

北京大学暑期课《ICPC竞赛训练》

课程网页: http://acm.pku.edu.cn/summerschool/pku_acm_train.htm

郭炜



微博: http://weibo.com/guoweiofpku

学会程序和算法,走遍天下都不怕!

讲义照片均为郭炜拍摄



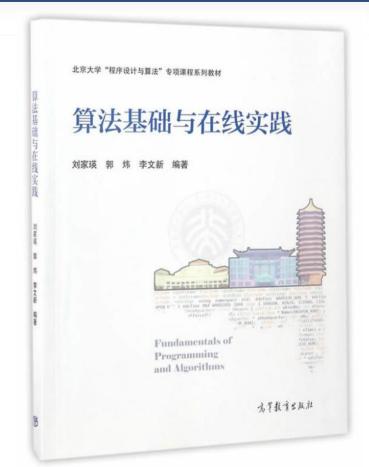
配套教材:

高等教育出版社

《算法基础与在线实践》

刘家瑛 郭炜 李文新 编著

本讲义中所有例题,根据题目名称在 http://openjudge.cn "百练"组进行搜索即可提交







Trie图的作用



法国勃朗峰



多模式串的字符串匹配问题

● 每个病毒都有特征字符串,可以看作一个模式串(子串)

● 文件包含某个病毒的特征字符串,就认为被这个病毒感染

● 杀毒软件保存了成千上万个病毒的特征字符串

● 如何只扫描文件 (母串)一遍, 就发现感染该文件的病毒

多模式串的字符串匹配问题

关键:

● 母串的当前字符,同时(O(1)时间)匹配多个模式串的当前字符

失配时(母串的当前字符,不能匹配上任意一个模式串的当前字符),母串指针不回溯,调整若干个模式串的当前字符到合适位置,继续进行匹配。相当于若干个模式串的指针同时回溯到合适位置 --- KMP 算法思想的扩展



KMP**算法回顾**



法国勃朗峰

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

母串: aabcdaakg......

子串: aabcdaaf

暴力算法母串指针需要回溯。假设前n-1个字符匹配,第n 个失配:

母串: $a_1a_2a_3....a_{n-1}a_n....$

子串: $b_1b_2b_3....b_{n-1}b_n....$

母串指针如果不回溯,直接用a_n和b₁比,可能就会忽略下面的情况:

母串: $a_1a_2a_3a_4a_5....a_{n-1}a_n....$

子串: b₁b₂...b_{i-1}b_i....b_n.....

a₄a₅....a_{n-1}a_n和 b₁b₂...b_{i-1} b_i匹配上

若发生了下述情况:

```
母串: a_1a_2a_3a_4a_5....a_{n-1}a_n....
子串: b_1b_2....b_{i-1}b_i....b_n....
a_4a_5....a_{n-1}a_n和 b_1b_2....b_{i-1}b_i匹配
```

则 $b_1b_2 ...b_{i-1}$ 是 $a_1a_2a_3a_4a_5....a_{n-1}$ 的后缀,也是 $a_1a_2a_3a_4a_5....a_{n-1}$ 的前缀

类似情况可能有多种,考察其中 b_1 位置最靠左的.则 b_1b_2 … b_{i-1} 就是所有既是 a_1 … a_{n-1} 前缀又是 a_1 … a_{n-1} 后缀的串中最长的 (不包括 a_1 … a_{n-1}) 。

发生了下述情况时:

```
母串: a_1a_2a_3a_4a_5...a_{n-1}a_n...
```

子串: $b_1b_2...b_{i-1}b_i....b_n....$

$$a_4 a_5 \dots a_{n-1} a_n$$
 和 $b_1 b_2 \dots b_{i-1} b_i$ 匹配

接下来要比较的就是a_n和b_i那么,不如当初母串指针不要回溯,直接比较a_n和b_i----前提是:

找到了一个既是 a_1 a_{n-1} 前缀又是 a_1 a_{n-1} 后缀的最长的串 b_1b_2 b_{i-1} .

