图像处理与模式识别大作业3: K-L人脸识别

何嘉怡, 19373611

图像处理与模式识别大作业3: K-L人脸识别

```
理论推导
pgm文件
K-L变换与PCA
代码解析
convert_pgm_P5
process_data
PCA
```

load_pic

batch test

main

运行步骤

结果展示

平均脸展示

理论推导

pgm文件

pgm文件的主要结构是:

- 1. 第一行内容 "P5" 表示.pgm文件的模式。
- 2. 第二行 "92, 112" 表示图片的宽度、图片的高度。
- 3. 第三行"255"表示图片数据的最大值。
- 4. 第三行之后的文件表示图片的像素值,每个像素用二进制表示。灰度值的最大值为255,那么该图像每个像素使用一个字节表示。

K-L变换与PCA

在阅读完作业要求后,我仍然对K-L变换在人脸中起到的作用不甚明朗,所以去wiki上搜索了该项的定义: K-L转换(Karhunen-Loève Transform)是建立在统计特性基础上的一种转换,它是均方差(MSE, Mean Square Error)意义下的最佳转换,因此在资料压缩技术中占有重要的地位。而联想到常见的提取特征的方法主成分分析PCA,我进一步了解了两者的区别: PCA的变换矩阵是协方差矩阵,K-L变换的变换矩阵可以有很多种(二阶矩阵、协方差矩阵、总类内离散度矩阵等等)。当K-L变换矩阵为协方差矩阵时,等同于PCA。

因此,求样本 x_i 的k维的主成分其实就是求样本集的协方差矩阵 $\frac{1}{m}XX^T$ 的前k个特征值对应特征向量矩阵P,然后对于每个样本 x_i ,做如下变换 $y_i=Px_i$,即达到降维的PCA目的。下面简单叙述PCA的算法流程。

输入: n维样本集 $X=(x_1,x_2,\cdots,x_m)$, 要降维到的维数k

输出: 降维后的样本集

- 1. 对所有的样本讲行规范化
- 2. 计算样本的协方差矩阵
- 3. 求出协方差矩阵对应的特征值和特征向量
- 4. 将特征向量按照对应特征值的大小排序,取前k行为矩阵,即为降维后的数据

PCA算法仅仅需要以方差衡量信息量,不受数据集以外的因素影响;同时各主成分之间正交,可消除原始数据成分间的相互影响的因素;同时PCA的计算方法简单,易于实现。通过PCA提取人脸的特征后,能够聚焦于主要特征之间的联系,而忽略一些细节,再通过进一步分类实现人脸识别。

代码解析

convert pgm P5

这个文件用于将原始的.pgm文件转化为存储矩阵,具体操作是:

- 1. 提取第一行, 判断是否是P5格式的文件;
- 2. 提取第二行, 判断图像的长宽;
- 3. 提取第三行,判断每个像素的最大字节数 maxval 注意此处需要对 maxval 进行判断,如果大于256表示每个像素需要两个字节存储,反之只需要一个字节。
- 4. 提取第三行之后的数据,将其转化为utf-8数据表示并存储在一个矩阵中,即为图像对应像素的原始矩阵。

```
def convert pgm P5(f):
          magic_number = f.readline().strip().decode('utf-8') # P5
          if not operator.eq(magic_number, "P5"):
4
                raise Exception ("Error with magic number.")
          width, height = f.readline().strip().decode('utf-8').split(' ') # 长宽
6
          width = int(width)
          height = int(height)
8
          maxval = f. readline(). strip() # 最大字节数
9
          if int(maxval) < 256:
                pad = 1
                pad = 2
          img = np. zeros((height, width))
```

