Задание 1 (6 баллов)

В данном задании мы будем работать со <u>списком 250 лучших фильмов IMDb</u>

- 1. Выведите топ-4 *фильма* **по количеству оценок пользователей** и **количество этих оценок** (1 балл)
- 2. Выведите топ-4 лучших *года* (по среднему рейтингу фильмов в этом году) и средний рейтинг (1 балл)
- 3. Постройте отсортированный **barplot**, где показано **количество фильмов** из списка **для каждого режисёра** (только для режиссёров с более чем 2 фильмами в списке) (1 балл)
- 4. Выведите топ-4 самых популярных *режиссёра* (**по общему числу людей оценивших их фильмы**) (2 балла)
- 5. Сохраните данные по всем 250 фильмам в виде таблицы с колонками (name, rank, year, rating, n_reviews, director) в любом формате (2 балла)

Использовать можно что-угодно, но полученные данные должны быть +- актуальными на момент сдачи задания

```
# Ваше решение здесь

import pandas as pd
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns

import re

import requests
from bs4 import BeautifulSoup

# send a request and read an html content
response = requests.get("https://www.imdb.com/chart/top/?ref_=nv_mp_mv250")
soup = BeautifulSoup(response.content, "lxml")

df = pd.read_html(response.content, header=0)[0]
df
```

U	nnamed: 0	Rank & Title	IMDb Rating	Your Rating	Unnamed: 4
0	NaN	1. The Shawshank Redemption (1994)	9.2	12345678910 NOT YET RELEASED Seen	NaN
1	NaN	2. The Godfather (1972)	9.2	12345678910 NOT YET RELEASED Seen	NaN
2	NaN	3. The Dark Knight (2008)	9.0	12345678910 NOT YET RELEASED Seen	NaN
3	NaN	4. The Godfather Part II (1974)	9.0	12345678910 NOT YET RELEASED Seen	NaN
4	NaN	5. 12 Angry Men (1957)	9.0	12345678910 NOT YET RELEASED Seen	NaN
<pre># let' rename the rating column df = df.rename(columns={'IMDb Rating': 'rating'})</pre>					
# let's filter columns by breaking one into rank, name, and year					
<pre>df_filtered = df.iloc[:, [1,2]]</pre>					
<pre>df_filtered['rank'] = df_filtered['Rank & Title'].apply(lambda x: int(x.split('. ')[0])) name_year = df_filtered['Rank & Title'].apply(lambda x: re.split(r' (?=\(\d{4})', ' '.join df_filtered['name'] = [film[0].strip() for film in name_year] df_filtered['year'] = [int(film[1][-5:-1]) for film in name_year]</pre>					
<pre>df_filtered = df_filtered.iloc[:, 1:] df_filtered</pre>					

<strong title="9.2 based on 2,718,436 user ratings">9.2

Выведите топ-4 фильма по количеству оценок пользователей и количество этих оценок (1 бал df_filtered.sort_values('n_reviews', ascending=False).iloc[:4].loc[:, ['name', 'n_reviews']

	name	n_reviews
0	The Shawshank Redemption	2718436
2	The Dark Knight	2691165
13	Inception	2388339
11	Fight Club	2161947

Выведите топ-4 лучших года (по среднему рейтингу фильмов в этом году) и средний рейтинг df_filtered.groupby('year').mean().sort_values('rating', ascending=False).loc[:, ['rating'

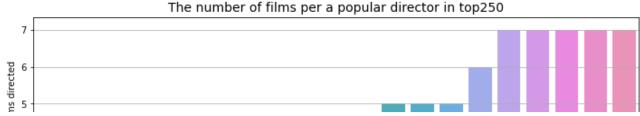
rating

year	
1972	9.20
1994	8.76
1991	8.55
1974	8.55

create a column with directors
import itertools

html_of_dicks = soup.find_all(attrs={"class": "titleColumn"})

```
print(html_of_dicks[0])
pattern = r'title="(.*?)"'
dicks = map(lambda x: re.search(pattern, str(x)).group(1), html_of_dicks)
dicks = list(map(lambda x: x.split(', ')[0][:-7], dicks))
df filtered['director'] = dicks
df_filtered.head()
     1.
            <a href="/title/tt0111161/" title="Frank Darabont (dir.), Tim Robbins,</pre>
     <span class="secondaryInfo">(1994)</span>
     rating rank
                                          name year n_reviews
                                                                          director
      0
             9.2
                     1 The Shawshank Redemption
                                                                      Frank Darabont
                                                1994
                                                         2718436
      1
             9.2
                     2
                                  The Godfather
                                                1972
                                                         1888882 Francis Ford Coppola
      2
             9.0
                     3
                                 The Dark Knight
                                                2008
                                                         2691165
                                                                    Christopher Nolan
      3
             9.0
                     4
                             The Godfather Part II
                                                         1288923 Francis Ford Coppola
                                                1974
             90
                     5
      4
                                   12 Angry Men 1957
                                                          803385
                                                                        Sidney Lumet
# Постройте отсортированный barplot, где показано количество фильмов из списка
# для каждого режисёра (только для режиссёров с более чем 2 фильмами в списке) (1 балл)
from collections import Counter
name_counts = Counter(dicks)
filtered_dict = {k: v for k, v in name_counts.items() if v > 2}
sorted_dict = dict(sorted(filtered_dict.items(), key=lambda x:x[1]))
print(sorted_dict)
     {'Francis Ford Coppola': 3, 'Peter Jackson': 3, 'David Fincher': 3, 'Frank Capr
plt.figure(figsize=(12,4))
sns.barplot(x=list(sorted_dict.keys()), y=list(sorted_dict.values()))
plt.title('The number of films per a popular director in top250', fontsize=14)
plt.xticks(rotation=90); plt.ylabel('number of films directed')
plt.yticks(range(min(sorted_dict.values()), 1 + max(sorted_dict.values())))
plt.ylim(bottom=min(sorted_dict.values())-1)
plt.grid(axis='y', which='both')
```



- Задание 2 (10 баллов)

Hапишите декоратор telegram_logger, который будет логировать запуски декорируемых функций и отправлять сообщения в телеграм.

Вся информация про API телеграм ботов есть в официальной документации, начать изучение можно с этой страницы (разделы "How Do Bots Work?" и "How Do I Create a Bot?"), далее идите в API reference

Основной функционал:

- 1. Декоратор должен принимать **один обязательный аргумент** ваш **CHAT_ID** в телеграме. Как узнать свой **CHAT_ID** можно найти в интернете
- 2. В сообщении об успешно завершённой функции должны быть указаны её **имя** и **время выполнения**
- 3. В сообщении о функции, завершившейся с исключением, должно быть указано **имя** функции, тип и текст ошибки
- 4. Ключевые элементы сообщения должны быть выделены **как код** (см. скриншот), форматирование остальных элементов по вашему желанию
- 5. Время выполнения менее 1 дня отображается как HH: MM: SS. µµµµµµ, время выполнения более 1 дня как DDD days, HH: MM: SS. Писать форматирование самим не нужно, всё уже где-то сделано за вас

Дополнительный функционал:

- 1. К сообщению также должен быть прикреплён **файл**, содержащий всё, что декорируемая функция записывала в stdout и stderr во время выполнения. Имя файла это имя декорируемой функции с расширением .log (**+3 дополнительных балла**)
- 2. Реализовать предыдущий пункт, не создавая файлов на диске (**+2 дополнительных балла**)
- 3. Если функция ничего не печатает в stdout и stderr отправлять файл не нужно

Важные примечания:

1. Ни в коем случае не храните свой API токен в коде и не загружайте его ни в каком виде свой в репозиторий. Сохраните его в **переменной окружения** TG_API_TOKEN, тогда его можно будет получить из кода при помощи os.getenv("TG_API_TOKEN"). Ручное создание переменных окружения может быть не очень удобным, поэтому можете воспользоваться функцией load_dotenv из модуля dotenv. В доке всё написано, но если коротко, то нужно создать файл .env в текущей папке и записать туда TG_API_TOKEN=<your_token>, тогда вызов load_dotenv() создаст переменные окружения из всех переменных в файле. Это довольно часто используемый способ хранения ключей и прочих приватных данных

- 2. Функцию long_lasting_function из примера по понятным причинам запускать не нужно. Достаточно просто убедится, что большие временные интервалы правильно форматируются при отправке сообщения (как в примерах)
- 3. Допустима реализация логирования, когда логгер полностью перехватывает запись в stdout и stderr (то есть при выполнении функций печать происходит **только** в файл)
- 4. В реальной жизни вам не нужно использовать Telegram API при помощи ручных запросов, вместо этого стоит всегда использовать специальные библиотеки Python, реализующие Telegram API, они более высокоуровневые и удобные. В данном задании мы просто учимся работать с API при помощи написания велосипеда.
- 5. Обязательно прочтите часть конспекта лекции про API перед выполнением задания, так как мы довольно поверхностно затронули это на лекции

Рекомендуемые к использованию модули:

- 1. os
- 2. sys
- 3. io
- 4. datetime
- 5. requests
- 6. dotenv

Запрещённые модули:

- 1. Любые библиотеки, реализующие Telegram API в Python (*python-telegram-bot, Telethon, pyrogram, aiogram, telebot* и так далле...)
- 2. Библиотеки, занимающиеся "перехватыванием" данных из stdout и stderr (pytest-capturelog, contextlib, logging и так далле...)

Результат запуска кода ниже должен быть примерно такой:

```
image.png
```

image.png

image.png

```
from datetime import timedelta
import io
import os
import requests
import sys
import time
```

def telegram_logger(chat_id):

```
def decorator(func):
    def inner_function(*args, **kwargs):
     # steal stdout and stderr into variables
     original_out = sys.stdout
     original_err = sys.stderr
     # create an object to write stdout and stderr into
      output = io.StringIO()
      sys.stdout = output
      sys.stderr = output
      trv:
        start = time.time()
        result = func(*args, **kwargs)
        delta_time = timedelta(seconds=time.time() - start)
        message = f" Function `{func.__name__}` successfully finished in `{delta_time}`"
     except Exception as e:
        message = f" Function `{func.__name__} ` failed with an exception:\n"
        message += f"\n`{type(e).__name__}: {str(e)}`"
      finally:
        # return stdout and stderr back to normal functioning
        sys.stdout = original_out
        sys.stderr = original_err
        # if there's a file to send -- send it
        if len(output.getvalue()):
         url = f'https://api.telegram.org/bot{TOKEN}/sendDocument'
         data = {'chat_id': chat_id, 'parse_mode': 'MarkdownV2', 'caption': message}
          # Convert StringIO object to string and Encode the string as bytes
          output_bytes = output.getvalue().encode('utf-8')
         my_file_like_object = io.BytesIO(output_bytes) # Create BytesIO object from byt
         my_file_like_object.name = f'{func.__name__}.log'
          files = {'document': my_file_like_object}
          response = requests.post(url, data=data, files=files)
        # otherwise, send just a message
        else:
         url = f'https://api.telegram.org/bot{TOKEN}/sendMessage'
         data = {'chat id': chat id, 'parse mode': 'MarkdownV2', 'text': message}
          response = requests.post(url, data=data)
    return inner_function
  return decorator
CHAT ID = "" #<- INSERT URS
TOKEN = "" #<- INSERT URS
@telegram_logger(CHAT_ID)
def good_function():
   print("This goes to stdout")
   print("And this goes to stderr", file=sys.stderr)
    time.sleep(2)
    print("Wake up, Neo")
```

```
@telegram_logger(CHAT_ID)
def bad_function():
    print("Some text to stdout")
    time.sleep(2)
    print("Some text to stderr", file=sys.stderr)
    raise RuntimeError("Ooops, exception here!")
    print("This text follows exception and should not appear in logs")
@telegram_logger(CHAT_ID)
def long_lasting_function():
    time.sleep(2)

good_function()
bad_function()
long_lasting_function()
```

A sequence for debugging the third task

seq = '''>NC_000017.11:c7687490-7668421 Homo sapiens chromosome 17, GRCh38.p14 Primary Ass CTCAAAAGTCTAGAGCCACCGTCCAGGGAGCAGGTAGCTGCTGGGCTCCGGGGACACTTTGCGTTCGGGC TCCTCTCTGAGTCACGGGCTCTCGGCTCCGTGTATTTTCAGCTCGGGAAAATCGCTGGGGGCTGGGGGTGG GGCAGTGGGGACTTAGCGAGTTTGGGGGTGAGTGGGATGGAAGCTTGGCTAGAGGGATCATCATAGGAGT TGCATTGTTGGGAGACCTGGGTGTAGATGATGGGGATGTTAGGACCATCCGAACTCAAAGTTGAACGCCT AGGCAGAGGAGTGGAGCTTTGGGGAACCTTGAGCCGGCCTAAAGCGTACTTCTTTGCACATCCACCCGGT GCTGGGCGTAGGGAATCCCTGAAATAAAAGATGCACAAAGCATTGAGGTCTGAGACTTTTGGATCTCGAA ACATTGAGAACTCATAGCTGTATATTTTAGAGCCCATGGCATCCTAGTGAAAACTGGGGCTCCATTCCGA AATGATCATTTGGGGGTGATCCGGGGAGCCCAAGCTGCTAAGGTCCCACAACTTCCGGACCTTTGTCCTT CCTGGAGCGATCTTTCCAGGCAGCCCCCGGCTCCGCTAGATGGAGAAAATCCAATTGAAGGCTGTCAGTC GTGGAAGTGAAACTGCTAAACCAGGGGTTTGCCCGCCAGGCCGAGGAGGACCGTCGCAATCTGAGAGGC CCGGCAGCCCTGTTATTGTTTGGCTCCACATTTACATTTCTGCCTCTTGCAGCAGCATTTCCGGTTTCTT TTCCTCTTACTTGGCAGAGGGAGGCTGCTATTCTCCGCCTGCATTTCTTTTTCTGGATTACTTAGTTATG TGGGTACGTCTGAGAATCAAATTTTGAAAGAGTGCAATGATGGGTCGTTTGATAATTTTGTCGGAAAAACA ATCTACCTGTTATCTAGCTTTGGGCTAGGCCATTCCAGTTCCAGACGCAGGCTGAACGTCGTGAAGCGGA AGGGGCGGCCCGCAGGCGTCCGTGTGGTCCTCCGTGCAGCCCTCCGGCCCGAGCCGGTTCTTCCTGGTA GGAGGCGGAACTCGAATTCATTTCTCCCGCTGCCCCATCTCTTAGCTCGCGGTTGTTTCATTCCGCAGTT TCTTCCCATGCACCTGCCGCGTACCGGCCACTTTGTGCCGTACTTACGTCATCTTTTTCCTAAATCGAGG TGGCATTTACACACAGCGCCAGTGCACAGCAAGTGCACAGGAAGATGAGTTTTGGCCCCTAACCGCTC CGTGATGCCTACCAAGTCACAGACCCTTTTCATCGTCCCAGAAACGTTTCATCACGTCTCTTCCCAGTCG ATTCCCGACCCCACCTTTATTTTGATCTCCATAACCATTTTGCCTGTTGGAGAACTTCATATAGAATGGA AGTTCCAGACCAGCGTGGCCAACGTGGTGAATCCCCGTCTCTACTAAAAAATACAAAAATTAGCTGGGCG TGGTGGGTGCCTGTAATCCCAGCTATTCGGGAGGGTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGGAGGCAGA GGTTGCAGTGAGCCAAGATCGTGCCACTACACTCCAGCCTGGGCGACAAGAACGAAACTCCGTCTCAAAA AAAAGGGGGGAATCATACATTATGTGCTCATTTTTGTCGGGCTTCTGTCCTTCAATGTACTGTCTGACAT TCGTTCATGTTGTATATATCAGTATTTTGCTCCTTTTCATTTAGTATAGTCCATCGATTGTATATCCGTC CTTTTGATGGCCTTTTGAGTTGTTTCCCATTTGCGGTTATGAAATAAAGCTGCTATAAACATTCTTGTAC AATTCTTTTTGTGATCATATGTTTTCGTGTTTTCTTGGAGAAATACTTAGGAGGGGAATTGCGAGTTTGGA AGTAAAAAGTAGCTGTATTTTGAACTTTTTCAGAAGCTCTGAGTTTTCCAGAGCGGTTGTACCATTTTAC ACTCCAACTAGCAAGGTATGGGAGTTATTATGGTTGTCCACAGCCTTCCGGACATTAGGTATTGTCAGT CTTTCTAATGTGGTATATCCTTGTGGTTGTAATTTACAGTTCTCTATTGACTAAGGATGTTCAGCATTTT

