链表代码题

1. 在带头结点的单链表工中,删除所有值为x的结点,并释放其空间,假设值为x的结点不唯一,试编写算法以实现上述操作。

思路

遍历, 删除

代码

```
void Del_x_l(LinkList &L,ElemType x)
{
    LNode *p = L->next;=,*pre=L,*q;
    while(p!=NULL)
    {
        if(p->data==x)
        {
            q=p;
            p=p->next;
            pre->next=p;
            free(q);
        }
        else{
            pre=p;
            p=p->next;
        }
    }
}
```

1. 试编写在带头结点的单链表L中删除一个最小值结点的高效算法(假设该结点唯一)。

思路

遍历, 记录, 删除

```
LinkList Delete_Min(LinkList &L)
{
    LNode *pre=L,*p=pre->next;
```

1. 试编写算法将带头结点的单链表就地逆置,所谓"就地"是指辅助空间复杂度为 O(1)

思路

头节点摘下, 依次使用头插法

代码

```
LinkList Reverse_1(LinkList L)
{
    LNode *p,*r;
    p=L->next;
    L->next=NULL;
    while(p!=NULL)
    {
        r=p->next;
        p->next=L->next;
        L->next=p;
        p=r;
    }
    return L;
}
```

1. 设在一个带表头结点的单链表中,所有结点的元素值无序,试编写一个函数,删除表中所有介于给定的两个值(作为函数参数给出)之间的元素(若存在),

代码

1. 给定两个单链表,试分析找出两个链表的公共结点的思想(不用写代码)。

思路

有公共节点, 尾节点一定重合, 直接遍历尾节点是否一样

1. 设C={a1,b1,a2,b2,···,anbn}为线性表,采用带头结点的单链表存放,设计一个就地算法,将其拆分为两个线性表,使得A={a1,a2,···,an},B={bn···,b2,b1}。

思路

算法思想:循环遍历链表C,采用尾插法将一个结点插入表A,这个结点为奇数号结点,这样建立的表A与原来的结点顺序相同:采用头插法将下一结点插入表B,这个结点为偶数号结点.

这样建立的表B与原来的结点顺序正好相反。

```
LinkList DisCreat 2(LinkList &A)
     LinkList B = (LinkList)malloc(sizeof(LNode));
     B->next = NULL;
     LNode *p=A->next,*q;
     LNode *ra = A;
     while(p!=NULL)
           ra->next=p;
           ra=p;
           p=p->next;
           if(p!=NULL)
                 q=p->next;
                 p->next =B->next;
                 B->next=p;
                 p=q;
     ra->next=NULL:
     return B;
```

1. 在一个递增有序的单链表中,存在重复的元素。设计算法删除重复的元素,例如 (7,10,10,21.30,42.42.42.51.70)将变为(7、10,21.30.42.51.70).

思路

遍历, 如果想等保留, 不相等删除

```
else
     p=p->next;
}
```

1. 设A和B是两个单链表(带头结点),其中元素递增有序。设计一个算法从A和B中的公共元素产生单链表C,要求不破坏A、B的结点,

思路

```
void Get-Common(LinkList A, LinkList B)
     LNode *p=A->next,*q=b->next,*r,*s;
     LinkList C =(LinkList)malloc(sizeof(LNode));
     r=C:
     while(p!=NULL&&q!=NULL)
           if(p->data>q->data){
                       q=q->data;
           else if(p->data<q->data)
                 p=p->next;
           else
                 s = (LNode *)malloc(sizeof(LNode));
                 s->data=p->data:
                 r->next=s;
                 r=s;
                 p=p->next;
                 q=q->next;
     r->next=NULL;
```

