la frecuencia de cada categoría en barras

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = region, fill = region)) +  
  geom_bar() +  
  labs(  
    title = "Frecuencia de observaciones por región",  
    x = "Región",  
    y = "Frecuencia"  
  ) +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "none") +  
  coord_flip()
```

Frecuencia de observaciones por región

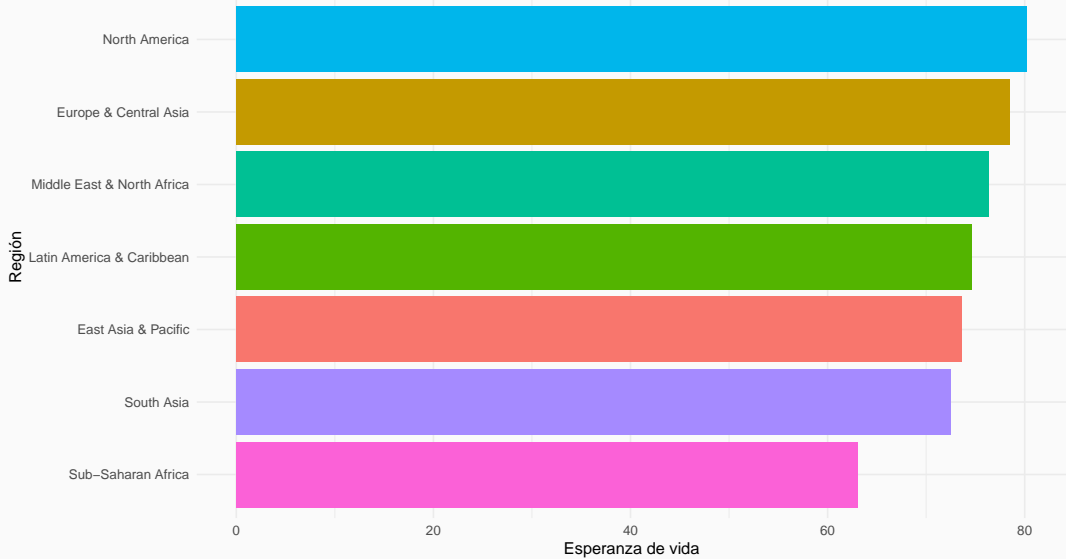


3.2 Gráfico de barras con valores agregados

Si ya tienes una tabla resumida con frecuencias, o quieres mostrar un valor calculado como la esperanza de vida promedio por región, usamos `geom_col()`. También podemos usar `reorder()` para ordenar las barras de menor a mayor vida promedio.

```
df_22 %>%  
  group_by(region) %>%  
  reframe(vida_media = mean(esp_vida, na.rm = TRUE)) %>%  
  ggplot(aes(x = reorder(region, vida_media),  
             y = vida_media, fill = region)) +  
  geom_col() +  
  labs(title = "Esperanza de vida promedio en 2022",  
       x = "Región",  
       y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "none") +  
  coord_flip()
```


Esperanza de vida promedio en 2022

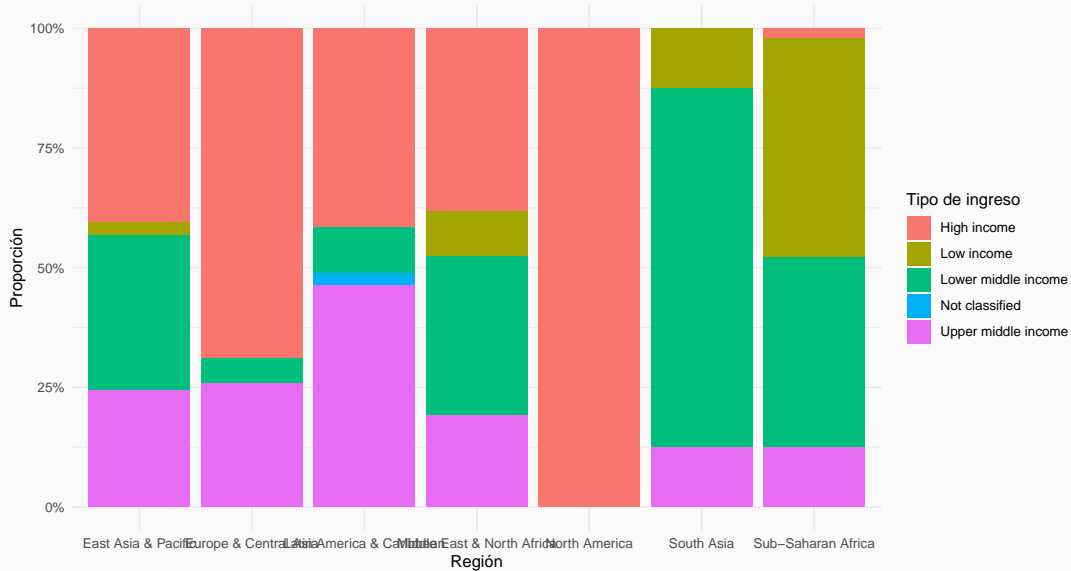


3.3 Gráfico de proporciones

También podemos visualizar proporciones relativas entre categorías. Por ejemplo, la proporción de países por tipo de ingreso en cada región. `position = "fill"` transforma las barras en proporciones relativas

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = region, fill = income)) +  
  geom_bar(position = "fill") +  
  labs(title = "Distribución proporcional de ingresos por región",  
        x = "Región",  
        y = "Proporción",  
        fill = "Tipo de ingreso") +  
  theme_minimal() +  
  scale_y_continuous(labels = scales::percent)
```

Distribución proporcional de ingresos por región



`df_22$income` no tiene un orden factorizado, `ggplot2` lo tratará como categorías sin orden, lo cual puede resultar en un orden de los niveles arbitrario. Podemos ordenar explícitamente los niveles de `income` usando `forcats::fct_relevel()`. En este caso, estamos trabajando con categorías como:

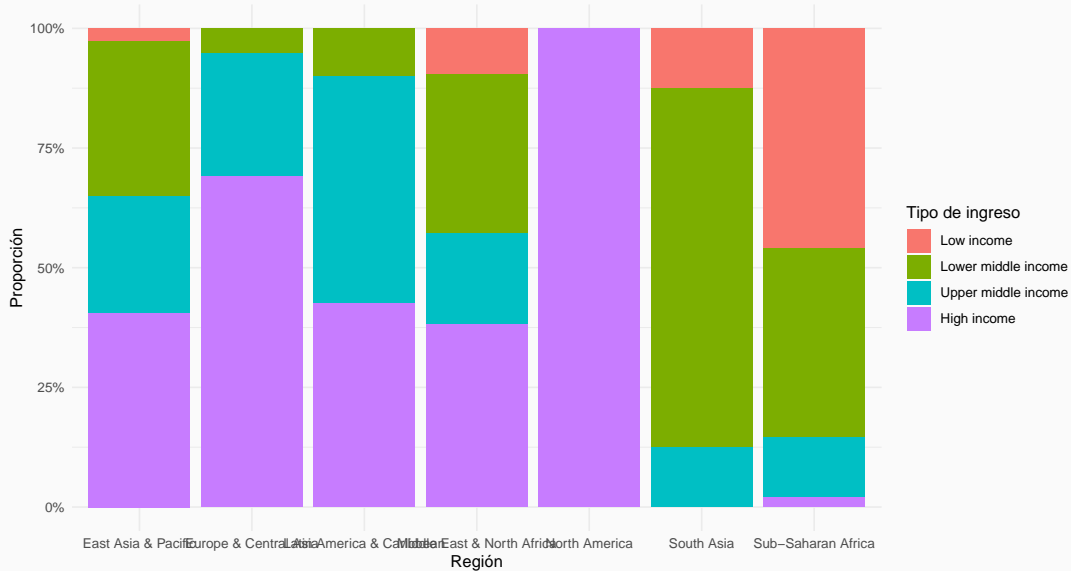
- Low income
- Lower middle income
- Upper middle income
- High income

Factorizamos y establecemos orden entre los niveles:

```
df_22 <- df_22 %>%  
  filter(income != "Not classified") %>%  
  mutate(income = forcats::fct_relevel(income,  
                                         "Low income",  
                                         "Lower middle income",  
                                         "Upper middle income",  
                                         "High income"))
```

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = region, fill = income)) +  
  geom_bar(position = "fill") +  
  labs(title = "Distribución proporcional de ingresos por región",  
        x = "Región",  
        y = "Proporción",  
        fill = "Tipo de ingreso") +  
  theme_minimal() +  
  scale_y_continuous(labels = scales::percent)
```

Distribución proporcional de ingresos por región



4. Gráficos bivariados

4. Gráficos bivariados

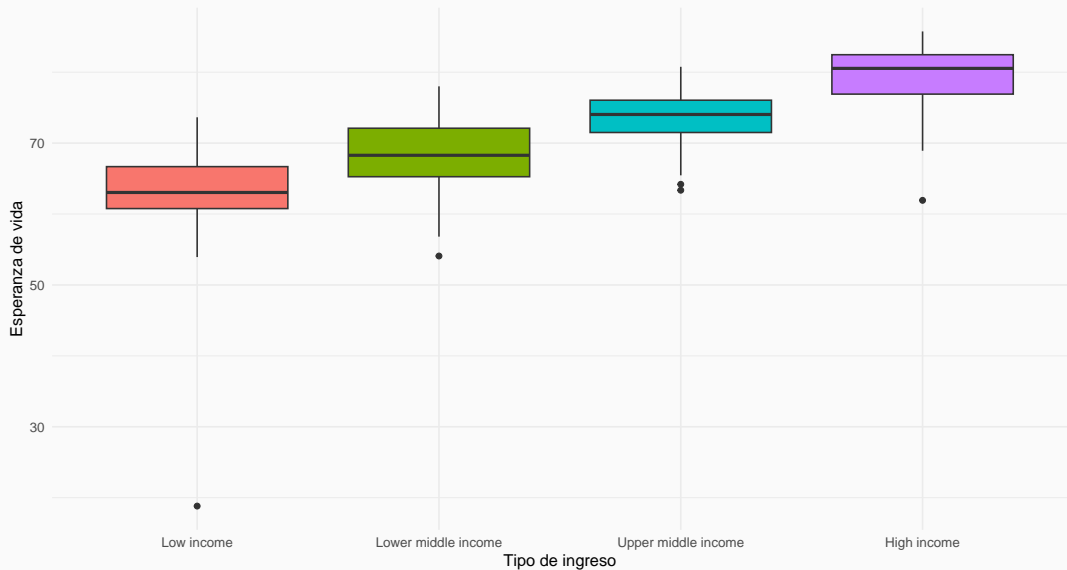
Numérica vs categórica Supongamos que queremos entender cómo varía la esperanza de vida (`esp_vida`) según el tipo de ingreso (`income`). Como `income` es una variable categórica y `esp_vida` es numérica, hay varias formas visuales de explorar esta relación.

4.1 Boxplot: comparando distribuciones

El boxplot resume la distribución de la variable numérica dentro de cada categoría. Podemos ver la mediana, los cuartiles y posibles valores atípicos.

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = income, y = esp_vida, fill = income)) +  
  geom_boxplot() +  
  labs(title = "Distribución de la esperanza de vida por tipo de ingreso",  
        x = "Tipo de ingreso",  
        y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "none")
```

Distribución de la esperanza de vida por tipo de ingreso

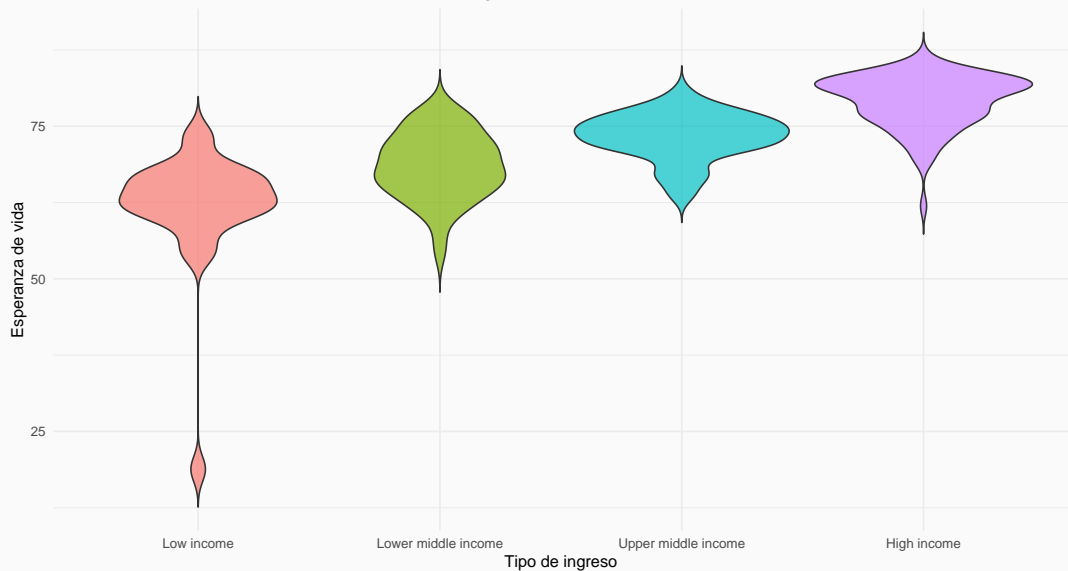


4.2 Violin plot: forma de la distribución

El violin plot es parecido al boxplot, pero también muestra la densidad de los datos, es decir, qué tan concentrados están los valores.