TTCATGTGCCTATTGGCCATTCGTATTTTGTTTGTAAAGTAGCTCTTCGAGTCTTTTACCTGTTATTTTG GTTTTTTGTTTGTTTATTGTTCAGTTGTGGGACTGCTTTATACATTCTGGATACAAGTCCTTTATCAG ATCTTAAGAGGAGTGGATTTATCTTTTTTATGTTCAGTATTTGCCTTGTCCTGTTTTAGGACATCTTTTTT TTTTTTTTAACCCCAGGGTCATGAAGATATTATCTTACATTTTCTTTTAGGACCTTTATGGTTGTAAGT CAGTCTCTGGTATCTTTCCTGTATGGAAATCCAGTTATTCTGTCTCCACTTGTTGAAATAGGCTTCCTTT CTCTACTGAATGCTTTTAATTTTAATTTTTACAGTTGGAGTATAGGGCTACCATTTTAGTGCTATTTT CTTTTTTTCTTTGTTAATTTTTGAGACAGGGACTCACACTGTTGCCCAGGCTAGAGTACAATGGCACAAT ACTCCACCACCCAGCTAACTATTTTATTTTTTTGTATTGACAGGATCTCACTATGTTGCCCAGGCTGG TCTCAAACTGCTGGCCTCAAGCTTTCATCCCATCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGC CACCATGCCTGACCTCTTAGTGCTATTTTCTATTTATCTCCTCTGTTCTCTGCTCTTTTAAACGTTGGA GGAAGAAACAGTACCCATCTTACACAAACTCTTCAGAAAACAGAGGAACAGACTGGGCGCGGTGGCTCAT ACCTGTAATCTCAGCACTTTGGTACGCTGAGGCAGGGGATCATTTGAGGTCGGGAGTTCGAGACCAGCCT GGCCAACACGGCGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAGTAGCTAGGCGTGGTGACACATACCTGT AATGCCAGTTACTCAGGAGGCTGAGGCACAAGAATCCCTTGAACCTGGGAAGCGGAGGTTGCAGTGAGCC GAAAAAATAGAGGAATATTTCCCAACTTGTTTTCGAAGCCAGCATAATCCTGGTACCAAAACCAAACAAG GACATTATAAGAAAAGAAAATATAGACCAATATTCCTGTTAGCATAGACATGCAACAGCTAACCAATTTT AGCAAACCAAACCTGGTAATATAGAAAAAAGGATAAATAGGCCAGTCGCGGTGGCTCACGCCTGTAATCC CAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATCACTTGAGGTCAGGAGTTTGAGACCAGCCTGACCAACATG GTGAAACCCCGTTTCTAATAAAAATACAAAAATCAGGCTGGGCACGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGC ACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGATCACGAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAATGTGGTGAAA AGGCTGAGGCAGAATTGCTTGAACCCGGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCGTGCCACTGCACTC CTGAAATCCCAGCTACTCGGGAGTCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCAGGAGGCAGAAGTTGCACTG AAAAGGATAAATACATTCTAACCAAATAATGTTTATCTCATGATTGTAGCTGATTCAACATTCAAAAAATT GGCCTGGTGCAGTAGCTCAGGCCTGTAATCCCAACATTTTAGGAGGCTGAGGCAGGAAGATCTCTTGAGC TGTAATTCACCACATTAACAAAGGGAAACATAAAAACCCTATGATCATTTCAACAGATGTAGCAAAAGCA GAGGTCAGGAGATCGAGACTGTCCTGACTAGCATGCTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAACAA AAAATTAGCCGGGCATGGTGGCGGGCGCCTATAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCGAGAGAATGGC GTGAACCCGGGAGGCGGAGCTTGCAGAGCCTAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGA GACTTCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGCTCAACGCTTTTTCCTCTAAGATCAGG AACTAGAAAAGGATTTGACTCTCACAACGTTGATACCATACTGGAGGTTTTAACCAGGCAAGAAAAAGAA ATAATGAGGGCCGGGTGCGCTCAGGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAAGCCGAGACGGGTGGATC ACGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAATATACAAAAAA TTAGCCGGGCGTAGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGA ACTCAGGGGGGGGGGGGCTTGCAGTGAGCTGAGATCGAGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCAAGA AGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGATCACCTGAGGTCTGGAGTTGGAGACCAGCCTGACAAAGATGG TGAAACCTCGTCTCTATTAAAATATTAAAAAAATAGCCAGGCGTTGGCCGGGTACAGTGGCTCATGCCTG TAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCAACACCAGCCTGGCC CCAGCTACTTGGGAGGCTTAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGGTTGTAGTGAGCCGAGA GGGTAGTGGTGAACGCCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGGCAGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCAGGA GGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATTGTCCCATTGCACTCCAGCCTAGGCGACAAGAGCAAAATTCCATG TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAGAAAAAAAAATAACGATTAGAAAGGAAGAAATAAAACACATTCACA GCCAGTATGATTCTATACATACATGTCCTAATGGGGCCAGGCGTGGTTGGCTCATGCCTGTAATCCTAGCA CTTTTAGGAGGCTGAGGCAGGTTGCCTGGGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCAACTCTAA TAAAAATACAAAAAATCAGCCAGGCGTGGTGACGGGCACCTCTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGC AGGAGAATTGCTTGGACCTGGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCTATTGCACTCCAGCCTG GGCAACAGAGTGAAACTCCGGCAGGGTGTGGTGGCTTACGCCTGTAATCCCAGCACTTCGGGAGGCTGA