

Aula Prática 5 - ALN - Fatoração QR

Aluno: Gustavo Murilo Cavalcante Carvalho

E-mail: gustavomurilo012@gmail.com

Programa: Bacharelado em Matemática Aplicada

Disciplina: Álgebra Linear Numérica

Professor: Antonio Carlos Saraiva Branco

Data: 15 de junho de 2024

Sumário

Problema 1	
Implementação	1
Testes	1
Problema 2	4
Implementação	4
Testes	4
Problema 3	6
Implementação	6
Testes	6
Problema 4	7
Implementação	7
Testes	9
Problema 5	12
Implementação	12
Testes	

O método de Gram Schmidt para ortogonalização de vetores é um método iterativo que, dado um conjunto de vetores linearmente independentes, gera um conjunto de vetores ortogonais. O método é baseado na projeção de um vetor sobre os vetores anteriores.

Implementação

qr_GS.m

```
% Entradas:
% A - matriz (m x n)
% Saídas:
% Q = matriz (m \times n) ortogonal
  R = matriz (n \times n) triangular superior
function [Q,R] = qr_GS(A)
  [m, n] = size(A);
  % Inicializa matrizes
  Q = zeros(m,n);
  R = zeros(n);
  for j = 1 : n
    v = A(:,j); % j-ésima coluna de A
    % Obtém, por Gram-Schmidt, v o j-ésimo vetor de uma base ortogonal
    for i = 1 : j-1
      R(i,j) = dot(Q(:,i), A(:,j));
      v = v - R(i,j) * Q(:,i);
    end
    R(j,j) = norm(v,2);
    Q(:,j) = v / R(j,j); % j-ésimo vetor de uma base ortonormal
  end
end
```

Testes

A seguir estão algumas matrizes selecionadas para testar as funções implementadas neste trabalho.

$$A = \begin{bmatrix} 1 & 2 & 2 \\ -1 & 1 & 2 \\ -1 & 0 & 1 \\ 1 & 1 & 2 \end{bmatrix} \quad B = \begin{bmatrix} 16 & 2 & 3 & 13 \\ 5 & 11 & 10 & 8 \\ 9 & 7 & 6 & 12 \\ 4 & 14 & 15 & 1 \end{bmatrix} \quad C = \begin{bmatrix} 2 & 1 & 2 & 4 \\ 3 & 1 & 2 & 2 \end{bmatrix}$$

A é uma matriz ideal para ortogonalização (tanto que é um exemplo dado pelo Poole), pois contém vetores para uma base de um subespaço vetorial.

B é uma matriz mágica de ordem par, portanto é muito má condicionada (ela é quase singular), o que é interessante para os testes.

C é uma matriz retangular com mais colunas do que linhas, o que não é o caso esperado de acordo com a apresentação da fatoração QR (a que é feita no Poole), contudo é um cenário de prova para a implementação e interpretação do método.

Testando para o cenário ideal (a matriz A), temos:

```
>> [QCa, RCa] = qr_GS(A);
QCa =
    0.5
           0.67082
                     -0.40825
           0.67082
   -0.5
   -0.5
           0.22361
                      0.40825
    0.5
           0.22361
                     0.8165
RCa =
             1
                     0.5
        2.2361
                  3.3541
    0
                  1.2247
```

Considerando A=QR, para verificar a ortogonalidade de Q, calculamos Q^TQ e para verificar a acurácua decomposição QR, calculamos QR-A.

```
>> QCa'*QCa
               0
    1
                           0
               1
                  -2.7e-17
    0
        -2.7e-17
>> QCa*RCa - A
    0
    0
         0
              0
    0
         0
              0
```

Pode ser visto que a decomposição QR obtida foi muito boa. Q não é por muito pouco (o erro é irrelevante, tem grandeza 10^{-17}) a indentidade, e a multiplicação de Q e R resulta em A.

