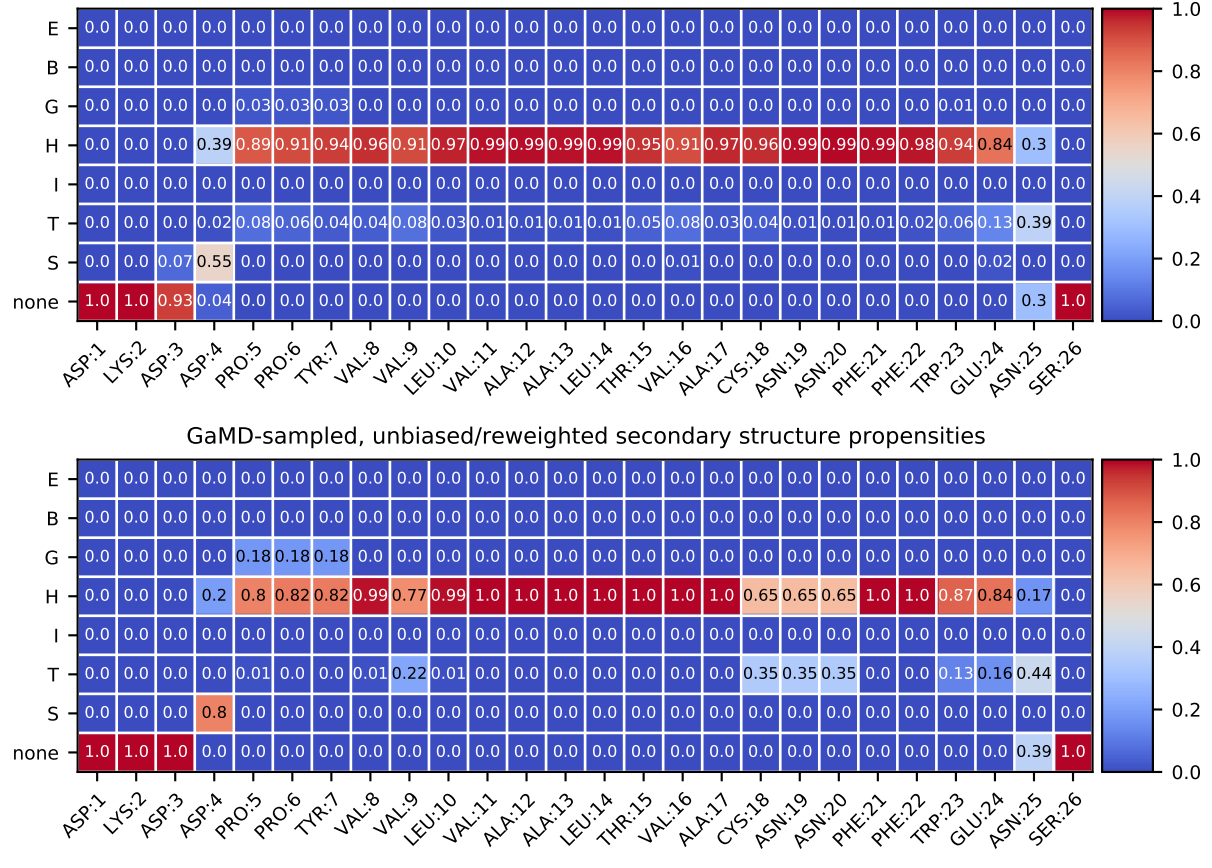
GaMD-sampled, biased secondary structure propensities
E 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
B 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
G 0.0 0.0 0.0 0.0 0.03 0.03 0.03 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.01 0.0 0.0 0.0
H 0.0 0.0 0.0 0.39 0.89 0.91 0.94 0.96 0.91 0.97 0.99 0.99 0.99 0.99 0.95 0.91 0.97 0.96 0.99 0.99 0.99 0.98 0.94 0.84 0.3 0.0
I 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
T 0.0 0.0 0.0 0.02 0.08 0.06 0.04 0.04 0.08 0.03 0.01 0.01 0.01 0.01 0.05 0.08 0.03 0.04 0.01 0.01 0.01 0.02 0.06 0.13 0.39 0.0
S 0.0 0.0 0.07 0.55 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.01 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.02 0.0 0.0
none 1.0 1.0 0.93 0.04 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.3 1.0
ASP:1 LYS:2 ASP:3 ASP:4 PRO:5 PRO:6 TYR:7 VAL:8 VAL:9 LEU:10 VAL:11 ALA:12 ALA:13 LEU:14 THR:15 VAL:16 ALA:17 CYS:18 ASN:19 ASN:20 PHE:21 PHE:22 TRP:23 GLU:24 ASN:25 SER:26
1.0 0.8 0.6 0.4 0.2 0.0
GaMD-sampled, unbiased/reweighted secondary structure propensities
E 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
B 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
G 0.0 0.0 0.0 0.0 0.18 0.18 0.18 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
H 0.0 0.0 0.0 0.2 0.8 0.82 0.82 0.99 0.77 0.99 1.0 1.0 1.0 1.0 1.0 1.0 1.0 0.65 0.65 0.65 1.0 1.0 0.87 0.84 0.17 0.0
I 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
T 0.0 0.0 0.0 0.0 0.01 0.0 0.0 0.01 0.22 0.01 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.35 0.35 0.35 0.0 0.0 0.13 0.16 0.44 0.0
S 0.0 0.0 0.0 0.8 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0
none 1.0 1.0 1.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.0 0.39 1.0
ASP:1 LYS:2 ASP:3 ASP:4 PRO:5 PRO:6 TYR:7 VAL:8 VAL:9 LEU:10 VAL:11 ALA:12 ALA:13 LEU:14 THR:15 VAL:16 ALA:17 CYS:18 ASN:19 ASN:20 PHE:21 PHE:22 TRP:23 GLU:24 ASN:25 SER:26
1.0 0.8 0.6 0.4 0.2 0.0