ovi_full_m	nod_	know	n_typ	oes
celltype	0.0	0.05	0.1	0.5
DNp27	1	1	2	114
OA-ASM1	1	1	2	475
OA-VUMa6	1	1	2	150
alPg1 alPg2	1	1	2	159 159
alPg2	1	1	2	228
alPg3	1	1	2	516
alPg3	1	1	2	700
alPg4	1	1	2	159
alPg4	1	1	2	228
ovilN	1	1	2	273
pC1d pC1e	1	1	2	159 159
SMP550	1	1	6	434
SMP029	1	1	8	556
SMP156	1	1	8	556
OA-VUMa7	1	9	2	144
DNp32	1	9	8	530
pC1c	2	1	2	330
AstA1	2	3	3	403
LPN	2	3	3	403 390
SLP259	2	3	3	466
SMP286	2	3	3	268
SMP287	2	3	3	391
pC1a	2	3	3	268
pC1b	2	3	3	390
pC1b	2	3	3	398
vpoDN	2	3	3	157
SMP287	2	3	6	391
aSP-f1B SLP410	2	3	136	391 655
OA-VPM3	3	5	5	13
PFL2	3	5	5	9
PFL3	3	5	5	111
PFL3	3	5	12	111
PFL3	3 4	5 1	12 2	111 403
PFL3 LNd pC1c	3 4 4	5 1 1	12 2 2	111 403 330
PFL3 LNd pC1c LNd	3 4 4 4	5 1 1 7	12 2 2 6	111403330403
PFL3 LNd pC1c	3 4 4	5 1 1	12 2 2	111 403 330
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01	3 4 4 4 4	5 1 1 7 7	12 2 2 6 6	111403330403570
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2	3 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7	12 2 2 6 6 6	11140333040357020
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410	3 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7	12 2 2 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156	3 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 570
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb	3 4 4 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 570 553
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN	3 4 4 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 6	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 12	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviDNb OviHN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a	3 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviDNb OviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 5 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviDNb OviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_c	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 5 5 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436 424
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436 424 496
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHPD2a2 MBON01 MBON03 MBON04	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436 424
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_b LHAD1b2_c LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d MBON01 MBON03 MBON04 MBON04	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436 424 496 92
PFL3 LNd pC1c LNd MBON01 OA-ASM2 SLP410 SMP156 SMP550 oviDNa oviDNb oviDNb oviIN pC1d MBON27 MBON27 OA-VPM4 PPL102 PPL102 mALD1 DNa03 OA-VUMa1 LHAD1b2_a LHAD1b2_a LHAD1b2_c LHAD1b2_c LHAD1b2_d LHAD1b2_d LHAD1b2_d MBON01 MBON03 MBON04 MBON04 MBON026	3 4 4 4 4 4 4 4 4 4 5 5 5 5 5 5 5 5 6 6 6 6	5 1 1 7 7 7 7 7 7 7 7 7 7 8 8 8 8 8 8 8 8	12 2 6 6 6 6 6 6 6 6 7 7 7 7 7 7 7 7 7 12 12 8 8 8 8 8 8 8 8	111 403 330 403 570 20 504 570 553 527 717 330 634 27 224 227 62 193 24 163 209 210 210 210 445 436 424 496 92 721

M_spPN4t9 6 9 8 226