Para as outras matrizes (B e C), temos:

Ambas são boas fatorações, afinal a multiplicação das matrizes resulta na matriz original, ou algo muito próximo disso. Vale ressaltar que a fatoração funciona para C (uma matriz com mais colunas do que linhas), mesmo que esvaziada do sentido.

```
>> QCb*RCb - B
0 0 0 0 0
0 0 0 0
0 0 0 0
0 0 0 0
0 0 0 0

>> QCc*RCc - C
-2.2e-16 0 0 0
0 0 0 0
```

Testando a ortogonalidade de B, vemos que o resultado não é o melhor, muitas entradas são muito próximas de zero, outras nem tanto (na ordem de 10^{-1}). Isso é uma consequência do mal condicionamento de B.

```
>> QCb'*QCb
          1
               -2.7e-17
                           4.9e-16
                                       0.55125
   -2.7e-17
                          -5.5e-16
                      1
                                      -0.25841
               -5.5e-16
    4.9e-16
                                  1
                                       -0.7925
    0.55125
               -0.25841
                           -0.7925
                                              1
```

Para C, temos que avaliar algo diferente, afinal a matriz Q associada a ela não pode ser ortogonal, ela não é LI. Note que há um bloco que é a indentidade, o que acontece devido ao fato de que os dois primeiros vetores são LI, se fossem outros, o bloco da identidadde estaria em outra posição (ao menos é .

```
>> QCc'*QCc
                1.4e-15
                           0.00377
                                       0.00377
          1
    1.4e-15
                          -0.99999
                                      -0.99999
                      1
    0.00377
               -0.99999
                                  1
                                              1
    0.00377
               -0.99999
                                  1
                                              1
>> QCc(1:2, 1:2)'*QCc(1:2, 1:2)
          1
                1.4e-15
    1.4e-15
```

A versão modificado tem como objetivo trazer uma melhor establidade numérica ao método de Gram-Schmidt. A ideia é que, ao invés de calcular a projeção de um vetor sobre os outros já ortogonalizados, calculamos a projeção do vetor mais atualizados sobre os já ortogonalizados. Isso evita a acumulação de erros numéricos.

Implementação

qr_GSM.m

```
% Entradas:
% A - matriz (m x n)
% Saídas:
  Q = matriz (m \times n) ortogonal
    R = matriz (n \times n) triangular superior
function [Q,R] = qr_GSM(A)
  [m, n] = size(A);
  % Inicializa matrizes
  0 = zeros(m,n);
  R = zeros(n);
  for j = 1 : n
    v = A(:,j); % j-ésima coluna de A
    % Obtém, por Gram-Schmidt, v o j-ésimo vetor de uma base ortogonal
    for i = 1 : j-1
      R(i,j) = dot(Q(:,i), v); % Passa a usar o vetor mais atualizado
      v = v - R(i,j) * Q(:,i);
    end
    R(j,j) = norm(v,2);
    Q(:,j) = v / R(j,j); % j-ésimo vetor de uma base ortonormal
  end
end
```

Testes

Para a matriz A, essa modificação obteve os mesmos resultaos que a anterior. Portanto, não há necessidade expor os resultados.

Para a matriz B, uma matriz má condicionada, a modificação alterou minimamente uma entrada da matriz R. Quanto à matriz Q, notamos que a ultima colunas dessa nova Q é diferente da anterior.

```
>> QCb(:,4)' % Quarta coluna da matriz Q obtida com qr_GSC
    0.32233    0.40291    0.64466   -0.56408

>> [QMb, RMb] = qr_GSM(B);

>> QMb(:,4)'
    0.94679    0.063119    0.25248   -0.18936
```

Associada a essa mudança, vemos uma melhor ortogonalidade da matriz Q utilizando o método de Gram-Schmidt modificado. Contudo, devido à dimensão da matriz esse ganho é mínimo.

Considerando matrizes mágicas de ordem par (caracterizadas por serem muito mal condicionadas), fica claro que esse algoritmo produz uma matriz Q muito mais próxima da ortogonalidade.

```
>> [Q ~] = qr_GS(magic(20));
>> [QM ~] = qr_GSM(magic(20));
>> norm(Q'*Q - eye(20))
      16.989
>> norm(QM'*QM - eye(20))
      0.99972

>> [Q ~] = qr_GS(magic(100));
>> [QM ~] = qr_GSM(magic(100));
>> norm(Q'*Q - eye(100))
      97
>> norm(QM'*QM - eye(100))
      0.99995
```