GGCAGGCCGATCACCTGAGGTCAGGAGTTTGAGACCAACCTAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAA ATACAAGAATTAGCTGGGTGTAGTGGTGGGCGCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGACAGAAGA ATTGCTTGAACCCAGGAGGTTGCAGTTGCAGTGAGCTGAGATCATGCCATTGCACACCACGCCGGGCAAC TAGTTATCCCTCTATCTGTAGGGGCTTGGTTCTGGGACTCCTCACACACCAAACCCACAGATGTCTAAGT CCCATATATAAGACGGTATAGTATTTGGATTTAACCTACACATATCCTCCCATATAGTTTAAATTATCTC ACTATATTGTTTAGGGAATCACTGGACATATAGGCCTTCAAGACTGATACCAGCAGCCACTGTTAAGATT CATTTCTCTTGGCTCCCTGGCCATTTGGAAGGCCTAGTTCAGCCTGGCACATTTGTATCCTGGCCCACTG ATGCTGGTACCCCTGGGAAGGTCCTGCTCTGAAAAACACGGAGATTTTAGTTGCTACTGAAGATTTGAGA GATAAAGACAGGGAGACCTGTCTGTAGACCTGTGTCCCTCCAAGTGGGATTGAGACTTTGGGCCCCCCAT TTCAGGACAGCACCTCCTGGCCTGTTGACTGAATAGATCCCTGAAGGAGGTGTACTTGCATTAATGGAGT GGGGGTGGGAGCAGTACCACAGATCCGCACTAACAATCACAGTTCTCTCTAGAATAATAATAATAGAAC AAGTGAAATAGAACAATTGCAGAAAGAGCTAACCTTTGTTGAGCTCTTACTGTGCCCAGCACTTTCCT AGCACTTTAGGAGGCCAAGGGGGGTGGATCACCTGAGGTCGGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAACATGG TGAAACCCCGTCTCTACTAGAAGTACAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCACATGCTTGTAGTCCTAGCTAC TCAGCAGGCTGAGGCAGGAGAATCATTTGAATCCGGGAGGAGGTTGCAGTAAGCGGAGATAGTGCCACTG TACTCCAGCCTGGGCAATAAGAGCTGAGACTCCGTCTCAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAA AATAAAATAAAAAAAGAAAGGCCTGCCATTAAAGGAGCTGTTTGGTAGGGGATGTTTTGTCAGTGCAA ACAACAGAAAAGTGGGCTGGGCACAGTGGTTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGG CGGATCACCTGAAGTTGGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAATATGGAGAAACCCCGTCTCTACTAAAAAT ACAAAATTAGCCGGGCGCAGTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATC GCTTGAACCTGGGAGGCAGAGGTTGCGGTGAGCCGAGATCGCACCATTGCACTCCAGCCTGGACGAGAGC AGCATCCTGCCTGGGCAACATAGTGAAACCCTGCCTCTACAAAAAAACTCAAAAATTGGCCGGGTGCAGT GGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGTCGGAGGCGGGAGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAA ACCAGCCTGGCCAACATGGCAAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAATCAGGCGCATTGGTG GGCGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAAGTTGAGGCAAGAGGATCGCTTGAATCTGGGAGGTGGAGGTTA AAGAAAAAGAAAAAGACTAAAAAATTAGCCAGGCAGGCCTCTGTGGTCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGG CAGGAGAATCACTGAGCCCAGGAGTCCGAGGCTGTAGTGAGCCATGATTGCACCACTGTACCCTAGCTTG GGCTCACACCTGTAATCCCAGCGCTTTGAGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACAAGGTCAGGAGTTCCACAC CAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAAATCAGCCAGGCATGGTGGCAGG GGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCTTGAAACCAGAAGGCAGAGGTTGCA AAAAAAACAAAACAAAAGAAAACATGGCAAAGCCTTTGAAAGCTTGTCTGGGAGAAGGTGCGATGATAGT TGCATAACTTCGTGCAAGATGCTGGTCCACACAGGGGCTGCCCCTTGCTCTTTCTCGCTCTTAACCTC TCATATAACAGGCTTGTGTGTTATTCACATTTATTGAGCCCAAGCAGGTGCAAGGCATTGTGATCTAATA CTTTGGTCAGCAAGACAACAAGATAGATCACTGCCCTGCCCTTAGGAAGTGTATATGCTATTAGAGGAAA CAGATAAAATAAACAAGGAAAAGTATCAGACAATGTAAGTGCTATGAGAATGCAAATGAGGTGATGTGAA TTAAAATAGGATGACTTAAAGTCTGCACGGGAAGGAGCCTACCCCCATGTTCCTGGCTAGCCAAGGAACC ACCAGTTGATTAGCAGAGAGGGCAGCCAGTCTAGCTAGAGCTTTTTGGGGAAGAGGGGAGTGGTTGTTAAG AGATGAGATTAAAGAAGCCGAGACGGGCCATTCGTGAGGGGTTTGTAATGCAGGGCTGAGGAGTGTCCGA AGAGAATGGGCAGGTGAGCGGTGAGACAGTTGTTCTTCCAGAAGCTTTGCAGTGAAAGGAATCAAAGAAA TGGAGCCGTGTATCAGGTGGGGAAGGGTGGGGGCCAAGGGGGTGTCCTTCCCCATACAGAGATTGCAGGC TGAGAATGACTATATCCTTGTTAACAGGAGGTGGGAGCAGGGCACGGTAGCTCACACCTGTAATCTTGGC ACTTTAGGAGGCTGAGGCGGCCGATCACCTGAAGTAAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAACATGCAAA GCCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGTACTCGCCTGTAATCCCAGCTACTCG GGAGACTGAGGCAGGAGAATGGCTTGAACCCGGAAGGTAGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATCATGCCACTG AATAGGGTGCACATTTAGGAAGTCTTGGGGATTTAGTGGTGGGAAGGTTGGAAGTCCCTCTCTGATTGTC TTTTCCTCAAAGAAGTGCATGGCTGGTGAGGGGTGGGGGCAGGAGTGCTTGGGTTGTGGTGAAACATTGGA AGAGAGAATGTGAAGCAGCCATTCTTTTCCTGCTCCACAGGAAGCCGAGCTGTCTCAGACACTGGCATGG