《多元统计分析》第七次上机作业 因子分析

3180103000 许乐乐

• 实验目的与要求:

通过本试验项目, 使学生理解并掌握如下内容:

- 1. 熟悉潜在因子模型载荷矩阵的不同估计方法;
- 2. 熟悉潜在因子个数的确定方法, 因子得分的计算;
- 3. 能够利用因子模型(或正交旋转)对所考虑问题做出合理的解释;

习题一

我国2010你那各地区城镇居民家庭平均每人全年消费数据如ex6.7所示,这些数据指标分别从食品(x1), 衣着(x2), 居住(x3), 医疗(x4), 交通通信(x5), 教育(x6), 家政(x7)和耐用消费品(x8)来描述消费。试对该数据进行因子分析。

• 用 factanal() 进行因子分析。

factanal(x, factors, scores=("none", "regression", "Bartlett"), rotation="
varimax")

- o x 为数值矩阵或数据表单
- o factors 为因子个数
- o scores 为因子得分的计算方法,包括 "regression", "Barlett"
- o rotation 为因子旋转方法,缺省为 "varimax",如果 rotation="none" 则不做因子旋转

注: 该函数是基于极大似然方法来求解的。

```
d<-read_csv("ex6.7.csv")
factanal(d[,2:9],3,scores="Bartlett",rotation="varimax")</pre>
```

```
call:
factanal(x = d[, 2:9], factors = 3, scores = "Bartlett", rotation = "varimax")
Uniquenesses: # 是特殊方差
       x2
          x3 x4 x5
                          х6
                               x7
0.108 0.426 0.005 0.200 0.041 0.253 0.108 0.292
Loadings: # 是因子载荷矩阵
  Factor1 Factor2 Factor3
x1 0.923 0.153 0.127
x2 0.233 0.721
x3 0.538 0.337 0.769
        0.835 0.308
x4
x5 0.916 0.246 0.246
x6 0.657 0.467 0.312
x7 0.849 0.272 0.312
x8 0.477 0.619 0.312
             Factor1 Factor2 Factor3
SS loadings
             3.422 2.089 1.056 # 公共因子对变量的总方差贡献
```

```
Proportion Var 0.428 0.261 0.132 # 方差贡献率
Cumulative Var 0.428 0.689 0.821 # 累积方差贡献率

Test of the hypothesis that 3 factors are sufficient.
The chi square statistic is 9.15 on 7 degrees of freedom.
The p-value is 0.242
```

取公共因子个数m=3,3个公共因子的累计贡献率在0.8以上(0.821),即说明前三个公共因子反映原始变量的信息已占总信息的80%以上。

- 方差最大正交旋转后的第一公共因子中,正载荷主要是食品(x1),交通通信(x5),家政(x7),载荷值均在0.8以上,这些都属于日常支出,不妨称之为日常消费因子。
- 第二公共因子中,各变量的因子载荷的最大值为医疗(x4),其载荷为0.835; 衣着(x2),耐用消费品(x8)处在次要地位,这两者都属于季度支出,可以称为季度消费支出。
- 第三公共因子中,各变量的因子载荷的最大值为居住(x3),其载荷为0.769,住房属于一次性大额支出,所以可以称为大额消费支出。

因此,影响消费的主要因素是食品(x1),居住(x3),医疗(x4)交通通信(x5),家政(x7)。

习题二

采用"体检数据"。这是一组4000多个样本的体检资料,分别有常规体检的一系列指标,

Sbp	Dbp	Sphygmus	Weight	Height	TC	TG	ALT	AST	T-BIL	IB	ALP	TP	Alb	GLB
收 缩 压	舒张压	脉搏	体重	身高	总胆固 醇 (TC)	甘油三 酯 (TG)	谷丙转 氨酶 (ALT)	谷草转 氨酶 (AST)	总胆红 素 (T- BIL)	间接胆 红素 (IB)	碱性磷酸 酶 (ALP)	总蛋白 (TP)	白蛋白 (Alb)	球蛋白 (GLB)

其中, 体检数据, 请考虑下面的问题:

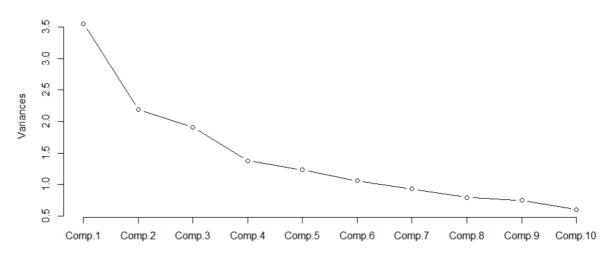
一、 利用主成分方法对变量进行降维, 然后进行相应的主成分方法聚类分析;

```
d<-read_csv("hw8_2.csv")
d.a<-na.omit(d)
# 主成分分析
d.a<-d.na[,3:18]
# 计算主成分
PCA<-princomp(d.a, cor=T)
# 主成分的方差和累计占比,给出特征向量
summary(PCA,loadings=TRUE)
# 画碎石图
screeplot(PCA, type="lines")
# 主成分得分
PCAS<-PCA$scores
```

```
Importance of components:
                                  Comp.2 Comp.3
                                                      Comp.4
                        Comp.1
Standard deviation
                     1.8852608 1.4820144 1.3810009 1.17354888
Proportion of Variance 0.2369472 0.1464244 0.1271442 0.09181447
Cumulative Proportion 0.2369472 0.3833717 0.5105159 0.60233036
                          Comp.5 Comp.6
                                            Comp.7
Standard deviation
                     1.11047946 1.0288761 0.96309333 0.89071769
Proportion of Variance 0.08221098 0.0705724 0.06183658 0.05289187
Cumulative Proportion 0.68454133 0.7551137 0.81695032 0.86984219
                          Comp.9
                                 Comp.10 Comp.11
Standard deviation
                    0.86399831 0.77506394 0.51872944 0.46045152
```