1. 已知两个链表A和B分别表示两个集合,其元素递增排列。编制函数,求A与B的交集,并存放于A链表中。

思路

归并

```
LinkList Union(LinkList *la,LinkList *lb)
     LNode *pa=la->next;
     LNode *pb=lb->next;
     LNode *u ,*pc=la;
     while(pa&&pb)
           if(pa->data==pb->data)
                 pc->next=pa;
                 pc=pa;
                 pa=pa->next;
                 u=pb;
                 pb=pb->next;
                 free(u);
           if(pa->data<pb->data)
                 u=pa;
                 pa=pa->next;
                 free(u);
           if(pa->data>pb->data)
                 u=pb;
                 pb=pb->next;
                 free(u);
     while(pa)
           u=pa;
           pa=pa->next;
           free(u);
     while(pb)
           u=pb;
           pb=pb->next;
           free(u);
     pc->next=NULL;
     free(lb);
     return la;
```

1. 两个整数序列A=a1,a2,a3,…,am和B=b1,b2,b,…,bn已经存入两个单链表中,设计一个算法,判断序列B是否是序列A的连续子序列。

思路

遍历A,用b的第一个值比较再依次比较

代码

```
int pattern(LinkList A,LinkList)
     LNode *p=A;
     Lnode *q=B;
     LNode *pre = p;
     while(p&q)
           if(p->data=q->data){
                 p=p->next;
                 q=q->next;
           else
           {
                 pre=pre->next;
                 p=pre;
                 q=B;
           if(q=NULL){
                 return 1;
           else
                 return 0;
```

1. 设计一个算法用于判断带头结点的循环双链表是否对称

思路

双向遍历

1. 有两个循环单链表,链表头指针分别为h1和h2,编写一个函数将链表h2链接到链表h1之后,要求链接后的链表仍保持循环链表形式。

思路

找为指针

代码

1. 设有一个带头结点的非循环双链表L,其每个结点中除有pre、data和next城外,还有一个访问频度城freq,其值均初始化为零.每当在链表中进行一次Locate(L,x)运算

时,令值为×的结点中freq域的值增1,并使此链表中的结点保持按访问频度递减的顺序排列,且最近访问的结点排在频度相同的结点之前,以便使频繁访问的结点总是靠近表头。试编写符合上述要求的工ocate(L,)函数,返回找到结,点的地址,类型为指针型

思路

算法思想: 首先在双向链表中查找数据值为×的结点, 查到后, 将结点从链表上摘下, 然后

顺着结点的前驱链查找该结点的插入位置(频度递减,且排在同频度的第一个,即向前找到第一

个比它的频度大的结点,插入位置为该结点之后),并插入到该位置。

```
DLinkList Locate(DLinkist &L, ElemType x)
      DNode *p = L->next, *q;
     while (p\&\&p->data!=x)
            p=p->next;
      if(!p)
           exit(0);
      else
      {
            p->freq++;
           if(p->prior==Lllp->prioe->freq>p->freq)
                  return p;
           if(p->next!=NULL)
                  p->next->pre=p->pre;
            p->pre->next=p->next;
            q=p->pre;
            while (q!=L\&\&q->q->freq<=p->freq)
                  q=q->pre;
            p->next=q->next;
            if(q->next!=NULL)
                  q->next->pre=p;
            p->pre=q;
            q->next=p;
     return p;
```

1. 没将n(n>1)个整数存数到不带头结点的单链表L中,没计算法将L中保存的序列循环 右移k(0<k<n)个位置。例如,若k=1,则将链表{0,1,2,3}变为{3,0,1,2}。要求: 1)给 出算法的基本设计思想。2)根据设计思想,采用C或C++语言描述算法,关键之处给 出注释。3)说明你所设计算法的时间复杂度和空间复杂度。

思路

首先,遍历链表计算表长,并找到链表的尾结点,将其与首结点相连,得到一个循环单链

表。然后,找到新链表的尾结点,它为原链表的第一k个结点,令工指向新链表尾结点的下一

个结点, 并将环断开, 得到新链表。

代码

时间复杂度

时间复杂度 O(n) ,空间复杂度 O(1)

1. 单链表有环,是指单链表的最后一个结点的指针指向了链表中的某个结点(通常单链表的最后一个结点的指针域是空的)。试编写算法判断单链表是否存在环。1)给出算法的基本设计思想。2)根据设计思想,采用C或C++语言描述算法,关键之处给出注释。3)说明你所设计算法的时间复杂度和空间复杂度。

