# R 语言编程: 基于 tidyverse

第 18 讲 描述性统计

张敬信

2022年12月6日

哈尔滨商业大学

R 语言就是因统计分析而生的编程语言,可以很方便地完成各种统计计算、统计模拟、统计建模等。

**统计学**是关于数据的科学,是一套有关数据收集整理(获取及预处理数据)、描述统计(汇总、图表描述)、分析推断(选择适当的统计方法研究数据,并从数据中提取有用信息进而得出结论)的方法。

描述性统计,主要是通过计算汇总统计量、绘制统计图来描述数据。

#### 一. 若干概念

#### 1. 随机变量

当一件事情的结果无法预料时,就叫随机现象。表示随机现象一组结果的变量 就是**随机变量**。

比如说,调查了 100 个人的身高,这 100 个身高的数据是随机变量身高的数据。并不是说这些身高值是不固定可变的,而是这 100 个身高值是一次调查的结果,再调查 100 个人就是另一组不同的 100 个身高值。

## 2. 概率分布

随机变量既然是这样随机的,还有必要研究它吗?有必要!因为把多个随机结果放在一起的时候,能发现一定的规律性。比如 100 人的身高可能对称地分布在 175cm 附近,离得越远人数越少,即表现出一种正态分布规律性。

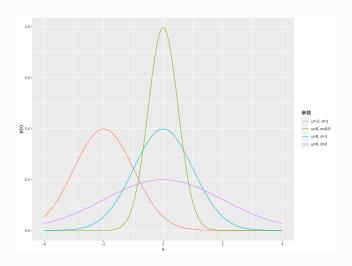
随机现象五花八门,但每一种随机现象表现出来的规律性是固定的,用数学语言表达出来就是**概率分布**。所以,不同概率分布就是不同随机现象规律性的数学描述。

同一种概率分布,也不是都相同,这是由不同参数值决定和区分的。

统计学最常用到四大概率分布:正态分布、t分布、卡方分布、F分布。

比如正态分布  $N(\mu,\sigma^2)$ ,  $\mu$  和  $\sigma$  就是参数,它们只要取不同值,就是不同的分布形状:

```
library(tidyverse)
tibble(
 x = seq(-4,4,length.out = 100),
  =0, =0.5 = dnorm(x, 0, 0.5),
  =0, =1 = dnorm(x, 0, 1),
  =0, =2 = dnorm(x, 0, 2),
  =-2, =1 = dnorm(x, -2, 1)
) %>%
 pivot_longer(-x, names_to = " 参数",
              values to = "p(x)") %>%
  ggplot(aes(x, p(x), color = 参数)) +
 geom line()
```



#### 3. 概率论与数理统计

概率论就是研究随机现象规律性,即各种概率分布及性质的理论。数理统计所研究的数据是带有随机性的,所以就需要借助概率论中的概率分布理论加以描述和做出统计推断。所以说:

概率论是数理统计的理论基础,数理统计是概率论的一种应用

### 4. 区分数据类型



图 1: 常见的数据类型

区分数据类型非常有必要,因为不同数据类型适用的统计分析方法是不同的!

### 5. 总体和样本

- 总体 (population): 是包含所研究的全部个体 (数据) 的集合。
- **样本 (sample)**:从总体中抽取的一部分个体的集合,样本包含个体的数目称为样本量。

抽样的目的是根据样本数据提供的信息推断总体的特征,或者说,用样本统计量推断总体参数。

比如,要研究哈尔滨市成年男性的身高,则所有哈尔滨市成年男性的身高数据就是总体,但实际上不可能把所有这些身高都测量一遍,只能是随机抽取一部分,比如 100 人,测得身高数据,这就是样本,样本量是 100。

抽样调查结果的可靠性不在于样本数量大不大(当然也不能太少), 更主要的 是科学抽样, 使样本足够代表总体。

身高数据大致服从正态分布,所有哈尔滨市成年男性身高的均值  $\mu$  和标准差  $\sigma$ ,就是总体参数。用样本的 100 人的平均身高作为  $\mu$  的估计,就是用样本统计量推断总体参数。