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

↓ .

母串: acabacakg......

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

母串: acabacakg......

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

母串: acabacakg......

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

母串: acabaca<mark>k</mark>g......

KMP算法是如何避免母串指针回溯的?

 \downarrow

母串: aabcdaakg......





美国黄石公园大棱镜温泉

如果有多个子串:

母串: abcdekg......

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4:dek

子串5: sdecse

希望母串指针不回溯,要记住已经匹配了哪些子串的前缀。

在一个子串的失配位置,还应该和别的子串进行比较,是有可能匹配上的。

如果有多个子串:

母串: abcdekg......

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: dek

子串5: sdecse

希望母串指针不回溯,要记住已经匹配了哪些子串的前缀。

在一个子串的失配位置,还应该和别的子串进行比较,是有可能匹配上的。

如果有多个子串:

母串: abcdekg......

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: dek

子串5: sdecse

希望母串指针不回溯,要记住已经匹配了哪些子串的前缀。

在一个子串的失配位置,还应该和别的子串进行比较,是有可能匹配上的。

如果有多个子串:

母串: abcdekg......

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: sdecse

如果都匹配不上,再从每个子串的开头开始匹配

如果有多个子串:

母串: abcdekg.....

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: sdecse

母串当前字符和所有字串 的头一个字符都不匹配, 则移动母串指针到下一个

字符

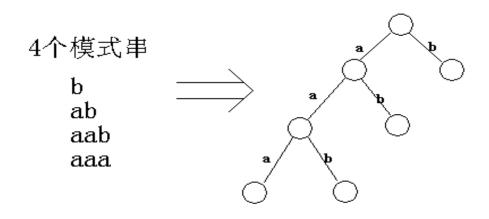


Trie树



黄石公园老忠实泉

Trie树(字典树,单词前缀树)

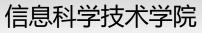


- 由若干模式串构建而成。树中任一节点p,都对应于一个字符串S, S由从根出发走到p所经过的边上的字符构成,S是一个或多个模式串的前缀。
- 任一模式串的前缀,都对应于树中的唯一节点

Trie树(字典树,单词前缀树)

为第1个模式串的长度。

```
将串s插入到根为root的trie树:
                                     struct trienode
                                         trienode * child[26] ;
void build(string s, trienode * root)
                                       //假设所有字符就是26个小写字母
                                         trienode() {
  trienode* p=root;
                                         memset(child,0,
  for (int i=0;i<s.size();++i)
                                     sizeof(child));
    if (p->child[s[i]-'a']== NULL)
                                     };
      p->child[s[i] -'a'] = new trienode(); //初始化新的节点
   p=p->child[s[i] -'a'];
将n个模式串插入到一棵单词前缀树的时间复杂度为O(Σlen(i)), 其中len(i)
```







有时也称为AC自动机, DFA

- trie图可以由trie树为基础构造出来
- ▼ 对于插入的每个模式串,其插入过程中使用的最后一个节点称 为终止节点
- 要求一个母串包含哪些模式串,以母串作为Trie图的输入,在Trie图上行走,走到终止节点,就意味着匹配了相应的模式串(没能走到终止节点,并不意味着一定不包含模式串)

模式串:

abcd

abc

abe

ae

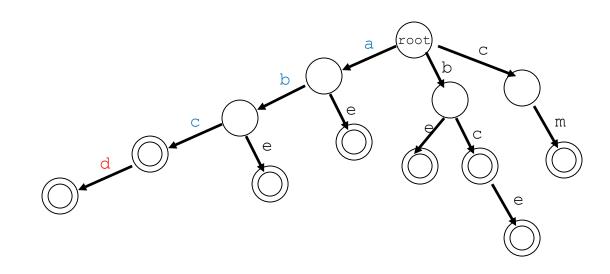
bc

be

bce

CM

母串: kcabcmgh



走不动了就回到root,从b开始继续在DFA上走。这样, 母串指针就回溯了。如何避免母串指针回溯,即如何做到 只要回到root,就直接从母串的下一个未访问过的字符开 始继续走?