Resta testar a matriz C. Agora, com essa modificação, deixamos de obter uma fatoração eficaz. Ambas as matrizes possus entradas NaN (não faz sentido verificar ortogonalidade ou acurácia). Isso se deve ao fato de C possuir colunas LD (linearmente dependentes). Logo essa modificação do método restringe a função a matrizes LI (linearmente independentes).

```
>> [QMc, RMc] = qr_GSM(C)
QMc =
     0.5547
                0.83205
                             NaN
                                    NaN
    0.83205
                -0.5547
                                    NaN
                             NaN
RMc
    3.6056
                1.3868
                           2.7735
                                      3.8829
               0.27735
                           0.5547
                                       2.2188
          0
          0
                      0
                                 0
                                          NaN
          0
                      0
                                 0
                                          NaN
```

Implementação

qr_GSP.m

% Código do problema 3

Testes

Implementação

qr_House_1.m

Esta é a implementação padrão do método de Householder para fatoração QR. Tranforsma a matriz $A \in \mathbb{M}^{m \times n}$ em uma matriz triangular superior $R \in \mathbb{M}^{m \times n}$ e salvamos os refletores usados para obter Q posteriormente. Essa primeira versão de implementação só abrange os casos onde $m \geq n$.

```
% Entradas:
% A - matriz de entrada (m x n)
% Saídas:
% U - matriz (m x m) contendo os vetores normais
  R - matriz (m x n) triangular superior
function [U, R] = qr_House_1(A)
  [m, n] = size(A);
  % Inicializar a matriz U com zeros
  U = zeros(m, m);
  for i = 1 : n
    % Extrair a coluna atual a partir da i-ésima linha até o final
    x = A(i:m, i);
    % Obtém o vetor normal ao hiperplano de reflexão
    if x(1) > 0
      x(1) = x(1) + norm(x, 2);
      x(1) = x(1) - norm(x, 2);
    end
    u = x / norm(x, 2); % Normaliza o vetor
    U(i:m, i) = u; % Armazena o vetor em U
    % Aplica a transformação de Householder à submatriz de A
    A(i:m, i:n) = A(i:m, i:n) - 2*u*(u'*A(i:m, i:n));
  end
 R = triu(A); % Os valores abaixo da diagonal seriam proximos de 0, trunco-
05
end
```

qr_House_2.m

Seja $A \in M^{m \times n}$. Para quaisquer $m, n \in \mathbb{N}$ a função qr_House_2(A) é capaz de realizar parte da fatoração, o que é feito por completo ao construi Q a partir de U.

Se m > n: a função obtém o mesmo resultado que qr_GS.

```
Se m = n: temos Q \in \mathbb{M}^{m \times m - 1} e R \in \mathbb{M}^{m - 1 \times n}.
```

Se m < n: temos $Q \in \mathbb{M}^{m \times m}$ e $R \in \mathbb{M}^{m \times n}$, o resultado geral de qr_House_1, mas agora funcionando para esse caso.

```
% Entradas:
% A - matriz (m x n)
% Saídas:
% U - matriz (m x k) contendo os vetores normais
   R - matriz (k x n) triangular superior
function [U,R] = qr House 2(A)
  [m, n] = size(A);
  % Determina a dimensão correta
  if m == n
    k = m - 1;
    k = min(m,n); % Essa alteração abrange o caso onde m < n</pre>
  end
  % Inicializa matrizes
  R = A;
  U = zeros(m, k);
  for i = 1 : k
    x = A(i:m, i);
    % Obtém o vetor normal ao hiperplano de reflexão
    if x(1) > 0
      x(1) = x(1) + norm(x, 2);
      x(1) = x(1) - norm(x, 2);
    end
    u = x / norm(x,2); % Normaliza o vetor
                     % Armazena o vetor em U
    U(i:m, i) = u;
    % Aplica a transformação de Householder à submatriz de A
    A(i:m, i:n) = A(i:m, i:n) - 2*u*(u'*A(i:m, i:n));
  end
  R = triu(A(1:k, 1:n)); % Para que coincida com a matriz R de qr_GS
end
```

constroi_Q.m

```
% Entradas:
% U - matriz (m x n) com vetores de Householder
% Saídas:
  Q - matriz (m x n) ortogonal
   versao - 1: Q é m x m, 2: Q é m x n
function [Q] = constroi_Q(U, versao)
  % Obtém dimensões de U e inicializa Q
  [m,n] = size(U);
  Q = eye(m, m);
  for i = 1 : n
    u = U(:,i);
   % Aplica a tranformação de Householder pela direita Q*(H - u*u')
    Q = Q - 2 * Q * (u * u');
  end
  % Ajusta a dimensão de Q para ser compatível com R
  if versao == 2
    Q = Q(:,1:n);
  end
end
```