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = income, y = esp_vida, fill = income)) +  
  geom_violin(trim = FALSE, alpha = 0.7) +  
  labs(title = "Distribución de la esperanza de vida por tipo de ingreso",  
        x = "Tipo de ingreso",  
        y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal() +  
  theme(legend.position = "none")
```

Distribución de la esperanza de vida por tipo de ingreso

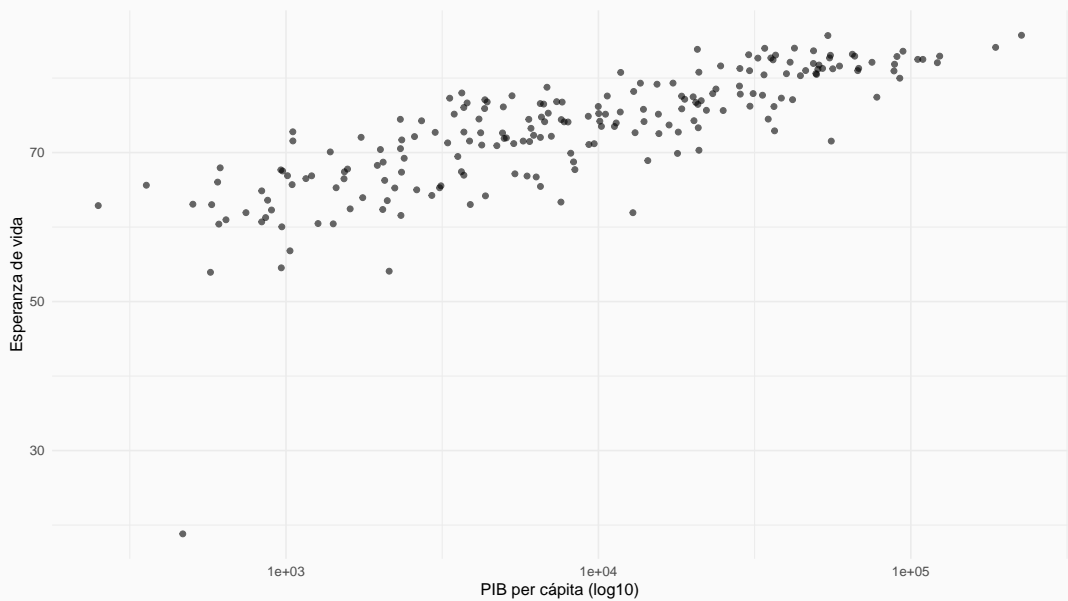


Numérica vs numérica

4.3 Gráfico de dispersión (scatter plot)

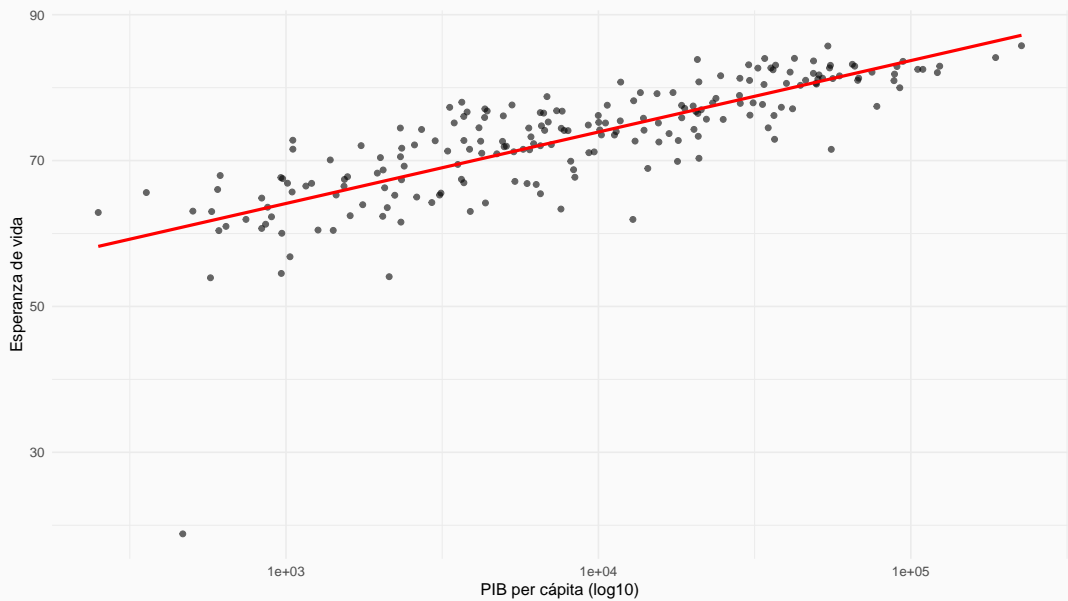
Ideal para ver relaciones, correlaciones o agrupamientos.

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida)) +  
  geom_point(alpha = 0.6) +  
  scale_x_log10() +  
  labs(x = "PIB per cápita (log10)", y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal()
```



También puedes agregar una línea de tendencia con `geom_smooth()` si te interesa mostrar una relación.