TGTTGGGGGGGGGTTCCTTCTCTGCAGGCCCAGGTGACCCAGGGTTGGAAGTGTCTCATGCTGGATCC CCACTTTTCCTCTTGCAGCAGCCAGACTGCCTTCCGGGTCACTGCCATGGAGGAGCCGCAGTCAGATCCT AGCGTCGAGCCCCCTCTGAGTCAGGAAACATTTTCAGACCTATGGAAACTGTGAGTGGATCCATTGGAAG GGCAGGCCCACCCCCACCCCAACCCCAGCCCCTAGCAGAGACCTGTGGGAAGCGAAAATTCCATGG GACTGACTTTCTGCTCTTGTCTTTCAGACTTCCTGAAAACAACGTTCTGGTAAGGACAAGGGTTGGGCTG GGGACCTGGAGGGCTGGAGGGCTGGGGGGGCTGAGGACCTGGTCCTCTGACTGCT CTTTTCACCCATCTACAGTCCCCCTTGCCGTCCCAAGCAATGGATGATTTGATGCTGTCCCCGGACGATA TTGAACAATGGTTCACTGAAGACCCAGGTCCAGATGAAGCTCCCAGAATGCCAGAGGCTGCTCCCCCCGT GGCCCCTGCACCAGCAGCTCCTACACCGGCGCCCCTGCACCAGCCCCCTCCTGGCCCCTGTCATCTTCT GTCCCTTCCCAGAAAACCTACCAGGGCAGCTACGGTTTCCGTCTGGGCTTCTTGCATTCTGGGACAGCCA AGTCTGTGACTTGCACGGTCAGTTGCCCTGAGGGGCTTGCCATGAGACTTCAATGCCTGGCCGTATC $\tt CCCCTGCATTTCTTTTGGAACTTTGGGATTCCTCTTCACCCTTTGGCTTCCTGTCAGTGTTTTTTT$ ATAGTTTACCCACTTAATGTGTGATCTCTGACTCCTGTCCCAAAGTTGAATATTCCCCCCCTTGAATTTGG GCTTTTATCCATCCCATCACACCCTCAGCATCTCTCCTGGGGATGCAGAACTTTTCTTTTTTCTTCATCCA CGTGTATTCCTTGGCTTTTGAAAATAAGCTCCTGACCAGGCTTGGTGGCTCACACCTGCAATCCCAGCAC TCTCAAAGAGGCCAAGGCAGATCACCTGAGCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGTAACATGATGA AACCTCGTCTCTACAAAAAAATACAAAAAATTAGCCAGGCATGGTGGTGCACACCTATAGTCCCAGCCAC TTAGGAGGCTGAGGTGGAAGATCACTTGAGGCCAGGAGATGGAGGCTGCAGTGAGCTGTGATCACCACCA ACAGTACTCCCCTGCCCTCAACAAGATGTTTTGCCAACTGGCCAAGACCTGCCCTGTGCAGCTGTGGGTT GATTCCACACCCCGGCCCGGCACCCGCGTCCGCGCCATGGCCATCTACAAGCAGTCACAGCACATGACGG AGGTTGTGAGGCGCTGCCCCACCATGAGCGCTGCTCAGATAGCGATGGTGAGCAGCTGGGGGCTGGAGAG ACGACAGGGCTGGTTGCCCAGGGTCCCCAGGCCTCTGATTCCTCACTGATTGCTCTTAGGTCTGGCCCCT CCTCAGCATCTTATCCGAGTGGAAGGAAATTTGCGTGTGGAGTATTTGGATGACAGAAACACTTTTCGAC ATAGTGTGGTGCCCTATGAGCCGCCTGAGGTCTGGTTTGCAACTGGGGTCTCTGGGAGGAGGGGGTTA AGGGTGGTTGTCAGTGGCCCTCCAGGTGAGCAGTAGGGGGGCTTTCTCCTGCTGCTTATTTGACCTCCCT ATAACCCCATGAGATGTGCAAAGTAAATGGGTTTAACTATTGCACAGTTGAAAAAACTGAAGCTTACAGA GGCTAAGGGCCTCCCCTGCTTGGCTGGGCGCAGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCA AGGCAGGCGGATCACGAGGTTGGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACGGTGAAACCCCGTCTCTACTGAA AAATACAAAAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGCTGGGCACCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGA AGGAGAATGGCGTGAACCTGGGCGGTGGAGCTTGCAGTGAGCTGAGATCACGCCACTGCACTCCAGCCTG AGGCGCACTGGCCTCATCTTGGGCCTGTGTTATCTCCTAGGTTGGCTCTGACTGTACCACCATCCACTAC AACTACATGTGTAACAGTTCCTGCATGGGCGGCATGAACCGGAGGCCCATCCTCACCATCATCACACTGG AAGACTCCAGGTCAGGAGCCACTTGCCACCCTGCACACTGGCCTGCTGTGCCCCAGCCTCTGCTTGCCTC TGACCCCTGGGCCCACCTCTTACCGATTTCTTCCATACTACTACCCATCCACCTCTCATCACATCCCCGG CTCCTCCACCTACCTGGAGCTGGAGCTTAGGCTCCAGAAAGGACAAGGGTGGTTGGGAGTAGATGGAGCC TGGTTTTTTAAATGGGACAGGTAGGACCTGATTTCCTTACTGCCTCTTGCTTCTCTTTTCCTATCCTGAG TAGTGGTAATCTACTGGGACGGAACAGCTTTGAGGTGCGTGTTTGTGCCTGTCCTGGGAGAGACCGGCGC ACAGAGGAAGAATCTCCGCAAGAAAGGGGAGCCTCACCACGAGCTGCCCCCAGGGAGCACTAAGCGAG GTAAGCAAGCAGGACAAGAAGCGGTGGAGGAGACCAAGGGTGCAGTTATGCCTCAGATTCACTTTTATCA CCTTTCCTTGCCTCTTTCCTAGCACTGCCCAACAACACCAGCTCCTCTCCCCAGCCAAAGAAGAAACCAC TGGATGGAGAATATTTCACCCTTCAGGTACTAAGTCTTGGGACCTCTTATCAAGTGGAAAGTTTCCAGTC TAACACTCAAAATGCCGTTTTCTTCTTGACTGTTTTACCTGCAATTGGGGCATTTGCCATCAGGGGGCAG ATATTTTAAAGGACCAGACCAGCTTTCAAAAAGAAAATTGTTAAAGAGAGCATGAAAATGGTTCTATGAC TTTGCCTGATACAGATGCTACTTGACTTACGATGGTGTTACTTCCTGATAAACTCGTCGTAAGTTGAAAA TATTGTAAGTTGAAAATGGATTTAATACACCTAATCTAAGGAACATCATAGCTTAGCCTAGCCTGCTTTT TTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGGGATCTCGGC TCACTGCAACCTCCGCCTTCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCCACTGAGTAGCTGGGATTACA CACCATGTTGGCCAGGCTAGTCTCGAACTCCTGACCTTGTGATCTGCCTTGCCTTGGCCTCCCAAAGTGCT GGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCACCCGGCCTGCCTAGCCTACTTTTATTTTTAATGGAGACAG CATCTTGCTCTGTTGCCCAGGCTGGATTACAGTGATGTGATCATAGCTCATTATACCCTCCTGGGCTCAA GCAATCCCCCTAACTCTGCCTCCCCAGTAGCTAGGACCACAGGCATACACCACCATACCCAGCTAATTTT TAAAATTTTTTGTAGATAGATAGAGTCTCACTATGTTGCCCAGGCTGGTCTCTAGCCTACTTTTTTGAGA CAAGGTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGATAGAGTGCAGTAGTGCAGTCACAGCTCACTGCAGCCTCCAC CTCCCAGGCTCCATCCTCCCAGCTCAGCCTCCCAAGTTGCTTCAACTACAGGCCTGCACCATG TCGCCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAAGTGATT CTCCTGCCTCAGCCTCCGAATAGCTAGGACTACAAGCGCCTGCTACCACGCCCAGCTAATTTTTGTATT AAAGACAGAGTCTCACTCTGTCACTCAGGCTAGAGTGCAGTGGCACCATCTCAGCTCACTGCAGCCTTGA CCTCCCTGGGCTCCGGTGATTTCACCCTCCCAAGTAGCTAGGACTACAGGCACATGCCACGACACCCAGC TAATTTTTTATTTTCTGTGAAGTCAAGGTCTTGCTACGTTGCCCATGCTGGTATCAAACCCCTGGGCTCA ATCAATCCTTCCACCTCAGCCTCCCCAAGTATTGGGGTTACAGGCATGAGCTACCACACTCAGCCCTAGC CTACTTGAAACGTGTTCAGAGCATTTAAGTTACCCTACAGTTGGGCAAAGTCATCTAACACAAAGCCCTT TTTATAGTAATAAAATGTTGTATATCTCATGTGATTTATTGAATATTGTTACTGAAAGTGAGAAACAGCA AGGCCAGGCGCACTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCATTTCGGGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACCTGAG GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTAGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAATACAAAAATTAACCG GGCGTGATGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCAGGA GGCGGAGGTTGCAGGGAGCCAAGATGGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGATAGAGTGAGACTCCGTCT CAGAAAAAAAGAAAAGAAACGAGGCACAGTCGCATGCACATGTAGTCCCAGTTACTTGAGAGGCTAAGG CAGGAGGATCTCTTGAGCCCAAGAGTTTGAGTCCAGCCTGAACAACATAGCAAGACATCATCTCTAAAAT TTAAAAAAGGGCCGGGCACAGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGTGGAGGTGGGTAGAT CACCTGACGTCAGGAGTTGGAAACCAGCCTGGCTAACATGGTGAAGCCCCATCTCTACTAAAAACACAAA AATTAGCCAGGTGTGGTAGCACACGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCACAAGAATCACTT GAACCCCAGAGGCGAGATTGCAATCAGCCAAGATTGCACCATTGCACTCCCGCCTGGGCAACAGAGTGA GACCCCATCTCAAAATAAATAAATAATTTTTTAAAAGTCAGCTGTATAGGTACTTGAAGTGCAGTTTC TACTAAATGCATGTTGCTTTTGTACCGTCATAAAGTCAAACAATTGTAACTTGAACCATCTTTTAACTCA GGTACTGTGTATATACTTACTTCTCCCCCTCTCTGTTGCTGCAGATCCGTGGGCGTGAGCGCTTCGAGA TGTTCCGAGAGCTGAATGAGGCCTTGGAACTCAAGGATGCCCAGGCTGGGAAGGAGCCAGGGGGGGAGCAG GGCTCACTCCAGGTGAGTGACCTCAGCCCCTTCCTGGCCCTACTCCCTGCCTTCCTAGGTTGGAAAGCC ATAGGATTCCATTCTCATCCTGCCTTCATGGTCAAAGGCAGCTGACCCCATCTCATTGGGTCCCAGCCCT GCACAGACATTTTTTTAGTCTTCCTCCGGTTGAATCCTATAACCACATTCTTGCCTCAGTGTATCCACAG AACATCCAAACCCAGGGACGAGTGTGGATACTTCTTTGCCATTCTCCGCAACTCCCAGCCCAGAGCTGGA GGGTCTCAAGGAGGGGCCTAATAATTGTGTAATACTGAATACAGCCAGAGTTTCAGGTCATATACTCAGC GGGGGCCGGGCGCAGTGGCTCACGAATCCCACACTCTGGGAGGCCAAGGCGAGTGGATCACCTGAGGTCG GGAGTTTGAGCCCAGCCTGACCAACATGGAGAAACCCCATCTCTACTAAAAAATACAAAAGTAGCCGGGCG TGGTGATGCATGCCTGTAATCCCAGCTACCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGG AGGCAGAGGTTGCGGTGAGCTGAGATCTCACCATTACACTCCAGCCTGGGCAACAAGAGTGAAACTCCGT CTCAAAAAAGATAAATAAAGTAAAATGGGGTAAGGGAAGATTACGAGACTAATACACACTAATACTCTGA GGTGCTCAGTAAACATATTTGCATGGGGTGTGGCCACCATCTTGATTTGAATTCCCGTTGTCCCAGCCTT CCTGCTTCTGTCTCCTACAGCCACCTGAAGTCCAAAAAGGGTCAGTCTACCTCCCGCCATAAAAAACTCA TGTTCAAGACAGAAGGGCCTGACTCAGACTGACATTCTCCACTTCTTGTTCCCCACTGACAGCCTCCCAC AGAAGCACCCAGGACTTCCATTTGCTTTGTCCCGGGGCTCCACTGAACAAGTTGGCCTGCACTGGTGTTT TGTTGTGGGGAGGAGGATGGGGAGTAGGACATACCAGCTTAGATTTTAAGGTTTTTACTGTGAGGGATGT CACTTCACCGTACTAACCAGGGAAGCTGTCCCTCACTGTTGAATTTTCTCTAACTTCAAGGCCCATATCT GTGAAATGCTGGCATTTGCACCTACCTCACAGAGTGCATTGTGAGGGTTAATGAAATAATGTACATCTGG CCTTGAAACCACCTTTTATTACATGGGGTCTAGAACTTGACCCCCTTGAGGGTGCTTGTTCCCTCTCCCT GTTGGTCGGTGGGTTGGTAGTTTCTACAGTTGGGCAGCTGGTTAGGTAGAGGGAGTTGTCAAGTCTCTGC TGGCCCAGCCAAACCCTGTCTGACAACCTCTTGGTGAACCTTAGTACCTAAAAGGAAATCTCACCCCATC CCACACCTGGAGGATTTCATCTCTTGTATATGATGATCTGGATCCACCAAGACTTGTTTTATGCTCAGG GGCTGGAGTGGAGTGGCGTGATCTTGGCTTACTGCAGCCTTTGCCTCCCCGGCTCGAGCAGTCCTGCCTC AGCCTCCGGAGTAGCTGGGACCACAGGTTCATGCCACCATGGCCAACTTTTGCATGTTTTGTAGAG ATGGGGTCTCACAGTGTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACTCCTGGGCTCAGGCGATCCACCTGTCTCAGCCT CCCAGAGTGCTGGGATTACAATTGTGAGCCACCACGTCCAGCTGGAAGGGTCAACATCTTTTACATTCTG CAAGCACATCTGCATTTTCACCCCACCCTTCCCCTTCTCCCTTTTTATATCCCATTTTTATATCGAT CTCTTATTTTACAATAAAACTTTGCTGCCA'''