Testes

Testes - $A(4 \times 3)$

```
>> [UHa, RHa] = qr_House_1(A)
UHa =
   0.86603
                            0
                                 0
  -0.28868
             0.97325
  -0.28868
             0.22975
                       0.80756
                                 0
   0.28868
             1.0e-16
                       0.58979
RHa =
  - 2
         -1 -0.5
   0
     -2.2361 -3.3541
          0 -1.2247
            0
>> [UKa, RKa] = qr_House_2(A)
UKa =
   0.86603
                            0
  -0.28868 0.97325
  -0.28868
           0.22975
                       0.80756
   0.28868
           1.0e-16
                      0.58979
RKa =
  -2
       -1 -0.5
     -2.2361 -3.3541
                -1.2247
```

Testes - $B(4 \times 4)$

```
>> [UHb, RHb] = qr House 1(B)
UHb =
   0.95471
                           0
   0.13469
             0.88727
   0.10775
             0.44152
                     0.46532
RHb =
  -19.442 -10.595 -10.904
                            -18.516
        0
           -16.054
                  -15.726 -0.98476
                    1.9486
                            -5.8458
                0
                            -5.3e-15
>> [UKb, RKb] = qr_House_2(B)
UKb =
                           0
   0.95471
   0.13469
             0.88727
   0.24243
           0.13344
                     -0.88514
   0.10775
             0.44152
                     0.46532
RKb =
  -19.442 -10.595 -10.904
                            -18.516
          -16.054
                  -15.726
                            -0.98476
        0
                    1.9486
                             -5.8458
```

Testes - $C(2 \times 4)$

```
% [UHc, RHc] = qr_House_1(C) % Erro devido as dimensoes

[UKc, RKc] = qr_House_2(C)

UKc =

0.88167 0

0.47186 -1

RKc =

-3.6056 -1.3868 -2.7735 -3.8829

0 0.27735 0.5547 2.2188
```

Implementação

espectro.m

```
% Entradas:
% A - matriz (n x n)
% Saídas:
% S = vetor (n \times 1) ortogonal
function [S] = espectro(A, tol)
  % Definição de variáveis
  erro = tol + 1;
  S = diag(A);
  while tol <= erro
    % Processo iterativo
    [Q, R] = qr_GSM(A);
    A = R * Q;
    % Verificação de convergência
    novo S = diag(A);
    erro = norm(S - novo_S, 'inf');
    S = novo S; % Atualiza o resultado
  end
end
```

Testes

Para os testes, gero matrizes com números inteiros uniformemente distribuídos entre 1 e 9. A matriz é então multiplicada por sua transposta para que seja simétrica e, portanto, tenha autovalres reais. Então comparamos os autovalores obtidos pela função criada com os autovalores obtidos pela função eig do MATLAB.

```
>> M = randi(9,5,5);
>> M = M' * M;
>> flip(eig(M))
    606.58   61.75   29.118   4.9587   0.58848
>> S = espectro(M, 1e-12)
    606.58   61.75   29.118   4.9587   0.58848
```

Os testes acima (assim como todos os posteriores) foram feitos com uma tolerância de $10^{\{-12\}}$, e mesmo assim foram obtidos muito rapidamente.

Uma ideia interessante para escalar os testes para matrizes maiores, é verificar a norma entre a diferença do resultado das funções, ao invés de comparar os vetores diretamente.

```
>> N = randi(9,10,10);
>> N = N' * N;
>> S = espectro(N, 1e-12);
>> S - flip(eig(N))
    9.0949e-13
   -8.5265e-14
    1.4211e-14
   -1.4211e-14
    5.6843e-14
    3.5527e-14
   -1.3603e-11
    1.3443e-11
   -3.1974e-14
    1.9054e-13
>> norm(espectro(N,1e-12) - flip(eig(N)))
    1.9148e-11
```

Verificando para uma matriz de ordem 100, temos:

```
>> 0 = randi(9,200,200)

>> 0 = 0' * 0;

>> norm(espectro(0,1e-12) - flip(eig(0)))

7.5866e-10
```

Esse resultado foi bem precismo, mas a função já demorou bem mais para convergir (aproximadamente 1 minuto).

Para matrizes maiores (de ordem 300 por exemplo), a nossa função passa a ser muito lenta (demorando quase 6 minutos para convergir) o que torna o seu uso inviável.