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida)) +  
  geom_point(alpha = 0.6) +  
  scale_x_log10() +  
  geom_smooth(method = "lm", se = FALSE, color = "red") +  
  labs(x = "PIB per cápita (log10)", y = "Esperanza de vida") +  
  theme_minimal()
```

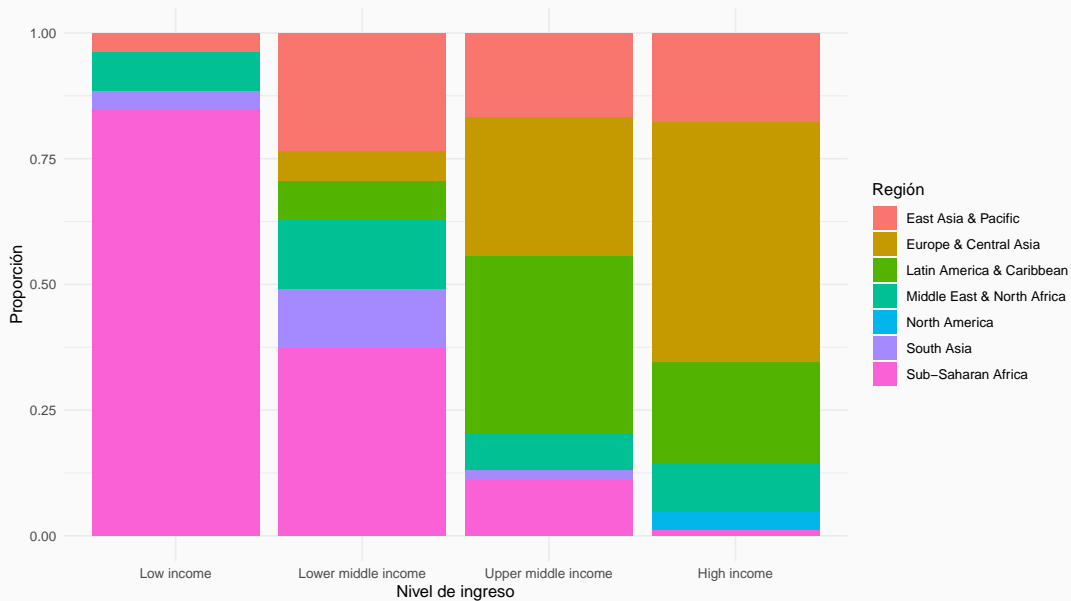


Categórica vs. categórica

4.4 Gráfico de barras apilado o de posición

Cuando ambas variables son categóricas.

```
ggplot(df_22, aes(x = income, fill = region)) +  
  geom_bar(position = "fill") +  
  labs(x = "Nivel de ingreso", y = "Proporción", fill = "Región") +  
  theme_minimal()
```



5. Complementos

5. Complementos

A partir del conjunto `df_22`, podemos explorar distintas herramientas que amplían las capacidades de `ggplot2`, tanto en términos de estética como de funcionalidad.

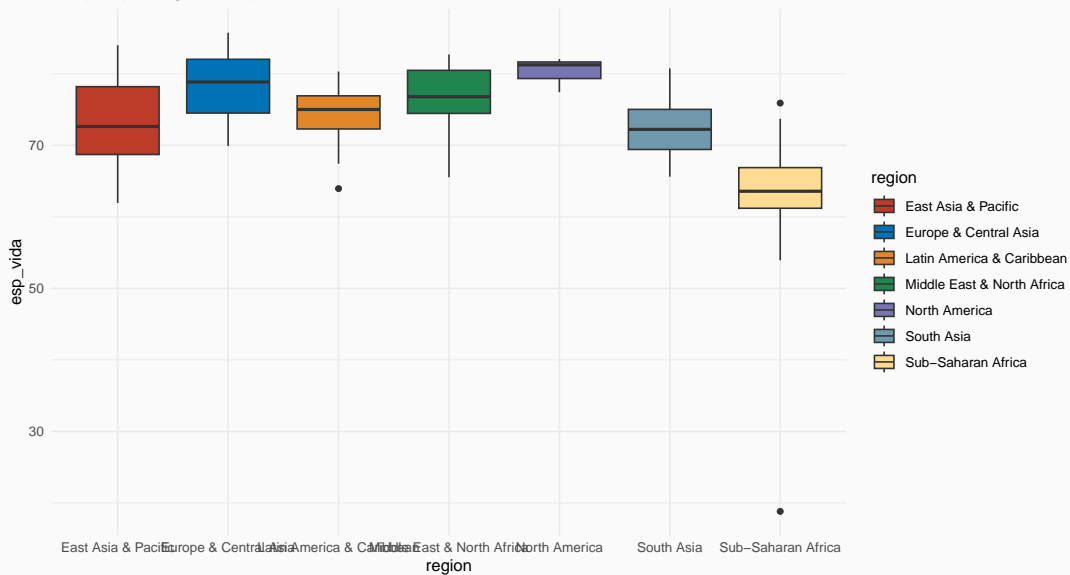
5.1 1. ggsci: paletas inspiradas en publicaciones científicas

Este paquete ofrece paletas inspiradas en revistas como *Nature*, *NEJM*, *Lancet* y *JAMA*.