[#] source:

[#] https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/NC_000017.11?report=fasta&from=7668421&to=7687490&s

what is the length of that sequence len(seq)

19429

- Задание 3

В данном задании от вас потребуется сделать Python API для какого-либо сервиса
В задании предложено два варианта: простой и сложный, выберите только один из них.
Можно использовать только модули стандартной библиотеки и requests. Любые другие модули можно по согласованию с преподавателем.

В данном задании требуется оформить код в виде отдельного модуля (как будто вы пишете свою библиотеку). Код в ноутбуке проверяться не будет

- Вариант 1 (простой, 10 баллов)

В данном задании вам потребуется сделать Python API для сервиса http://hollywood.mit.edu/GENSCAN.html

Он способен находить и вырезать интроны в переданной нуклеотидной последовательности. Делает он это не очень хорошо, но это лучше, чем ничего. К тому же у него действительно нет публичного API.

Реализуйте следующую функцию: run_genscan(sequence=None, sequence_file=None, organism="Vertebrate", exon_cutoff=1.00, sequence_name="") — выполняет запрос аналогичный заполнению формы на сайте. Принимает на вход все параметры, которые можно указать на сайте (кроме Print options). sequence — последовательность в виде строки или любого удобного вам типа данных, sequence_file — путь к файлу с последовательностью, который может быть загружен и использован вместо sequence. Функция должна будет возвращать объект типа GenscanOutput. Про него дальше.

Peaлизуйте датакласс GenscanOutput, у него должны быть следующие поля:

- status статус запроса
- cds_list список предсказанных белковых последовательностей с учётом сплайсинга (в самом конце результатов с сайта)
- intron_list список найденных интронов. Один интрон можно представить любым типом данных, но он должен хранить информацию о его порядковом номере, его

начале и конце. Информацию о интронах можно получить из первой таблицы в результатах на сайте.

• exon_list — всё аналогично интронам, но только с экзонами.

По желанию можно добавить любые данные, которые вы найдёте в результатах

```
# Не пиши код здесь, сделай отдельный модуль
class GenscanOutput():
  def __init__(self, response):
    self.status = response.status_code
    soup = BeautifulSoup(response.content)
    # I know it's only for one possible sequence not a list
    self.cds_list = str(soup).split('_aa')[1].split('</pre')[0].replace("\n", "")</pre>
   exon_table = exon_table_maker(soup)
    self.intron list = exon table
    self.exon_list = intron_table_maker(exon_table)
import requests
def run_genscan(sequence=None, sequence_file=None, organism="Vertebrate",
               exon_cutoff=1.00, sequence_name=""):
  data = {'-s': sequence, '-u': sequence file, '-o': organism,
          '-e': exon_cutoff, '-n': sequence_name,
          '-p': 'Predicted peptides only'} # the obligatory thing
  url = 'http://hollywood.mit.edu/cgi-bin/genscanw_py.cgi'
  response = requests.post(url, data=data)
  return response # should be GenscanOutput(response)
response = run_genscan(sequence=''.join(seq.split('\n')))
response
     <Response [200]>
response.status_code
     200
response.content
     b'\n<head><title>GENSCAN Output</title>\n<style type="text/css">\nhr
     {color:darkblue}\np {margin-left:20px}\nbody {font-family: helvetica,
     arial}\nblockquote { border: 5px solid black; padding: 5px 5px
     5px}\n</style>\n</head>\n<body BGCOLOR="#00336677" link="#FFFF00"
     vlink="#77FFFF77" alink="#FFFF00" text="#FFFFFF">\n\n<h2>GENSCAN
     Output</h2>\n<br/>vlosekquote>\nView gene model output: <a href=".../03_30_23-
     20:29:23.ps">PS</a> | <a href="../03_30_23-
     20:29:23.pdf">PDF</a>\n\nGENSCAN 1.0\tDate run: 30-Mar-123\tTime:
     20:29:24\n\n\nSequence /tmp/03_30_23-20:29:23.fasta : 19114 bp : 49.38% C+G :
     Isochore 2 (43 - 51 C+G%)\n\n\nParameter matrix:
     HumanIso.smat\n\n\nPredicted genes/exons:\n\n\nGn.Ex Type S .Begin ...End
```

```
.Len Fr Ph I/Ac Do/T CodRg P.... Tscr..\n\n---- ---
                  94 0.380 6.79\n\n 1.02 Intr + 11132 11153 22 2 1 125
       74
    22 0.983 4.15\n\n 1.03 Intr + 11263 11541 279 0 0 93 73
                                                                 164 0.981
    13.07\n\n 1.04 Intr + 12299 12482 184 1 1 129 89 146 0.939 18.16\n\n
    1.05 Intr + 12564 12676 113 1 2 84 25 125 0.883 5.90\n\n 1.06 Intr
    + 13245 13354 110 2 2 98 71 197 0.999 18.08\n\n 1.07 Intr + 13698
    13834 137 0 2 39 99 65 0.861
                                        2.91\n\n 1.08 Intr + 13927 14000
    74 2 2 108 79
                       56 0.969 5.83\n\n 1.09 Intr + 16820 16926 107 1 2
    100 109
              67 0.887 9.01\n\n 1.10 Term + 17845 17926 82 1 1 119
    18 0.522 -2.33\n\n 1.11 PlyA + 19097 19102
                                               6
    1.05\n\n\n\n\nSuboptimal exons with probability > 1.000\n\n\nExnum Type S
    .Begin ...End .Len Fr Ph B/Ac Do/T CodRg P.... Tscr..\n\n---- ---- -
    ----\n\n\n\n\nNO EXONS FOUND AT GIVEN
    PROBABILITY CUTOFF\n\n\n\n\nPredicted peptide
    20:29:23.fasta|GENSCAN_predicted_peptide_1|403_aa\n\nXSQTAFRVTAMEEPQSDPSVEPPLSQ
    noshade>\n\n<a href="http://argonaute.mit.edu/GENSCAN.html">Back to
    GENSCAN</a>\n</body>\n</html>\n\n'
from bs4 import BeautifulSoup
soup = BeautifulSoup(response.content, "lxml")
soup
    <html><head><title>GENSCAN Output</title>
    <style type="text/css">
    hr {color:darkblue}
    p {margin-left:20px}
    body {font-family: helvetica, arial}
    blockquote { border: 5px solid black; padding: 5px 5px 5px}
    </style>
    </head>
    <body alink="#FFFF00" bgcolor="#00336677" link="#FFFF00" text="#FFFFFF"</pre>
    vlink="#77FFFF77">
    <h2>GENSCAN Output</h2>
    <blooksquote>
    View gene model output: <a href="../03_30_23-20:29:23.ps">PS</a> | <a</pre>
    href="../03_30_23-20:29:23.pdf">PDF</a>
    <
    GENSCAN 1.0 Date run: 30-Mar-123 Time: 20:29:24
    Sequence /tmp/03_30_23-20:29:23.fasta : 19114 bp : 49.38% C+G : Isochore 2 (43
    - 51 C+G%)
    Parameter matrix: HumanIso.smat
```