Trie冬

模式串:

abcd

abc

abe

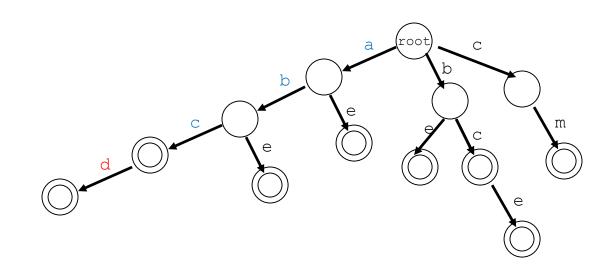
ae

bc

be

bce

cm



走不动了就回到root,从b开始继续在DFA上走。这样,母 kcabcmgh 串指针就回溯了。如何避免母串指针回溯,即如何做到只要 回到root,就直接从母串的下一个字符开始继续走?

关键: 要记住哪些模式串的哪个前缀已经被匹配

模式串:

abcd

abc

abe

ae

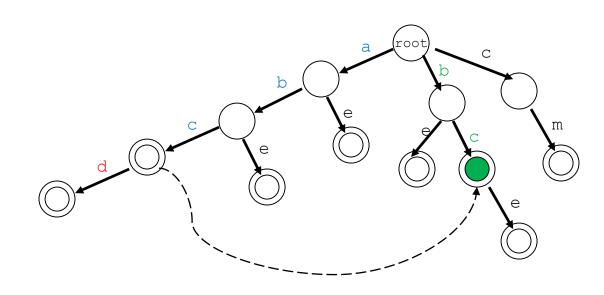
bc

be

bce

cm

母串: kcabcmgh



发现绿色节点对应的字符串是已经匹配的母串 abc 的后缀(bc一定是某个子串的前缀),那么就应该让母串中abc的后一个字符继续和绿色节点出发的字符匹配,即试图匹配一个前缀为bc的子串。

模式串:

abcd

abc

abe

ae

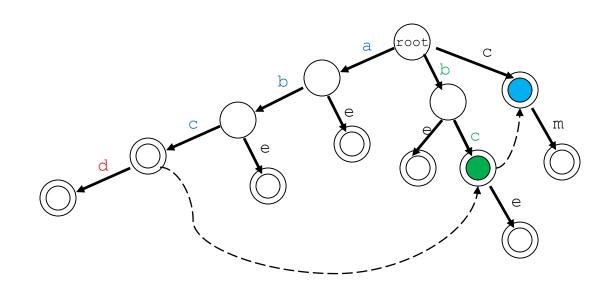
bc

be

bce

cm

母串: kcabcmgh



m和e失配。但是发现蓝色节点节点对应的字符串是已经 匹配的母串 abc 的后缀c,那么就应该让母串中 abc 的后一个字符继续和蓝色节点出发的字符匹配

模式串:

abcd

abc

abe

ae

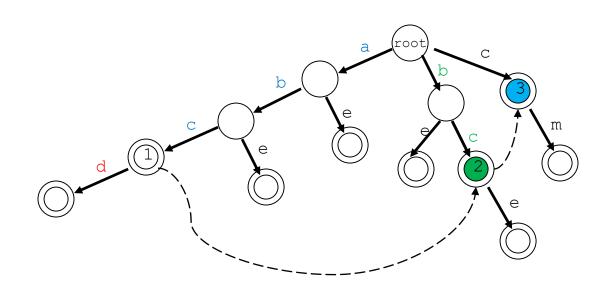
bс

be

bce

CM

母串: kcabcmgh



要想办法在Trie图上走时,可以从 1->2->3

Trie冬

如果有多个子串:

abcdekg.....