```
library(ggsci)
```

```
ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_boxplot() +  
  scale_fill_nejm() +  
  theme_minimal() +  
  labs(title = "Boxplot por región con paleta NEJM")
```

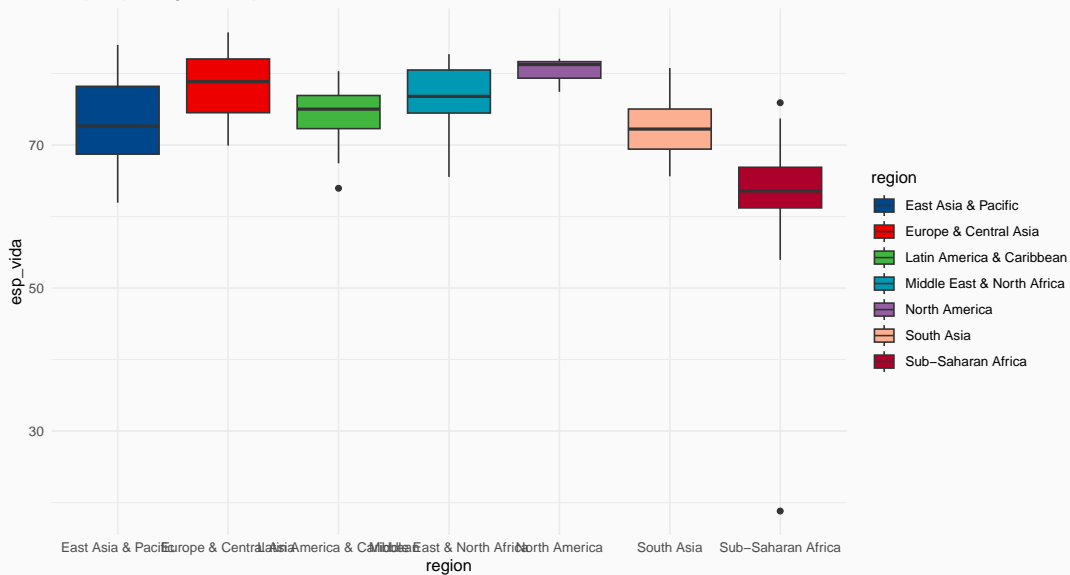
Boxplot por región con paleta NEJM



También puedes probar con `scale_fill_lancet()`, `scale_fill_jama()`, etc.

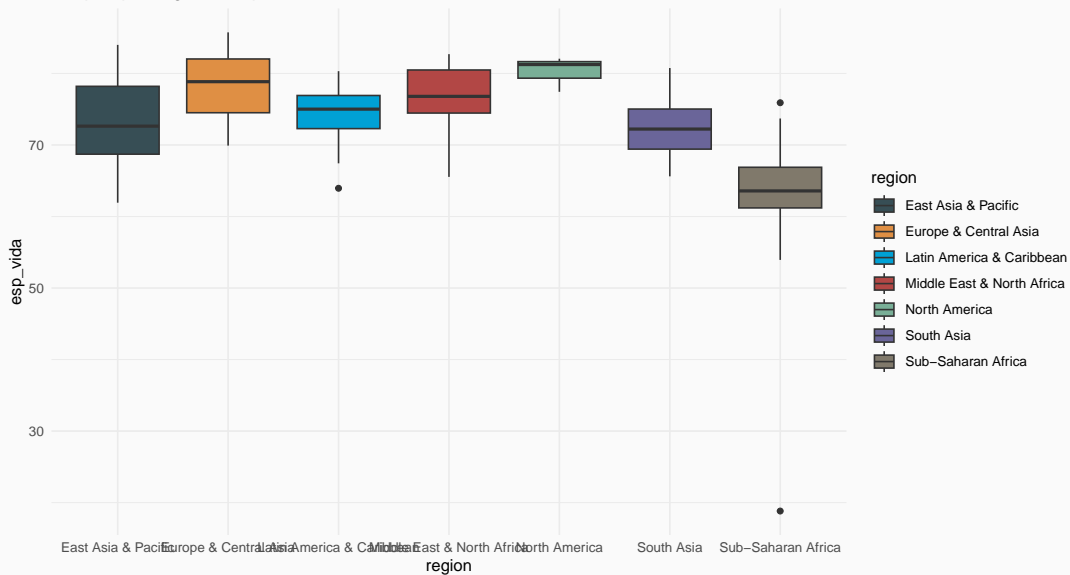
```
ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_boxplot() +  
  scale_fill_lancet() +  
  theme_minimal() +  
  labs(title = "Boxplot por región con paleta Lancet")
```

Boxplot por región con paleta Lancet



```
ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_boxplot() +  
  scale_fill_jama() +  
  theme_minimal() +  
  labs(title = "Boxplot por región con paleta Jama")
```

Boxplot por región con paleta Jama



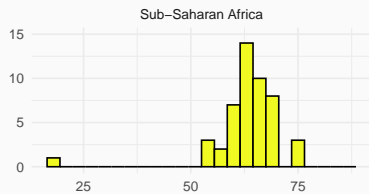
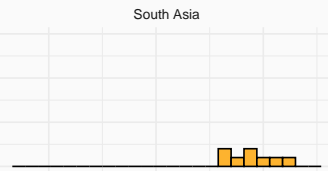
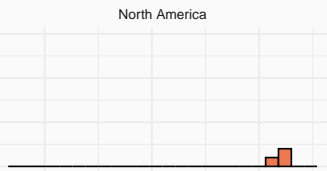
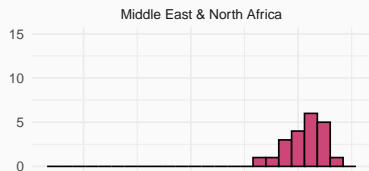
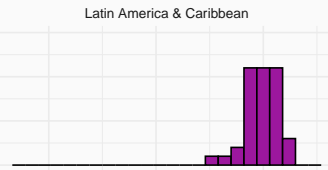
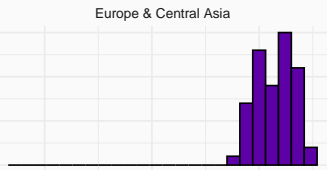
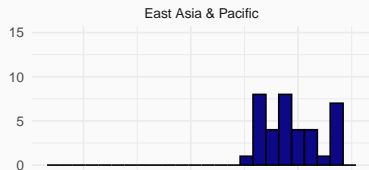
5.2 2. viridis: paletas perceptualmente uniformes

Ideal para asegurar buena visibilidad incluso en escalas de grises o para personas con daltonismo.

```
library(viridis)
```

```
ggplot(df_22, aes(x = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_histogram(binwidth = 3, color = "black") +  
  scale_fill_viridis_d(option = "C") +  
  facet_wrap(~ region) +  
  theme_minimal() +  
  labs(title = "Histograma por región con viridis",  
        x = '', y = '') +  
  theme(legend.position = 'none')
```


Histograma por región con viridis



5.3 3. patchwork: combinar múltiples gráficos

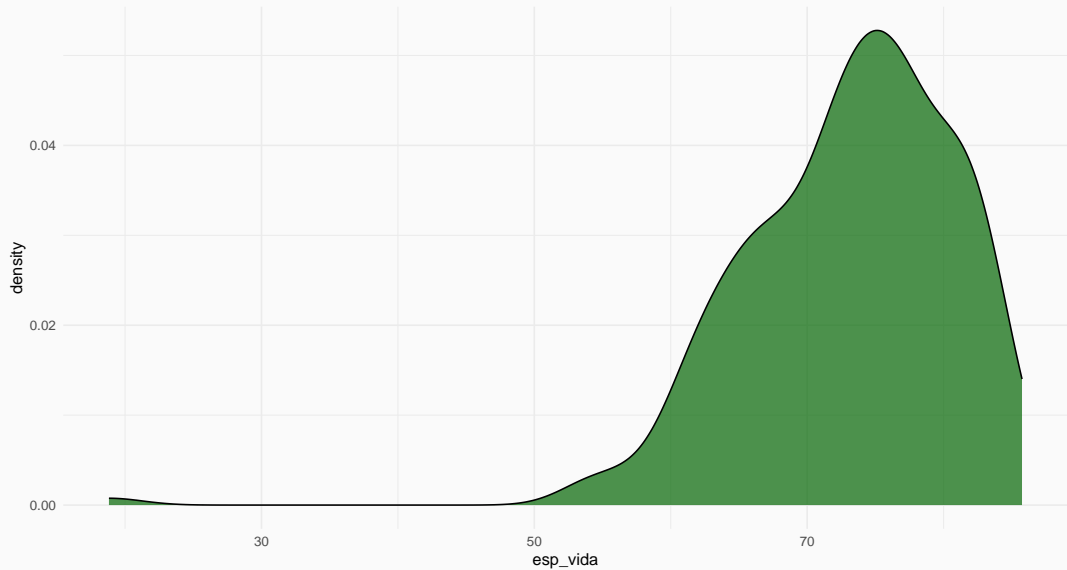
Permite apilar gráficos horizontal o verticalmente de forma muy intuitiva.

