



所有产品 ▼

目录产品 技术服务 技术支持 关于我们 首页 联系我们 文章引

首页 技术支持 在线工具

查找回文序列

技术支持

该工具查找序列中的回文序列,在下面的文本框中输入核酸序列及回文序列的长度范围。 核酸序列中的'U' 将会被替换成 'T'.

1. 序列 (非Fasta格式,A、T、G、C、U和简并碱基以外的字符将被过滤掉):

全长:960

541	CGC TCG	G GGC	CCG	CAA	ATC	CGC	GGC	CAG	GTG	TTG	ATC	TAT	CCG	TGG	GTT	GAC	GAT	GGC	ATG		
601	GAC TAC	C GTG	TCC	ATG	CGG	CAG	TAT	GCG	GAT	ATT	GCG	CCT	GTG	AGG	GAC	GTG	GAC	GCC	GCC		
661	GTG TTG	G GCT	AAT	TAT	GCG	TTT	GGC	GAG	AGG	CGC	GAG	CAC	GCG	GAT	ATG	TAT	ACT	GTG	CCG		
721	ATG CGC	C GCG	ACG	AAT	TTC	GCG	GGC	TTG	CCC	CCG	ACG	TTT	ATC	GAT	GTG	GGT	GAG	GCG	GAT		
781	GTG TTT	r cgt	GAT	CAG	GAT	ATC	GCG	TAC	GCG	TCG	GCT	TTG	TGG	AAG	GAT	GGT	GTC	TCG	ACT		
841	GAG TTG	G CAT	CTG	TGG	CCG	GGC	AGT	TGG	CAT	GGG	TTT	GAT	GTC	TTT	GTT	CCT	GAT	GCT	CCC		
901	ATT AGT	r cgg	CGG	GCG	AGG	GCT	GCT	CGG	TTG	GAA	TGG	CTT	CGG	AAG	TTG	TTA	AGT	GTG	CCT		

2. 回文序列的长度范围: 4 - 8

Submit

Clear

Position	Sequence	Length
12	AATT	4
20	GATC	4
47	ACGT	4
86	AATT	4
100	cgcg	4
134	ATAT	4
187	GGCC	4
207	GGCC	4
244	ATCGAT	6
245	TCGA	4
283	GGCC	4



常见问题

定制抗体

定制多肽

蛋白表达

基因合成

实验指南 在线工具

质粒载体

Position	Sequence	Length
318	CATG	4
323	TCGA	4
332	TCGA	4
359	ceecce	6
360	GGCC	4
366	GTAC	4
379	CCGG	4
399	CCAGCTGG	8
400	CAGCTG	6
401	AGCT	4
412	AGCT	4
420	CGCG	4
421	GCGC	4
424	CTGCAG	6
425	TGCA	4
452	AGCT	4
467	CGCG	4
468	GCGC	4
473	AGCT	4
490	AGCT	4
531	cecece	6
532	GCGC	4
533	cgcg	4
545	ceeccce	8
546	eeeccc	6



Position	Sequence	Length
547	GGCC	4
558	ccgcgg	6
559	CGCG	4
562	GGCC	4
573	GATC	4
597	CATG	4
605	ACGT	4
612	CATG	4
629	ATAT	4
634	GCGC	4
647	ACGT	4
669	TAATTA	6
670	AATT	4
690	GCGC	4
691	CGCG	4
699	CGCG	4
704	ATAT	4
708	GTATAC	6
709	TATA	4
723	GCGCGC	6
724	cecece	6
725	GCGC	4
726	CGCG	4
733	AATT	4
738	CGCG	4



Position	Sequence	Length
754	ACGT	4
760	ATCGAT	6
761	TCGA	4
789	TGATCA	6
790	GATC	4
796	GATATC	6
797	ATAT	4
801	CGCG	4
802	GCGTACGC	8
803	CGTACG	6
804	GTAC	4
806	ACGCGT	6
807	CGCG	4
835	TCGA	4
845	TGCA	4
854	GGCC	4
856	CCGG	4
868	CATG	4
949	TTAA	4

什么是回文序列?

回文序列指的是双链DNA或RNA分子中的特定的核苷酸片段,该片段在其中一条链上按5'到3'读取的序列与其互补链上按相同的5'到3'读取的序列一致。回文序列的单链DNA或RNA,存在对称中心,对称中心两侧碱基关于该对称中心对称,可形成互补。故回文序列能够形成发夹结构(茎环结构)。回文序列广泛存在于各种生物体基因组中,主要和转录终止有关,也是限制性内切酶酶切位点,还参与DNA复制等生命活动。

参考文献

• "Palindromic Sequences." Wikipedia. Wikimedia Foundation, 11 Aug. 2012. Web. 07 Dec. 2012.

上海市松江区明南路288弄1号512

+86-021-6l94l042

✓ support@novopro.cn

🎭 微信

Copyright © 2014 上海纽普生物科技有限公司. 沪ICP备16023843号

🥯 沪公网安备 31011202008153号