子串1: abcdegc

子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: sdecse 如果都匹配不上,再从每个子串的 开头开始匹配.相当于在trie图上回

到root

在trie图上回到root就意味着现在还 没有任何一个子串被匹配上任何一 个字符(以前即便完整匹配了,也 是以前的事情)



如果有多个子串:

母串: abcdekg......

子串1: abcdegc

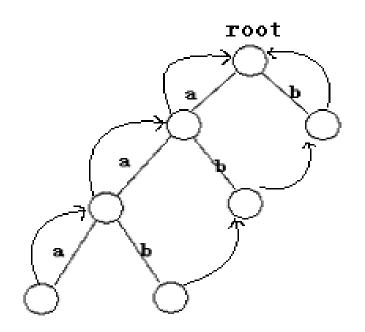
子串2: abcdeuae

子串3: cden

子串4: sdecse

前缀指针

- 对树上的每一个节点建立一个前缀指 针
- 前缀指针的定义和KMP算法中的next 数组相类似
- 若节点₽对应的字符串为S, 节点₽的 前缀指针须指向节点Q, Q对应的字符 串为T,则
 - 1) T是S的一个后缀,
 - 2) 『是某些模式串的前缀(废话)
 - 3) T满足1),2)的最长的
- 4) T不可等于S,可以为空串(此时Q就是root)



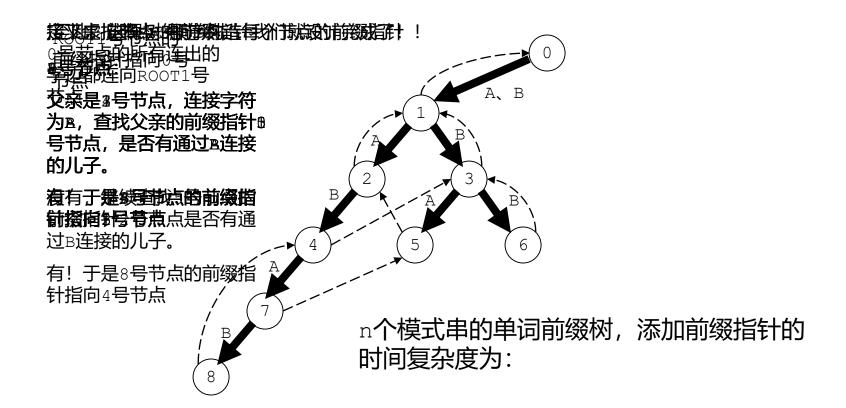
在Trie树上添加前缀指针

用BFS按深度由浅到深求每一个节点的前缀指针

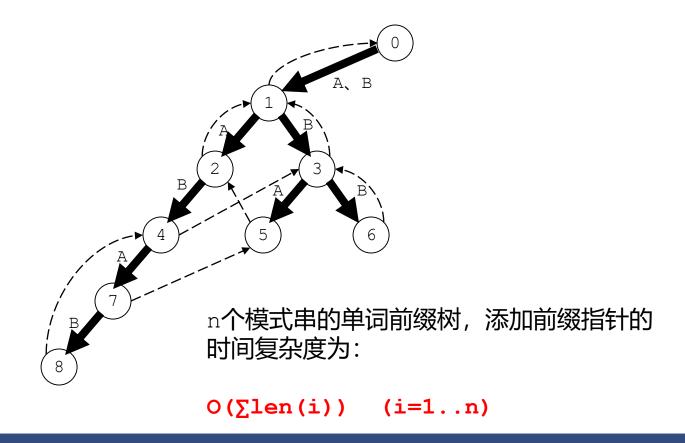
对于当前节点 P,设其父节点与其连边上的字符为Ch。若父节点的前缀指针所指向的节点 Q 有儿子 R,且边(Q ,R)上的字母是Ch,则 P 的前缀指针指向 R 。若无这样的R,则通过Q的前缀指针继续向上查找,直到到达root。