```
library(patchwork)
```

Primer gráfico: distribución general

```
p1 = ggplot(df_22, aes(x = esp_vida)) +  
  geom_density(fill = "darkgreen", alpha = 0.7) +  
  labs(title = "Distribución de la esperanza de vida") +  
  theme_minimal()
```

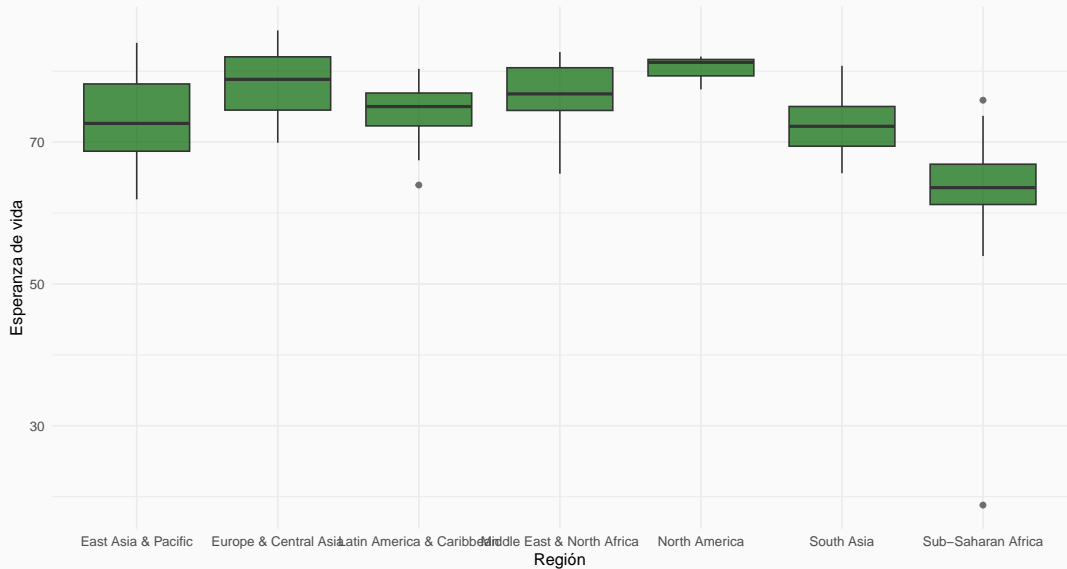
Distribución de la esperanza de vida



Segundo gráfico: boxplot por región

```
p2 = ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida)) +  
  geom_boxplot(fill = "darkgreen", alpha = 0.7) +  
  labs(title = "Esperanza de vida por región", x = "Región", y = "Esperanza") +  
  theme_minimal()
```

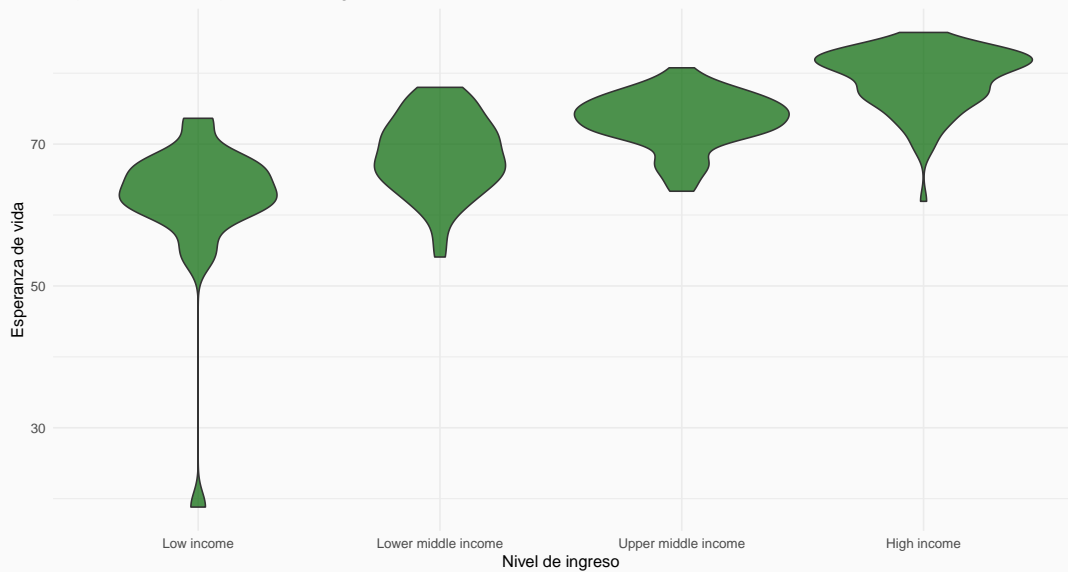
Esperanza de vida por región



Tercer gráfico: violín por nivel de ingreso