Predicted genes/exons:

```
Gn.Ex Type S .Begin ...End .Len Fr Ph I/Ac Do/T CodRg P.... Tscr..
     _____
     1.01 Intr + 10913 11014 102 2 0
                                         83
                                              74
                                                  94 0.380 6.79
     1.02 Intr + 11132 11153
                               22 2 1
                                        125
                                              95
                                                  22 0.983 4.15
     1.03 Intr + 11263 11541
                              279 0
                                     0
                                         93
                                              73
                                                   164 0.981 13.07
     1.04 Intr + 12299 12482
                             184 1
                                     1
                                         129
                                              89
                                                   146 0.939 18.16
     1.05 Intr + 12564 12676
                             113 1 2
                                              25
                                                   125 0.883
                                                              5.90
                                         84
     1.06 Intr + 13245 13354
                             110 2 2
                                              71
                                                   197 0.999 18.08
                                         98
     1.07 Intr + 13698 13834 137 0 2
                                         39
                                              99
                                                    65 0.861
                                                              2.91
     1.08 Intr + 13927 14000
                              74 2 2
                                         108
                                              79
                                                    56 0.969
                                                              5.83
     1.09 Intr + 16820 16926 107 1 2
                                         100 109
                                                    67 0.887 9.01
     1.10 Term + 17845 17926 82 1 1 119
                                            44
                                                   18 0.522 -2.33
import pandas as pd
soup_split = str(soup).split('\n\n')
soup_header = [string for string in soup_split if string.startswith('Gn.Ex')][0]
exon_table = pd.DataFrame()
for string in soup_split[soup_split.index(soup_header)+3:]:
 if not string:
   break
 GnEx, Type, S = string.split(' ')[0].split()
 Begin, End = string.split(' ')[1], string.split(' ')[2]
 exon_table = pd.concat([exon_table, pd.DataFrame([GnEx, Type, S, Begin, End]).T])
exon_table = exon_table.rename(columns=dict(zip(range(5), soup_header.split()[:5])))
exon_table
```

```
Gn.Ex Type S .Begin ...End
0
    1.01
           Intr +
                    10913
                            11014
0
    1.02
           Intr +
                    11132
                            11153
0
    1.03
           Intr +
                   11263
                            11541
0
    1.04
           Intr +
                  12299
                           12482
```

9 1.10 17926 19097

```
def exon_table_maker(soup):
    soup_split = str(soup).split('\n\n')
    soup_header = [string for string in soup_split if string.startswith('Gn.Ex')][0]

    exon_table = pd.DataFrame()
    for string in soup_split[soup_split.index(soup_header)+3:]:
        if not string:
            break
        GnEx, Type, S = string.split(' ')[0].split()
        Begin, End = string.split(' ')[1], string.split(' ')[2]
        exon_table = pd.concat([exon_table, pd.DataFrame([GnEx, Type, S, Begin, End]).T])

    exon_table = exon_table.rename(columns=dict(zip(range(5), soup_header.split()[:5])))
    return exon_table

def intron_table_maker(exon_table):
```

'XSQTAFRVTAMEEPQSDPSVEPPLSQETFSDLWKLLPENNVLSPLPSQAMDDLMLSPDDIEQWFTEDPGPDEAPR MPEAAPPVAPAPAPAPAPAPSWPLSSSVPSQKTYQGSYGFRLGFLHSGTAKSVTCTYSPALNKMFCQLAKTC PVQLWVDSTPPPGTRVRAMAIYKQSQHMTEVVRRCPHHERCSDSDGLAPPQHLIRVEGNLRVEYLDDRNTFRHSVV VPYEPPEVGSDCTTIHYNYMCNSSCMGGMNRRPILTIITLEDSSGNLLGRNSFEVRVCACPGRDRRTEEENLRKKG EPHHELPPGSTKRALPNNTSSSPQPKKKPLDGEYFTLQIRGRERFEMFRELNEALELKDAQAGKEPGGSRAHSSHL KSKKGQSTSRHKKLMFKTEGPDSD'

GenscanOutput(response).status

200

GenscanOutput(response).cds_list

'XSQTAFRVTAMEEPQSDPSVEPPLSQETFSDLWKLLPENNVLSPLPSQAMDDLMLSPDDIEQWFTEDPGPDEAPR MPEAAPPVAPAAPTPAAPAPASWPLSSSVPSQKTYQGSYGFRLGFLHSGTAKSVTCTYSPALNKMFCQLAKTC PVQLWVDSTPPPGTRVRAMAIYKQSQHMTEVVRRCPHHERCSDSDGLAPPQHLIRVEGNLRVEYLDDRNTFRHSVV VPYEPPEVGSDCTTIHYNYMCNSSCMGGMNRRPILTIITLEDSSGNLLGRNSFEVRVCACPGRDRRTEEENLRKKG EPHHELPPGSTKRALPNNTSSSPQPKKKPLDGEYFTLQIRGRERFEMFRELNEALELKDAQAGKEPGGSRAHSSHL KSKKGQSTSRHKKLMFKTEGPDSD'

GenscanOutput(response).exon_list

	NN	Begin	End
0	1.01	11014	11132
1	1.02	11153	11263
2	1.03	11541	12299
3	1.04	12482	12564
4	1.05	12676	13245

GenscanOutput(response).intron_list

	Gn.Ex	Type	S	.Begin	End
0	1.01	Intr	+	10913	11014
0	1.02	Intr	+	11132	11153
0	1.03	Intr	+	11263	11541
0	1.04	Intr	+	12299	12482
0	1.05	Intr	+	12564	12676
0	1.06	Intr	+	13245	13354
0	1.07	Intr	+	13698	13834
0	1.08	Intr	+	13927	14000
0	1.09	Intr	+	16820	16926
0	1.10	Term	+	17845	17926
0	1.11	PlyA	+	19097	19102

```
with open('output.html', 'w') as f:
    f.write(soup.prettify())
```

- Вариант 2 (очень сложный, 20 дополнительных баллов)

В этом варианте от вас потребуется сделать Python API для BLAST, а именно для конкретной вариации **tblastn** https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi?
PROGRAM=tblastn&PAGE_TYPE=BlastSearch&LINK_LOC=blasthome

Хоть у BLAST и есть десктопное приложение, всё-таки есть одна область, где API может быть полезен. Если мы хотим искать последовательность в полногеномных сборках (WGS), а не в базах данных отдельных генов, у нас могут возникнуть проблемы. Так как если мы хотим пробластить нашу последовательность против большого количества геномов нам пришлось бы или вручную отправлять запросы на сайте, или скачивать все геномы и делать поиск локально. И тот и другой способы не очень удобны, поэтому круто было бы иметь способ сделать автоматический запрос, не заходя в браузер.

Необходимо написать функцию для запроса, которая будет принимать 3 обязательных аргумента: **белковая последовательность**, которую мы бластим, **базу данных** (в этом задании нас интересует только WGS, но по желанию можете добавить какую-нибудь ещё), **таксон**, у которого мы ищем последовательность, чаще всего — конкретный вид. По=желанию можете добавить также любые другие аргументы, соответствующие различным настройкам поиска на сайте.

Функция дожна возвращать список объектов типа Alignment, у него должны быть следующие атрибуты (всё согласно результатам в браузере, удобно посмотреть на рисунке ниже), можно добавить что-нибудь своё:

Alignment.png

Самое сложное в задании - правильно сделать запрос. Для этого нужно очень глубоко погрузиться в то, что происходит при отправке запроса при помощи инструмента для разработчиков. Ещё одна проблема заключается в том, что BLAST не отдаёт результаты сразу, какое-то время ваш запрос обрабатывается, при этом изначальный запрос не перекидывает вас на страницу с результатами. Задание не такое простое как кажется из описания!

Не пиши код здесь, сделай отдельный модуль