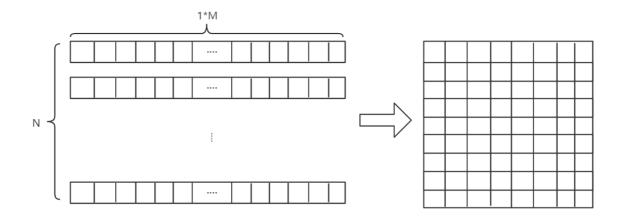
```
img[:, :] = [[ord(f.read(pad)) for j in range(width)]
for i in range(height)]
return img
```

process data

此函数表示对数据进行预处理。对于训练集中的每张图片,首先调用 $convert_pgm_P5$ 函数将pgm文件中的像素矩阵提取出来,再将该矩阵压缩到一行。最后,将每张图片压缩而成的矩阵拼接,假设一共有N张图片,每张图片压缩而成的矩阵大小是1*M,则最后得到的矩阵大小为N*M。

```
def process_data(rootDir):
2
            mat = None
            cnt = 0
4
            for _, dirs, _ in os.walk(rootDir):
                  for dir in dirs:
                        for _, _, files in os.walk(os.path.join(rootDir, dir)):
6
                              for file in files:
                                    if os.path.splitext(file)[1] == '.pgm':
8
9
                                           f = open(os.path.join(rootDir, dir, file), 'rb')
                                           img = convert_pgm_P5(f)
                                           img = img. reshape(1, -1)
                                           if cnt == 0:
12
                                                mat = img
14
                                           else:
                                                mat = np.concatenate((mat, img), axis=0)
16
                                           cnt += 1
            return [mat, cnt]
```

示意图为:



PCA

这个函数对应PCA(也就是离散区间上的K-L变换)的计算过程。为了便于后续验证,将计算得到的 矩阵均以.npy的文件格式存储。

- 1. 第2行: 首先计算出每列的平均值, 即对应所有图片的平均值。
- 2. 第4行: 用原矩阵减去平均值, 得到该图片的独有特征。
- 3. 第6行: 计算原矩阵的协方差矩阵。
- 4. 第7行: 计算协方差矩阵对应的特征值和特征向量
- 5. 第10-11行: 将特征向量按照特征值的大小进行排序,选取前k维作为提取出的主特征。这里k我选择取50,具体原因下方叙述。这里k维特征组成的向量空间,也是人脸识别最后会用到的特征空间。

- 6. 第12行:将规范化的矩阵的转置乘以上述特征空间,即得到图像在这个特征空间上的位置 (以向量的形式表示)
- 7. 第14行: 计算从原矩阵到特征空间的映射, 后面实际上没有用到。

```
def PCA(mat, k):
2
            mean = np.mean(mat, axis=0)
            np. save ('./matrix/mean.npy', mean)
            stdMat = mat - mean
            np. save ('./matrix/stdMat.npy', stdMat)
            covMat = np. cov(stdMat)
            feaVal, feaVec = np.linalg.eig(covMat)
            np. save ('./matrix/feaVal.npy', feaVal)
8
9
            np. save ('./matrix/feaVec.npy', feaVec)
            index = np.argsort(feaVal)
            sortedFeaVec = feaVec[:, index[:-k-1:-1]]
            eigenface = np.dot(stdMat.T, sortedFeaVec)
            np. save ('./matrix/eigenface.npy', eigenface)
14
            trainSample = np.dot(stdMat, eigenface)
            np. save ('./matrix/trainSample.npy', trainSample)
```

上述过程为利用训练集进行训练(实际是得到特征空间)。

下述过程是对测试集进行测试。

load pic

仿照训练集中对数据的处理,对测试集中的图片进行类似处理,将图片映射到特征空间并返回对应 矩阵。

```
def load_pic(f):
    img = convert_pgm_P5(f)
    img = img.reshape(1, -1)
    meanMat = load_matrix('mean')
    normMat = img - meanMat
    eigenface = load_matrix('eigenface')
    testSample = np. dot(normMat, eigenface)
    return testSample
```