## 6. 参数与统计量

- **参数 (parameter)**: 用来描述总体特征的概括性值,是研究者想要了解的总体的某种特征值,如总体均值  $(\mu)$ 、总体方差  $(\sigma^2)$ 、总体比例  $(\pi)$  等。
- 统计量 (statistic): 是用来描述样本特征的概括性数字度量,是根据样本数据计算出来的量,由于抽样是随机的,因此统计量是样本的函数。与上面总体参数对应的统计量是样本均值  $(\bar{x})$ 、样本方差  $(s^2)$ 、样本比例 (p) 等。

由于总体数据通常是不知道的,故参数是未知常数。所以才进行抽样,根据样本计算出相应统计量值去估计总体参数值。

## 二. (样本) 统计量

- 1. 数据位置的统计量
- (1) 均值 (Mean)

均值, 度量数据分布的中心位置:

$$\bar{x} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} x_i$$

### (2) 中位数 (Median)

$$x_{0.5} = \left\{ \begin{array}{ll} x_{\left(\frac{n+1}{2}\right)}, & n \text{ 为奇数} \\ \frac{1}{2} \left(x_{\left(\frac{n}{2}\right)} + x_{\left(\frac{n}{2}+1\right)}\right), & n \text{ 为偶数} \end{array} \right.$$

中位数的优点是具有稳健性,即不受个别极端数据的影响。一般来说,正态分布的数据用均值描述,偏态分布的数据最好是用中位数描述。比如,人均工资有被平均了的感觉,中位数工资才是更合适的中间收入。

## (3) 分位数 (Quantile)

中位数是 0.5 分位数, 位于 0.5 位置的数。

0.25 分位数,称为下四分位数 (Q1),是位于 0.25 那个位置的数,即比它小的数占比是 0.25,比它大的数占比是 0.75.

0.75 分位数, 称为上四分位数 (Q3).

更一般地,p **分位数**,是位于 p 位置的数,即比它小的数占比是 p,比它大的数占比是 1-p.或者说 np 的数比它小,n(1-p) 的数比它大。

## (4) 众数 (Mode)

**众数**,是观测值中出现次数最多的数,对应分布的最高峰。众数常用于分类数据,即出现频数最高的值。

#### R 实现:

- mean(x): 计算数值向量 x 的均值
- median(x): 计算数值向量 x 的中位数
- quantile(x, p): 计算数值向量 x 的 p 分位数
- rstatix::get\_mode(x): 计算向量 x 的众数

## 2. 数据分散程度的统计量

(1) 极差 (Range)

极差,就是数据中的最大值和最小值之差。

(2) 四分位距 (Interquartile Range)

四分位距, 是上下四分位数之差, 即

$$IQR=Q3-Q1$$

### (3) 样本方差 (Variance)

$$s^2 = \frac{1}{n-1} \sum_{i=1}^n |x_i - \bar{x}|^2$$

注意,分母除的是 n-1,这是为了保证用样本方差估计总体方差时,得到的是无偏估计。

这个 n-1 也是自由度,在统计学中,几乎所有方法、所有统计量都会涉及自由度。**自由度**,是计算样本统计量时能够自由取值的数值的个数。

总体方差公式 (除以 n) 时,是 n 个样本自由地从总体里抽取。但是样本方差公式时多了一个约束条件,它们的和除以 n 必须等于样本均值  $\bar{x}$ ,所以自由度 n 减去 1 个约束条件对自由度的损失,等于 n-1.

不同统计方法的自由度都不一样,但基本原则是每估计 1 个参数,就需要消耗 1 个自由度。

以回归分析为例,若有 m 个自变量,则需要估计 m+1 个参数 (包含截距项),所以模型的 F 检验用到的自由度是 n-(m+1). 这意味着只剩下 n-(m+1) 个可以自由取值的数值用来估计模型误差。

## (4) 样本标准差 (Standard Deviation)

样本方差的平方根即为标准差 8. 标准差的量纲与原数据一致。

## (5) 变异系数 (Coefficient of Variation)

变异系数,是将标准差占均值的百分比,可用于比较不同量纲数据的分散性:

$$c_v = \frac{s}{\bar{x}} \quad (\%)$$

#### R 实现:

- max(x)-min(x): 计算数值向量 x 的极差
- IQR(x): 计算数值向量 x 的四分位距
- var(x): 计算数值向量 x 的样本方差
- sd(x): 计算数值向量 x 的样本标准差
- 100\*sd(x)/mean(x): 计算数值向量 x 的变异系数

## 3. 数据分布形状的统计量

## (1) 偏度 (Skewness)

偏度,刻画数据是否对称的指标:

$$SK = \frac{n}{(n-1)(n-2)}\sum_{i=1}^n \big(\frac{x_i-\bar{x}}{s}\big)^3$$



图 2:数据的三种偏态

关于均值对称的数据不偏,其偏度为 0;右拖尾的数据是右偏,其偏度为正;左拖尾的数据是左偏,其偏度为负。

## (2) 峰度 (Kurtosis)

峰度, 刻画数据是否尖峰的指标:

$$K = \frac{n(n+1)}{(n-1)(n-2)(n-3)} \sum_{i=1}^n \Big(\frac{x_i - \bar{x}}{s}\Big)^4 - \frac{3(n-1)^2}{(n-2)(n-3)}$$

峰度是以标准正态分布为基准,标准正态分布的峰度为 0;尖峰薄尾的分布峰度为正;平峰厚尾的分布峰度为负。

datawizard 包提供了 skewness() 和 kurtosis() 函数分别计算偏度和峰度。

■ 很多包提供了同时对多个变量进行(分组)描述汇总所有常见统计量的函数,其中 tidy 风格的是 rstatix::get\_summary\_stats()和 dlookr::describe().

```
library(rstatix)
iris %>%
 group_by(Species) %>%
 get summary stats(type = "full")
#> # A tibble: 12 x 14
\#> Species variable n min max median q1 q
#> <fct> <fct> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 setosa Sepal.Le~ 50 4.3 5.8 5 4.8 5.2
#> 2 setosa Sepal.Wi~ 50 2.3 4.4 3.4 3.2 3.6
#> 3 setosa Petal.Le~ 50 1 1.9 1.5 1.4 1.5
#> # ... with 9 more rows, and 2 more variables: se <dbl>,
```

### 三. 统计图

描述统计是从不同方面对数据做了概要,想要进一步了解和探索数据,离不开绘制统计图。不同类型的数据,适用不同类型的统计图。

#### 1. 分类数据的统计图

## (1) 条形图 (Bar)

**条形图**是最常用的类别比较图,是用竖直(或水平)的条形展示分类变量的分布(频数),条形的高度代表频数。

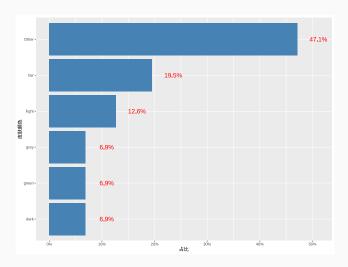
- geom\_bar(): 对原始数据绘制条形图
- geom\_col(): 对汇总频数/频率的数据用绘制条形图

#### 以 starwars 数据集 skin\_color 绘制条形图为例:

- 用 fct\_lump() 将频数 ≤ 5 的类别做了合并
- 分组汇总, 计算各组频数和频率
- 绘制条形图,将分类变量 skin\_color 按频率做了因子重排序,实现了对"条形"排序
- 在条形旁边增加文字注释,标记该条形所占百分比
- 翻转坐标轴,变成水平条形图

```
df = starwars %>%
 mutate(skin color = fct lump(skin color, n = 5)) %>%
 count(skin_color, sort = TRUE) %>%
 mutate(p = n / sum(n))
df
#> # A tibble: 6 x 3
#> skin_color n p
#> <fct> <int> <dbl>
#> 1 Other 41 0.471
#> 2 fair 17 0.195
#> 3 light 11 0.126
#> # ... with 3 more rows
```

```
ggplot(df, aes(fct_reorder(skin_color, p), p)) +
  geom col(fill = "steelblue") +
  # 同 geom bar(stat = "identity")
  scale y continuous(labels = scales::percent) +
 labs(x = " 皮肤颜色", y = " 占比") +
 geom_text(aes(y = p + 0.04,
                label = str_c(round(p*100,1), "%")),
            size = 5, color = "red") +
  coord flip()
```



#### (2) 饼图 (Pie)

**饼图**,是用每个扇形的圆心角大小表示每部分所量所占的比例,注意饼图很难去精确比较不同部分的大小。

Hadley 认为饼图可以通过极坐标变换得到,没有提供绘制饼图的几何对象, 另外从展示分类数据角度来说,饼图也不是一个好的选择。

注: 饼图模板案例见第 17 讲。

### 2. 连续数据的统计图

### (1) 直方图 (Histogram)

连续数据常用直方图来展示变量取值的分布,利用直方图可以估计总体的概率 密度。

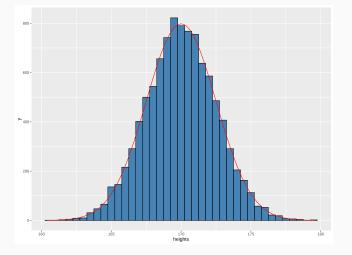
将变量取值的范围分成若干区间。直方图是用面积而不是用高度来表示数,总面积是 100% 每个区间矩形的面积恰是落在该区间内的百分数(频率),所以

矩形的高 = 频率/区间长度 = 密度

特别地,若区间是等长的,则"矩形的高"就是频率。注意:直方图矩形之间是没有间隔的。

用 geom\_histogram() 绘制直方图。频率直方图与概率密度曲线正好搭配,因为频率直方图的条形宽度趋于 0, 就是概率密度曲线。

若想绘制频数直方图 + 概率密度曲线,就需要对密度做一个放大:条形宽度 \* 样本数倍。



注: 若想在同一张图上叠加多个直方图,以对比分类变量不同水平的概率分布,更适合用 geom\_freqpoly()绘制频率多边形图;函数 geom\_density()绘制核密度估计曲线。

### (2) 箱线图 (Boxplot)

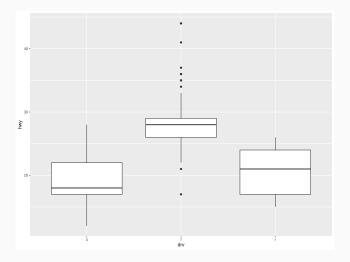
#### 箱线图,是在一条数轴上:

- 以数据的上下四分位数 (Q1-Q3) 为界画一个矩形盒子 (中间 50% 的数据落在盒内);
- 在数据的中位数位置画一条线段为中位线;
- 默认延长线为盒长的 1.5 倍, 之外的点认为是异常值。

箱线图的主要应用就是,剔除数据的异常值、判断数据的偏态和尾重、可视化组间差异。

用 geom\_boxplot() 绘制箱线图,例如比较不同 drv 下,hwy 的组间差异:

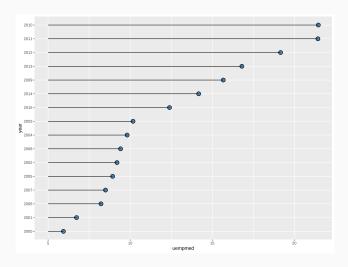
```
ggplot(mpg, aes(x = drv, y = hwy)) +
geom_boxplot() # 水平翻转加图层 coord_flip()
```



## (3) 克利夫兰点图 (Cleveland Dot Plot)

克利夫兰点图适合展示多类别之间的比较: x 轴是分类变量,每一类对应一个类均值或频数(y 值),画一个圆点;并根据 y 值大小对 x 轴类别排序;通常需要再做一次坐标翻转。

```
economics %>%
  group_by(year = lubridate::year(date)) %>%
  summarise(uempmed = mean(uempmed)) %>%
  filter(year >= 2000) %>%
  ggplot(aes(reorder(year, uempmed), uempmed)) +
  geom_point(size = 4, shape = 21,
             fill = "steelblue", color = "black") +
  geom_segment(aes(xend = ..x.., yend = 5)) +
  xlab("year") +
  coord_flip()
```



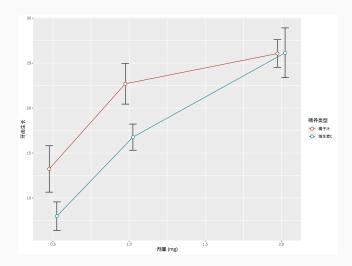
## (4) 均值线与误差棒图 (Mean Lines, Error Bars)

以 ToothGrowth 数据集为例,先自定义分组汇总函数计算分组均值和标准误:

```
my_summary = function(data, .summary_var, ...) {
  summary_var = enquo(.summary_var)
  data %>%
    group_by(...) %>%
    summarise(mean = mean(!!summary_var, na.rm = TRUE),
        sd = sd(!!summary_var, na.rm = TRUE)) %>%
    mutate(se = sd / sqrt(n()))
}
```

```
df = my summary(ToothGrowth, len, supp, dose)
df
#> # A tibble: 6 x 5
#> # Groups: supp [2]
#> supp dose mean sd se
#> <fct> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1 0J 0.5 13.2 4.46 2.57
#> 2 0J 1 22.7 3.91 2.26
#> 3 0J 2 26.1 2.66 1.53
#> # ... with 3 more rows
```

```
pd = position dodge(0.1)
ggplot(df, aes(dose, mean, color = supp, group = supp)) +
 geom_errorbar(aes(ymin = mean - se, ymax = mean + se),
               color = "black", width = 0.1, position = po
 geom line(position = pd) +
 geom_point(position = pd, size = 3, shape = 21,
            fill = "white") +
 xlab(" 剂量 (mg)") + ylab(" 牙齿生长") +
 scale_color_hue(name = " 喂养类型", breaks = c("OJ", "VC"
            labels = c(" 橘子汁", " 维生素 C"), 1 = 40) +
  scale_y_continuous(breaks = 0:20 * 5)
```



## 四. 列联表

对分类变量做描述统计,通常是计算各水平值出现的频数和占比,得到**列联表** (交叉表)。用 table()可以实现,但功能很弱还不够 tidy.

janitor 包提供了更强大的 tabyl()函数,可以生成一个、两个、三个变量的列联表,再结合 adorn\_\*()函数,可以很方便地按想要的格式添加行列合计、占比等。

#### ■ 一维列联表,添加合计行:

```
library(janitor)
mpg %>%
 tabyl(drv) %>%
                              #添加合计行
 adorn totals("row") %>%
                              # 设置百分比格式
 adorn pct formatting()
#>
     drv n percent
#>
       4 103 44.0%
      f 106 45.3%
#>
#>
     r 25 10.7%
   Total 234 100.0%
#>
```

■ 二维列联表,添加列占比和频数

```
mpg %>%
 tabyl(drv, cyl) %>%
 adorn_percentages("col") %>%
                                     #添加列占比
                                      #设置百分比格式
 adorn_pct_formatting(digits = 2) %>%
                                       #添加频数
 adorn ns()
#>
   d.rn
                            5
     4 28.40% (23) 0.00% (0) 40.51% (32) 68.57% (48)
#>
#>
     f 71.60% (58) 100.00% (4) 54.43% (43) 1.43% (1)
#>
   r = 0.00\% (0) = 0.00\% (0) = 5.06\% (4) = 30.00\% (21)
```

注: 三维列联表是针对 3 个分类变量, 结果就像多维数组的"分页"。

另外,还有很多包能将描述性统计、回归模型的结果变成规范的表格样式,代表性的是 modelsummary 包;实验设计(表)在科研、生产中应用广泛,各种常用的实验设计,可以用 DoE.base 包实现。

本篇主要参阅(张敬信, 2022), (冯国双, 2018), (贾俊平, 2018), (Chang, 2018), (Chang, 2018), 以及包文档, 模板感谢(黄湘云, 2021), (谢益辉, 2021).

# 参考文献

Chang, W. (2018). R Graphics Cookbook. O'Reilly, 2 edition.

冯国双 (2018). 白话统计. 电子工业出版社, 北京, 1 edition.

张敬信 (2022). R 语言编程: 基于 tidyverse. 人民邮电出版社, 北京.

谢益辉 (2021). rmarkdown: Dynamic Documents for R.

贾俊平 (2018). 统计学. 中国人民大学出版社, 北京, 7 edition.

黄湘云 (2021). Github: R-Markdown-Template.