```
p3 = df_22 %>%  
  filter(income != "Not classified") %>%  
  ggplot(aes(x = income, y = esp_vida)) +  
  geom_violin(fill = "darkgreen", alpha = 0.7) +  
  labs(title = "Esperanza de vida por nivel de ingreso", x = "Nivel de ingreso") +  
  theme_minimal()
```

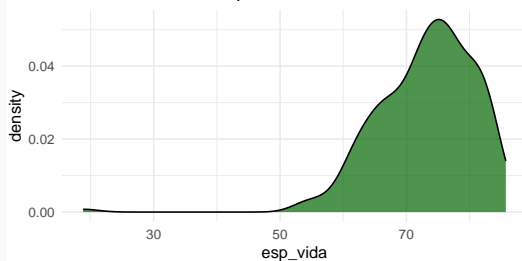
Esperanza de vida por nivel de ingreso



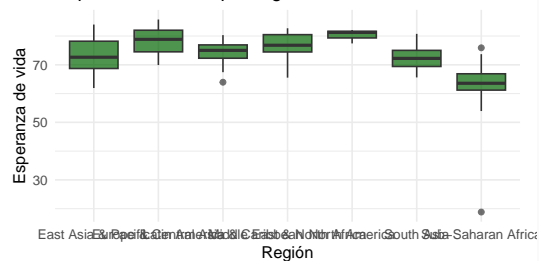
Combinamos todos

$(p1 \mid p2) / p3$

Distribución de la esperanza de vida



Esperanza de vida por región



Esperanza de vida por nivel de ingreso



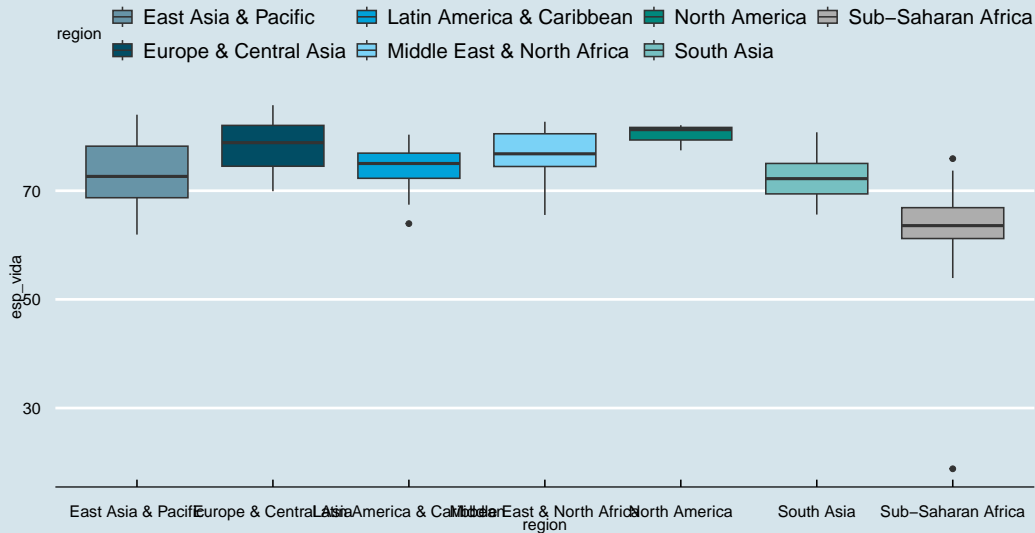
5.4 4. ggthemes: estilos inspirados en medios

Proporciona temas como los de *The Economist* o *Wall Street Journal*.

```
library(ggthemes)
```

```
ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +  
  geom_boxplot() +  
  theme_economist() +  
  scale_fill_economist() +  
  labs(title = "Estilo The Economist")
```

Estilo The Economist



5.5 5. ggtext: etiquetas enriquecidas con HTML/Markdown

Permite títulos y etiquetas con formato enriquecido.

```
library(ggtext)  
library(glue)
```

```
unique(df_22$region)
```

```
[1] "South Asia" "Europe & Central Asia"  
[3] "Middle East & North Africa" "East Asia & Pacific"  
[5] "Sub-Saharan Africa" "Latin America & Caribbean"  
[7] "North America"
```

Entonces...

Definimos un vector colores que coincida exactamente con esos nombres:

```
colores = c(  
  "Sub-Saharan Africa" = "#E63946",  
  "Middle East & North Africa" = "#F28482",  
  "South Asia" = "#2A9D8F",  
  "East Asia & Pacific" = "#8AC926",  
  "Europe & Central Asia" = "#F4A261",  
  "Latin America & Caribbean" = "#457B9D",  
  "North America" = "#A17DB2"  
)
```


Usamos glue() con HTML y los nombres reales de las regiones:

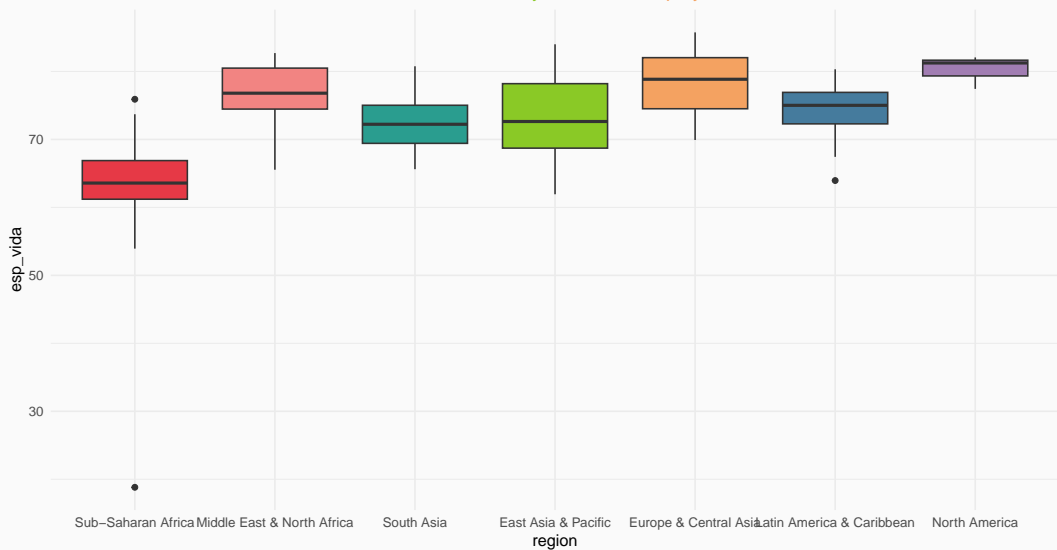
```
titulo = glue(  
    "Esperanza de vida por región:<br>",  
    "<span style='color:{colores['Sub-Saharan Africa']}'>África Subsahariana",  
    "<span style='color:{colores['Middle East & North Africa']}'>MENA</span>",  
    "<span style='color:{colores['South Asia']}'>Asia del Sur</span>, ",  
    "<span style='color:{colores['East Asia & Pacific']}'>Asia Oriental y Pa",  
    "<span style='color:{colores['Europe & Central Asia']}'>Europa y Asia Cen",  
    "<span style='color:{colores['Latin America & Caribbean']}'>América Lat",  
    "<span style='color:{colores['North America']}'>Norteamérica</span>"  
)
```