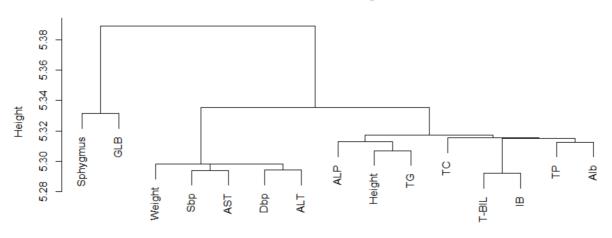
```
Proportion of Variance 0.04976621 0.04004827 0.01793868 0.01413437
Cumulative Proportion 0.91960839 0.95965667 0.97759535 0.99172972
                                    Comp.14 Comp.15
                          Comp.13
Standard deviation
                      0.320359305 0.14636954
Proportion of Variance 0.006842006 0.00142827
                                                  0
Cumulative Proportion 0.998571730 1.00000000
                                                  1
Loadings:
        Comp.1 Comp.2 Comp.3 Comp.4 Comp.5 Comp.6 Comp.7 Comp.8
                       0.109 0.428 0.345
Sbp
         0.335
                                                  0.189
         0.361
                       0.120 0.420 0.279
Dbp
                                                         0.112
Sphygmus
               0.365 0.189 0.201 0.110 -0.313
Weight
                                                         0.235
Height
         0.268 0.259
                             0.128 -0.479 -0.276
                                                         0.152
TC
         0.206 - 0.159
                                           0.539 -0.470 -0.259
         0.259 -0.197
                                   -0.272 0.345 -0.259 -0.106
TG
         0.358
                       0.195 -0.500 0.154 -0.157
ALT
AST
         0.330
                       0.171 -0.537 0.229
         0.176  0.394  -0.490  -0.114  0.124  0.189
T-BIL
ΙB
         0.184   0.383   -0.489   -0.105   0.112   0.224
         0.225
                                           0.102 0.617 -0.626
ALP
TP
         0.192 -0.465 -0.408
                                   -0.157 -0.136 0.101 0.107
                      -0.351
Αlb
         0.214
                                   -0.202 -0.473 -0.158 -0.434
               -0.508 -0.251
                                           0.179 0.242 0.453
GLB
        Comp.9 Comp.10 Comp.11 Comp.12 Comp.13 Comp.14 Comp.15
                               0.687
Sbp
         0.190 0.115 -0.198 -0.700
Dbp
Sphygmus -0.625 -0.116
Weight
        -0.185 -0.136 0.721
                                      -0.202
Height
        -0.247 -0.240 -0.608
                               0.129
         0.197 - 0.547
TC
TG
        -0.260 0.732
                                       0.711
ALT
                       -0.204
                                      -0.660
AST
         0.112
T-BIL
                                               0.708
                                              -0.704
ΙB
ALP
        -0.344 -0.146
                                                       0.709
TP
Αlb
                                                      -0.418
         0.373 0.107
GLB
        -0.161 -0.148
                                                      -0.568
```





```
# 基于主成分进行聚类分析
loadingM<-PCA$loadings
d<-dist(scale(loadingM))
hc1<-hclust(d,method="single")
plot(hc1)
```

Cluster Dendrogram



d hclust (*, "single")

二、 构建因子分析模型,进行因子旋转,分析每个因子的意义及这些潜在的因子与年龄的关系。

```
d.scale<-scale(d.a)
factanal(d.scale,3,scores="Bartlett", rotation="varimax")</pre>
```

```
call:
factanal(x = d.scale, factors = 3, scores = "Bartlett", rotation = "varimax")
Uniquenesses:
    Sbp
                            Weight
                                     Height
             Dbp Sphygmus
                                                 TC
  0.994
           0.994 0.934
                           0.986
                                   0.916
                                              0.931
     TG
            ALT
                     AST
                             T-BIL
                                        ΙB
                                                ALP
   0.909
           0.910
                    0.953
                            0.027 0.016
                                              0.937
     TP
            Αlb
                     GLB
  0.005
           0.005
                    0.005
Loadings:
        Factor1 Factor2 Factor3
Sbp
                         0.104
Dbp
                         0.143
Sphygmus 0.153
Weight
                 0.112
                         0.155
                 0.122
Height
                         0.281
TC
         0.161
         0.244
TG
                         0.122
ALT
         0.120
AST
T-BIL
                 0.947
                         0.272
                 0.957
                         0.261
ΙB
         0.129
ALP
```

```
TP 0.982
               0.183
Αlb
       0.443
                     0.894
        0.900
GLB
                    -0.429
            Factor1 Factor2 Factor3
SS loadings
             2.137 1.871 1.314
Proportion Var 0.142 0.125 0.088
Cumulative Var 0.142 0.267 0.355
Test of the hypothesis that 3 factors are sufficient.
The chi square statistic is 124644.8 on 63 degrees of freedom.
The p-value is 0
```

4以上的因子会报错。

```
Error in factanal(d.scale, 4, scores = "Bartlett", rotation = "varimax"): 无法用这些初始值进行最佳化运算
```