

ovi_full_mod_known_types

id	celltype	0.0	0.05	0.1	0.5	0.75	1.0
736860990	OA-VUMa6	1	1	2	8	249	1056
1072063538	DNp27	1	1	2	114	143	157
1138212774	alPg1	1	1	2	159	194	218
5813022814	alPg2	1	1	2	159	401	385
861251038	alPg4	1	1	2	159	401	385
676479156	alPg2	1	1	2	159	401	440
1882009576	alPg2	1	1	2	159	401	440
707858790	alPg1	1	1	2	159	401	1449
707854989	alPg1	1	1	2	159	401	1449
707863263	alPg1	1	1	2	159	401	1449
514850616	pC1e	1	1	2	159	767	878
5813063587	pC1d	1	1	2	159	895	1040
645456880	alPg2	1	1	2	159	969	788
5813035694	alPg2	1	1	2	228	969	385
5813068484	alPg4	1	1	2	228	1000	1181
423101189	oviIN	1	1	2	273	342	381
730709173	OA-ASM1	1	1	2	475	649	723
5813098975	alPg3	1	1	2	516	206	230
768590452	alPg3	1	1	2	700	1279	1256
452689494	SMP550	1	1	6	434	342	381
604070433	SMP029	1	1	8	556	794	912
541347811	SMP029	1	1	8	556	794	912
673776769	SMP156	1	1	8	556	794	912
576825965	OA-VUMa7	1	9	2	144	625	1017
5813050455	DNp32	1	9	8	530	738	844
267551639	pC1c	2	1	2	330	502	542
5813057864	vpoDN	2	3	3	157	358	379
359744514	pC1a	2	3	3	268	336	681
297947227	SMP286	2	3	3	268	538	588
5813046951	pC1a	2	3	3	268	538	588
517587356	SAG	2	3	3	390	500	540
267214250	pC1b	2	3	3	390	500	540
5813069072	SMP287	2	3	3	391	684	768
392821837	pC1b	2	3	3	398	530	577
5813069859	AstA1	2	3	3	403	522	573
356818551	LPN	2	3	3	403	522	573
480029788	LPN	2	3	3	403	642	715
450034902	LPN	2	3	3	403	642	715
5813009445	SLP259	2	3	3	466	925	700
5813055904	aSP-f1B	2	3	6	391	671	1158
5813068453	SMP287	2	3	6	391	806	923
5813056909	SLP410	2	4	136	655	985	740
882239837	PFL2	3	5	5	9	9	14
5813061260	OA-VPM3	3	5	5	13	13	281
329566174	OA-VPM3	3	5	5	13	166	207
666994301	PFL3	3	5	5	111	162	351
911569552	PFL3	3	5	12	111	162	18
789130596	PFL3	3	5	12	111	162	351
550319575	pC1c	4	1	2	330	502	988
5813021192	LNd	4	1	2	403	522	591
917643796	OA-ASM2	4	7	6	20	1026	1221
485934965	oviIN	4	7	6	330	739	845
5813056917	LNd	4	7	6	403	522	591
450971893	SLP410	4	7	6	504	692	778
519949044	oviDNb	4	7	6	527	792	907
550655668	oviDNa	4	7	6	553	859	994
579700707	SMP550	4	7	6	570	739	845
5813022337	SMP156	4	7	6	570	960	1123
673509195	MBON01	4	7	6	570	1109	1325
5813013342	pC1d	4	7	6	634	942	1098
642763374	oviDNb	4	7	6	717	501	541
544038123	mALD1	5	8	7	24	28	361
5813117385	MBON27	5	8	7	27	12	1209
5813058050	PPL102	5	8	7	62	990	1168
5812981381	PPL102	5	8	7	193	237	264
5813061538	MBON27	5	8	7	224	279	316
767473384	OA-VPM4	5	8	7	227	1274	1531
1139909038	DNa03	5	8	12	163	199	223
1353043462	OA-VUMa1	5	8	12	209	286	286
1479618250	OA-VUMa1	5	8	12	209	318	286
861665641	MBON12	6	9	8	92	112	122
704466265	MBON12	6	9	8	92	112	122
483017681	LHAD1b2_b	6	9	8	210	563	828
573683438	LHAD1b2_b	6	9	8	210	695	781
5813052205	LHAD1b2_c	6	9	8	210	800	918
543321179	LHAD1b2_c	6	9	8	210	800	918
574040939	LHAD1b2_c	6	9	8	210	800	918
824349873	LHAD1b2_a	6	9	8	210	803	289
769199010	LHAD1b2_a	6	9	8	210	803	289
606461310	LHAD1b2_a	6	9	8	210	803	289
544107335	LHAD1b2_a	6	9	8	210	803	289
762274975	LHAD1b2_c	6	9	8	210	803	289
544107243	LHAD1b2_d	6	9	8	210	803	289
673426956	LHAD1b2_a	6	9	8	210	803	1298
5813013202	LHAD1b2_a	6	9	8	210	941	1097
5813022459	LHAD1b2_b	6	9	8	210	963	1126
1671638278	M_I2PNI20	6	9	8	226	281	318
1316245799	M_spPN4t9	6	9	8	226	281	318
1723506321	M_I2PNm14	6	9	8	291	366	407
487925037	MBON03	6	9	8	424	736	842
612371421	MBON01	6	9	8	436	744	852
5813129453	LHPD2a2	6	9	8	445	581	1065
699178922	LHPD2a2	6	9	8	445	689	773
448869118	LHPD2a2	6	9	8	445	689	773
5813014640	LHPD2a2	6	9	8	445	689	773
487925063	MBON04	6	9	8	496	745	853
613079053	MBON04	6	9	8	496	745	853
895441451	MBON26	6	9	8	721	1099	1312
912951014	MBON26	6	9	8	945	1375	1649