思路

快慢指针

代码

```
LNode* FindLoopStart(LNode *head) {
    LNode *fast =head,*slow = fast;
    while(fast!=NULL&&fast->next!=NULL) {
        slow=slow->next;
        fast=fast->next-next;
        if(slow==fast)
            break;
    }
    if(fast==NULL&&fast->next==NULL)
        return NULL;
    LNode *p1=head,*p2=slow;
    while(p1!=p2) {
        p1=p1->next;
        p2=p2->next;
    }
    return p1;
}
```

时间复杂度

时间复杂度 O(n) , 空间复杂度 O(1)

1. 设有一个长度n(n为偶数)的不带头结点的单链表,且结点值都大于0,设计算法求这个单链表的最大孪生和。孪生和定义为一个结点值与其孪生结点值之和,对于第i个结点(从0开始),其孪生结点为第n-i-1个结点。要求:1)给出算法的基本设计思想。2)根据设计思想,采用C或C+语言描述算法,关键之处给出注释。3)说明你的算法的时间复杂度和空间复杂度。

思路

1)算法的基本设计思想:

设置快、慢两个指针分别为fast和slow,初始时s1ow指向工(第一个结点),fast指向L->next(第二个结点),之后slow每次走一步,fast每次走两步。当fast指向表尾(第n个结点)时,s1ow正好指向链表的中间点(第n/2个结点),即s1ow正好指向链表前半部分的最后一个结点。将链表的后半部分逆置,然后设置两个指针分别指向链表前半部分和后半部分的首结点,在遍历过程中计算两个指针所指结点的元素之和,并维护最大值。

```
int PairSum(LinkList L)
     LNode *fast =L->next, *slow=L;
     while(fast!=NULL&&fast->next!=NULL)
           fast=fast->next->next:
           slow=slow->next:
     LNode *newHead=NULL,*p=slow->next,*tmp;
     while(p!=NULL)
           tmp=p->next;
           p->next=newHead;
           newHead=p;
           p=tmp;
     int mx=0:
     p=L;
     LNode *q=newHead;
     while(p!=NULL)
           if((p->data+q->data)>mx)
                mx=p->data+q->data;
           p=p->next;
           q=q->next;
     return mx:
```

时间复杂度

时间复杂度 O(n) , 空间复杂度 O(1)

1. 【2009统考真题】已知一个带有表头结点的单链表,结点结构为

data link

假设该链表只给出了头指针List。在不改变链表的前提下,请设计一个尽可能高效的算法,查找链表中倒数第k个位置上的结点(k为正整数),.若查找成功,算法输出该结点的data域的值,并返回1:否则,只返回0。要求:

- 1)描述算法的基本设计思想。
- 2)描述算法的详细实现步骤

3)根据设计思想和实现步骤,采用程序设计语言描述算法(使用C、C+或Java语言实现),关键之处请给出简要注释。

思路

双指针步频差k

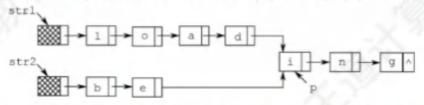
代码

```
typdef int ElemTypre;
typedef struct LNode
      ElemType data;
      struct LNode *link;
}LNode *LinkList;
int Search_k(LinkList list,int k)
      LNode *p =list->link, *q=list->link;
      int count=0;
      while(p!=NULL)
            if(count<k)</pre>
                   count++;
                   else
                         q=q->link;
                   p=p->link;
      if(count<k)</pre>
            return 0;
      else {
            printf("%d",q->data);
            return 1;
```

时间复杂度

时间复杂度 O(n), 空间复杂度 O(1)

【2012 统考真题】假定采用带头结点的单链表保存单词,当两个单词有相同的后缀时,可共享相同的后缀存储空间,例如,loading和being的存储映像如下图所示。