前缀指针总是指向层次更高(浅)的节点

在Trie树上添加前缀指针



在Trie树上添加前缀指针



如果为节点 P 添加前缀指针时,沿前缀指针链往上走了很多层,则为P的儿子添加前缀指针时,就能迅速到达高层,不会再往上走很多



在Trie图上做多字 符串匹配



黄石大峡谷

在Trie图上遍历母串

对母串S,要将其在Trie图上遍历,看其是否包含某些Trie图中的模式串

危险节点的概念:

- 1) 终止节点是危险节点
- 2) 如果一个节点的前缀指针指向危险节点,那么它也是危险节点。

在Trie图上遍历母串

- 从ROOT出发,按照母串指针指向的字符ch在图上移动。
- 若当前点P不存在通过ch连接的儿子,则考查 P 的前缀指针指向的节点Q,若Q也没有通过ch连接的儿子,再考查Q的前缀指针指向的节点…直到找到通过ch连接的儿子(最终一定能找到,就是root),再母串指针前进,继续遍历。
- 若遍历过程中经过了某个终止节点,则说明S包含该终止节点代表的模式串.
- 若遍历过程中经过了某个非终止节点的危险节点,则可以断定S包含某个模式串。要找出是哪个,沿着危险节点的前缀指针链走,碰到终止节点即可。
- 遍历一个串S的时间复杂度是O(len(S))

关于复杂度O(len(S))的解释

- 1) 母串每过掉一个字符,不论该字符是匹配上了还是没匹配上,在trie图上最多往下走一层(层的概念来自原trie树)。
- 2) 一个节点的前缀指针总是指向层次更高的节点,所以每沿着前缀指针走一步, 节点的层次就会向上一层
- 3) 母串 S 最终被过掉了 len(S)个字符,所以最多向下走了len(S)次。

最多向下走len(S)次,那么就不可能向上走超过Len(S)次,因此沿前缀指针走的次数,最多不会超过len(S)



信息科学技术学院

例题1 多模式串字符串匹 配模板题



多模式串字符串匹配模板题

```
给N个模式串,以及M个句子,判断每个句子里是否包含模式串
句子和模式串都由小写字母组成。N,M <= 1000
每个模式串长度不超过20,每个句子长度不超过1000
样例输入
abc
def
gh
2
abcddddddddddd
akggggg
样例输出
YES
NO
```

```
int n,m;
const int MAXN = 1010;
char str[MAXN];
const int LETTERS = 26;
int nNodesCount = 0;
struct CNode
       CNode * pChilds[LETTERS];
       CNode * pPrev; //前缀指针
       bool bBadNode; //是否是危险节点
       CNode() {
              memset(pChilds, 0, sizeof(pChilds));
              bBadNode = false;
              pPrev = NULL;
};
CNode Tree[20000]; //1000个模式串,每个20个字符,每个字符一个节点,也只要
20000个节点
```

```
void Insert( CNode * pRoot, char * s)
{//将模式串s插入trie树
      for ( int i = 0; s[i]; i ++ ) {
            if( pRoot->pChilds[s[i]-'a'] == NULL) {
                  pRoot->pChilds[s[i]-'a'] =
                        Tree + nNodesCount;
                  nNodesCount ++;
            pRoot = pRoot->pChilds[s[i]-'a'];
      pRoot-> bBadNode = true;
```

```
void BuildDfa() { //在trie树上加前缀指针
    for(int i = 0;i < LETTERS;i ++ )
        Tree[0].pChilds[i] = Tree + 1;
    Tree[0].pPrev = NULL;
    Tree[1].pPrev = Tree;
    deque<CNode * > q;
    q.push_back(Tree+1);
```

```
while( ! q.empty() ){
      CNode * pRoot = q.front();
      q.pop_front();
      for( int i = 0; i < LETTERS ; i ++ ) {
             CNode * p = pRoot->pChilds[i];
             if(p) {
                 CNode * pPrev = pRoot->pPrev;
                 while( pPrev->pChilds[i] == NULL)
                    pPrev = pPrev->pPrev;
                p->pPrev = pPrev->pChilds[i];
                 if( p->pPrev-> bBadNode)
                    p-> bBadNode = true;
             //前缀指针指向的节点是危险节点,则自己也是危险节点
                q.push back(p);
  //对应于while(!q.empty())
```

```
bool SearchDfa(char * s)
{//返回值为true则说明包含模式串
       CNode * p = Tree + 1;
       for( int i = 0; s[i]; ++i) {
              while( p->pChilds[s[i]-'a'] == NULL)
                     p = p-pPrev;
              p = p \rightarrow pChilds[s[i] - 'a'];
              if( p-> bBadNode)
                     return true;
       return false;
```

```
int main()
       nNodesCount = 2;
       scanf("%d", &n);
       for ( int i = 0; i < n; ++i ) {
               scanf("%s",str);
               Insert(Tree + 1,str);
       BuildDfa();
       scanf("%d", &m);
       for ( int i = 0 ; i < m; i ++ ) {
               scanf("%s",str);
               if( SearchDfa(str))
                      printf("YES\n");
               else
                       printf("NO\n");
       return 0;
```