```
# Reordenamos la variable region según el vector de colores
df_22 = df_22 %>%
  mutate(region = factor(region, levels = names(colores)))

# Luego graficamos
ggplot(df_22, aes(x = region, y = esp_vida, fill = region)) +
  geom_boxplot() +
  scale_fill_manual(values = colores) +
  theme_minimal() +
  theme(
    plot.title = element_markdown(),
    legend.position = "none"
  ) +
  ggtitle(titulo)
```

Esperanza de vida por región:

África Subsahariana, MENA, Asia del Sur, Asia Oriental y Pacífico, Europa y Asia Central, América Latina, Norteamérica



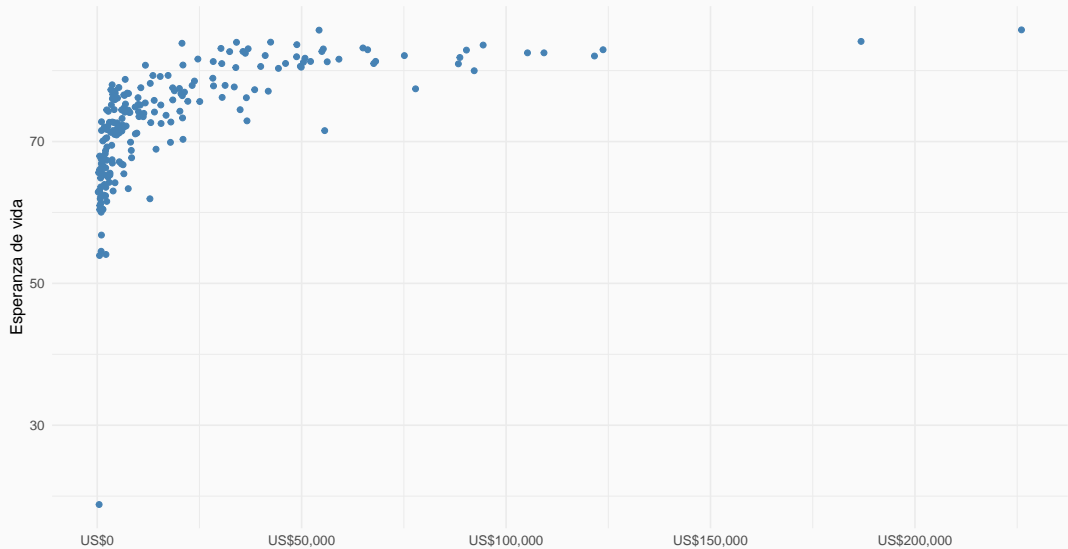
5.6 6. scales: etiquetas numéricas personalizadas

Para mostrar cifras en formato legible (por ejemplo, moneda o porcentaje).

```
library(scales)
```

```
ggplot(df_22, aes(x = pib_capita, y = esp_vida)) +  
  geom_point(color = "steelblue") +  
  scale_x_continuous(labels = dollar_format(prefix = "US$")) +  
  theme_minimal() +  
  labs(title = "Relación entre PIB per cápita y esperanza de vida",  
        x = "", y = "Esperanza de vida")
```

Relación entre PIB per cápita y esperanza de vida



5.7 7. gghighlight: destacar subconjuntos de datos

Sirve para resaltar observaciones relevantes en un gráfico.

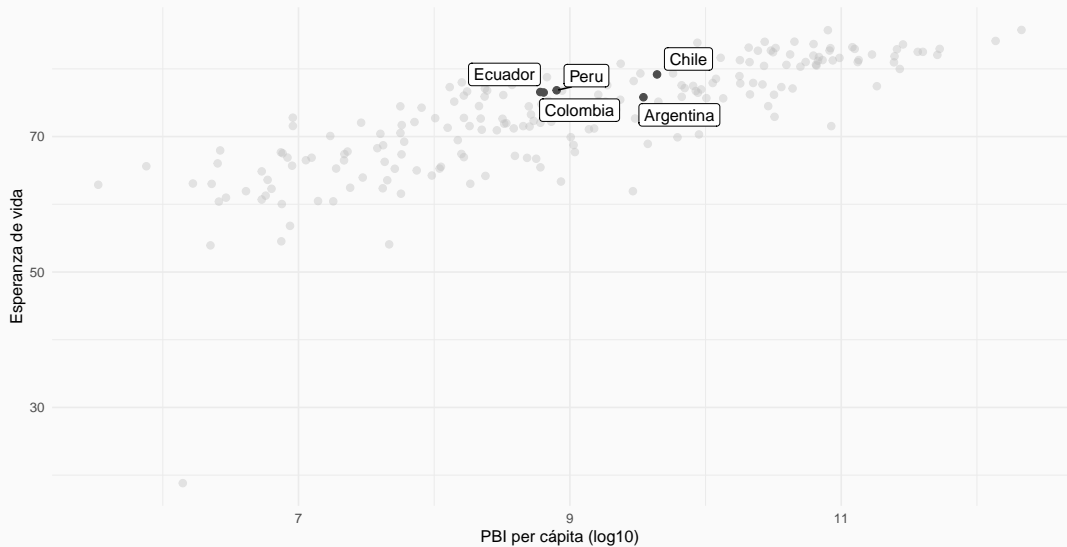
```
library(gghighlight)
```

```
países_vecinos = c("Peru", "Brasil", "Colombia",  
                   "Ecuador", "Chile", "Argentina")
```

```
df_22 %>%  
  ggplot(aes(x = log(pib_capita), y = esp_vida, label = country)) +  
  geom_point(color = "gray30", size = 2) +  
  gghighlight(country %in% paises_vecinos,  
              label_key = country,  
              unhighlighted_params = list(alpha = 0.4)) +  
  theme_minimal() +  
  labs(  
    title = "Países sudamericanos seleccionados resaltados",  
    subtitle = "Relación entre PBI per cápita (log) y esperanza de vida",  
    x = "PBI per cápita (log10)",  
    y = "Esperanza de vida"  
  )
```


Países sudamericanos seleccionados resaltados

Relación entre PBI per cápita (log) y esperanza de vida



6. Exportación

6. Exportación

Una vez que hemos creado un gráfico con ggplot2, muchas veces queremos guardarlo como imagen para usarlo en presentaciones, informes o publicaciones. Para ello, usamos la función `ggsave()`.

```
ggsave("nombre_del_archivo.png", plot = objeto_del_gráfico,  
       width = 8, height = 6, dpi = 300)
```