设 strl 和 str2 分別指向两个单词所在单链表的头结点,链表结点结构为 data next,请设计一个时间上尽可能高效的算法,找出由 strl 和 str2 所指向两个链表共同后缀的起始位置(如图中字符 i 所在结点的位置 p)。要求:

- 1)给出算法的基本设计思想。
- 2) 根据设计思想,采用 C 或 C++或 Java 语言描述算法,关键之处给出注释。
- 3) 说明你所设计算法的时间复杂度。

思路

先遍历长链表比短链表长的部分, 再同步遍历

```
typedef struct Node{
      char data:
      struct Node *next;
}SNode;
int listlen(SNode *head){
      int len =0:
      while(jead->next!=NULL)
            len++:
            head=head->next:
      return len:
SNode* find list(SNode *str1, SNode *str2)
      int m,n;
      SNode *p,*q;
      m=listlen(str1);
      n=listlen(str2);
      for(p=str1;m>n;m--)
            p=p->next:
      for(q=str2;n>m;n--)
```

```
{
    q=q->next;
}
while(p->next!=NULL&&p->next!=q->next){
    p=p->next;
    q=q->next;
}
return p->next;
}
```

时间复杂度

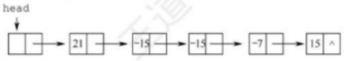
o(max(len1, len2))

19. 【2015 统考真题】用单链表保存 m 个整数,结点的结构为 [data] [link],且|data|≤ n(n为正整数)。现要求设计一个时间复杂度尽可能高效的算法,对于链表中 data 的

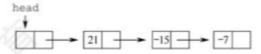
第2章 线性表 -

45

绝对值相等的结点,仅保留第一次出现的结点而删除其余绝对值相等的结点。例如,若 给定的单链表 head 如下:



则删除结点后的 head 为



要求:

- 1)给出算法的基本设计思想。
- 2) 使用 C或 C++语言,给出单链表结点的数据类型定义。
- 3) 根据设计思想,采用 C 或 C++语言描述算法,关键之处给出注释,
- 4) 说明你所设计算法的时间复杂度和空间复杂度。

思路

辅助数组,空间换时间

```
typedef struct node{
     int data;
     struct node *Link:
}NODE;
Typedef NODE *PNODE;
void func(PNODE H, int n)
     PNODE p=h,r;
     int *q,m;
     q=(int *)malloc(sizeof(int)*(n+1));
     for(int i=0;i< n+1;i++)
           *(q+i)=0;
     while(p->link!=NULL){
           m=p->link->data>0?p->link->data:-p->link->data;
           if(*(q+m==0))
                 *(q+m)=1;
                 p=p->Link;
           else
           {
           r=p->link;
           p->link=r->link;
           free(r);
     free(q);
```

.【2019 统考真题】设线性表 $L=(a_1,a_2,a_3,\cdots,a_{n-2},a_{n-1},a_n)$ 采用带头结点的单链表保存,链表中的结点定义如下:

```
typedef struct node
{ int data;
    struct node*next;
}NODE;
```

请设计一个空间复杂度为 O(1)且时间上尽可能高效的算法, 重新排列 L 中的各结点, 得到线性表 $L'=(a_1,a_n,a_2,a_{n-1},a_3,a_{n-2},\cdots)$ 。要求:

- 1)给出算法的基本设计思想。
- 2)根据设计思想,采用 C或 C++语言描述算法,关键之处给出注释。
- 3) 说明你所设计的算法的时间复杂度。

思路

```
void change_list(NODE *h){
     NODE *p,*q,*r,*s;
     p=q=h;
     while(p->next!=NULL){
           p=p->next;
           q=q->next;
           if(q->next!=NULL)
                 q=q->next;
     q=p->next;
     p->next=NULL;
     while(q!=NULL)
           r=q->next;
           q->next=p->next;
           p->next=q;
           q=r;
     s=h->next;
     q=p->next;
     p->next=NULL;
     while(q!=NULL)
           r=q->next;
           q->next=s->next;
           s->next=q;
           s=q->next;
           q=r;
```

时间复杂度

O(n)