例题2 躲不开的病毒



美国太浩湖

有若干种病毒,每种病毒的特征代码都是一个01串。 每个程序也都是一个01串。问是否存在不被病毒感染(不包含任何病毒的特征代码)的无限长的程序。

所有的病毒的特征代码总长度不超过30000

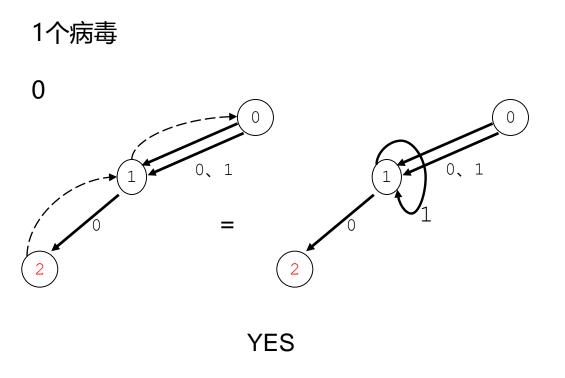
如果存在无限长的安全母串,在Trie图上,从根节点出发遍历该母串 ,则可以永远不停地走下去,即走无限步,都不会路过危险节点。

如果存在无限长的安全母串,在Trie图上,从根节点出发遍历该母串,则可以永远不停地走下去,即走无限步,都不会路过危险节点。

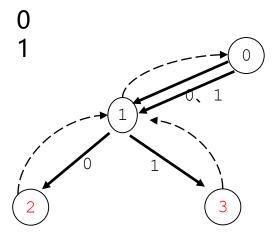
因此,问题等价于能否在Trie图上走无穷多步而不经过危险节点。

用 DFS 从root出发遍历Trie图,寻找环:

- 1) 只有字母边才算是有向图的边
- 2) 不能走危险节点
- 3) 从一个节点P出发进行DFS时,考查所有字母。对于字母ch,若字母边存在,则沿着该字母边往前走,若字母边不存在,则必须顺着前缀指针链进行跳跃,最终沿一条字母边ch到达节点Q ---- 等价于P有字母边ch连到Q。也可以改图,直接加上这些字母边,然后再从root做 DFS。在修改过的图上DFS时,须忽略所有前缀指针。
- 4) 如果一个节点的所有字母边都不为NULL,则该节点的前缀指针视为不存在,不能通过它跳跃
- 5) 若能走回到DFS当前路径上的节点 (栈中的节点),则发现环



2个病毒:



NO



例题3 DNA Repair



美国科罗拉多大峡谷

给定由 'A', 'G', 'C', 'T' 四个字母组成的不超过50个模式串,每个模式串长度不超过20,再给一个不超过1000个字符的同样由上述字母组成的母串S,问在S中至少要修改多少个字符,才能使其不包含任何模式串。

```
Sample Input
2
AAA
AAG
AAAG
2
A
TG
TGAATG
4
A
```

G

T

AGT

Sample Output Case 1: 1 Case 2: 4 Case 3: -1

dp[i][j] 表示若要用长度为i的母串的前缀遍历Trie图,使之达到节点j,至少要修改多少个字符。j 是安全节点。

初始情况:

dp[0][1] = 0 //1是Trie图的 root (0号节点不是root)

其他所有 dp [i][j] 为无穷大

问题的答案就是

min { dp[len][j] | j 是安全节点 }

len是母串的长度

递推公式:

```
由 dp[i][j] 可以推出:
```

```
dp[i+1][son(j)] = min { dp[i+1][son(j)], dp[i][j] + (Char(j,son(j)) != str[i] ) }
( Char(j,son(j) ) != str[i] ) 表达式值为0或1
```

Char(j,son(j))表示从节点 j 走到节点 son(j)所经过的字母

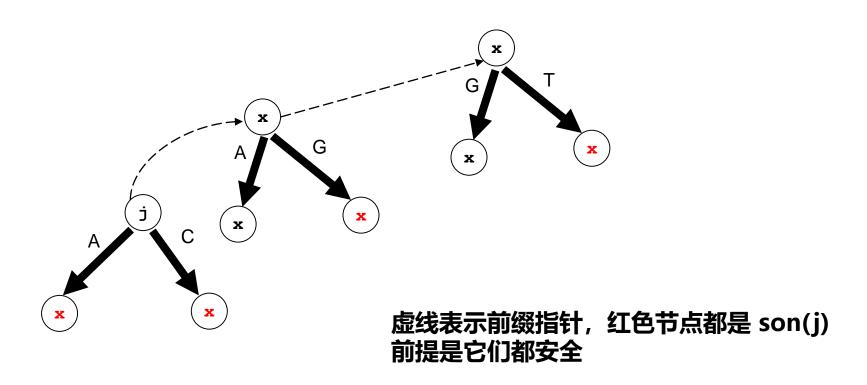
str是母串,下标从0开始算

"我为人人"方式的动规

Char(j,son(j))表示从j到son(j)经过的字母,假设是a。

这里所说的"经过",不仅指从 j 通过一条字母a边直接到达son(j), 也可以是通过若干前缀指针后再通过一个字母a边到达son(j)

所以son(j)并不只是 j 的子节点。





例题4 Censored!



美国科罗拉多大峡谷

例题4: POJ1625 Censored!

给出一个字符集V和P个模式串(长度小于10),问由这个字符集中字符组成的长度为N的且不包含任意一个模式串的字符串有多少个? (字符集大小,N<=50, P<= 10)

ì	1.57	1-	LLA	\	
7	羊	(b)		λ	•
1		ייכו	愉.	/ 🔪	•

2 3 1 //N=3 P=1

ab //字符集为ab

bb

样例输出:

5

样例解释:

aaa

aab

aba

baa

bab

以上5个

例题4: POJ1625 Censored!

dp[i][j]表示长度为i且能走到节点j的字符串个数(节点j是安全节点)

初始dp[0][1] = 1, 其他dp[i][j] = 0

对每个由j一步可以到达的安全节点son(j),都应执行:

dp[i+1][son(j)] += dp[i][j]

因为从根走i步到达节点j有 n种走法,那么走i+1步到达son(j)的走法就要加n (j以外节点也可能通过一步走到son(j))

整个问题最终的答案就是:

∑ { dp[N][j] | j 是安全节点 }

此题需要高精度计算。类似题: POJ2778 DNA Sequence