batch test

由于需要计算FAR和FRR两个指标,所以需要对整个测试集中的数据进行统一测试。

- 1. 第4-18行: 处理测试集的数据,并将其存储到一个矩阵 testMat 中。
- 2. 第22-28行:测试集中每两张图片分别计算欧式距离,并将结果存储到一个列表 mark 中。
- 3. 第29-30行:对 mark 中的数据进行排序,并返回对应下标。将列表中的第二个值作为阈值 thres ,这一阈值十分重要,因为**判定标准即是:两张图片之间的欧式距离小于阈值即视为同一个对象;反之视为不同对象。**
- 4. 第31-42行:逐一计算FAR和FRR。

```
for file in files:
8
                                     if os.path.splitext(file)[1] == '.pgm':
9
                                           num = os. path. splitext(file)[0]
                                           # print("Start testing pic{} of {}".format(num, dir))
                                           f = open(os.path.join(rootDir, dir, file), 'rb')
                                           testSample = load_pic(f)
                                           if cnt == 0:
                                                 testMat = testSample
14
                                           else:
16
                                                 testMat = np.concatenate(
                                                      (testMat, testSample), axis=0)
                                           cnt += 1
18
            scale = testMat.shape[0]
            farCnt = 0
            frrCnt = 0
            for i in range(scale):
                  mark = []
                  for j in range(scale):
                        if i = j:
                              continue
27
                        dis = np. linalg. norm(testMat[i] - testMat[j])
                        mark.append(dis)
                  key = sorted(enumerate(mark), key=lambda x: x[1])
                  thres = key[1][1]
                  for k in range(scale-1):
32
                        if key[k][1] < thres and <math>key[k][0]//10 != i//10:
                              farCnt += 1
                        if key[k][1] > thres and <math>key[k][0]//10 == i//10:
                              frrCnt += 1
36
            totalNum1 = scale * 9
            totalNum2 = scale * (scale - 1) - totalNum1
            far = farCnt/totalNum1
38
            frr = frrCnt/totalNum2
            print(str(totalNum1) + '
40
                                         '+ str(totalNum2))
41
            # print("FAR: {:.2%}, FRR: {:.2%}".format(far,frr))
42
```

此处简单解释为什么选取这一值作为阈值:对于每两张图片之间,欧式距离最小表示两张图片特征 越接近,越有可能指向同一个对象。如果选取阈值过大,更可能将不是同一个人的两张照片视为同一个 人,为了控制FAR在1%以内,经过简单实验最终决定取第二小的值作为阈值。

main

主函数。

```
2
     if __name__ == '__main__':
           trainDir = './data/train'
           testDir = './data/test'
4
           k = 50
6
7
           trainMat, num = process_data(trainDir)
8
           PCA(trainMat, k)
9
           minfar, minfrr = batch_test(testDir)
           \# best = 0
           # for i in range(10, 200):
                 PCA(trainMat, i)
```

```
# far, frr = batch_test(testDir)

# if far<minfar:

# minfar = far

# minfrr = frr

# best = i

# print("Iter{}: bestFAR->{:.2%}, bestFRR->{:.2%}".format(i, minfar, minfrr))

# print(best)

print("The dimensionality of PCA is: %d"%k)

print("bestFAR: {:.2%}, bestFRR: {:.2%}".format(minfar, minfrr))
```

其中注释掉的部分即为k的选取实验过程。k依次从10取到200,分别判断取k维主成分后判断的结果,发现k取50的时候就已经收敛到最优。

运行步骤

结果展示

直接运行 main.py 即可,得到的结果为:

```
PS E:\3rd-2ndsemi\image processing\K-L Processing> python -u "e:\3rd-2ndsemi\image processing\K-L Processing\main.py"
The dimensionality of PCA is: 50
bestFAR: 0.35%, bestFRR: 5.38%
```

可以发现FAR值为0.35%, FRR值为5.38%, 满足要求。

平均脸展示

调用 display_mean 函数,可以得到一张平均脸,如图所示:

