机器学习实验报告 (三)



2018/11/25

目录

1	实验	环境	2	
2	题目描述与分析			
	2.1	概率密度的估计	2	
	2.2	第一题——Parzen 窗	3	
	2.3	第二题——k-近邻	4	
3	具体	实现	5	
	3.1	库的导入及数据准备	5	
	3.2	Parzen 窗	6	
	3.3	k-近邻	9	
		3.3.1 一维情况	11	
		3.3.2 二维情况	13	
		3.3.3 三维情况	18	
4	总结		19	

1 实验环境

操作系统 win10

编程语言 python3

编程环境 Jupyter Notebook

报告编写 latex

2 题目描述与分析

2.1 概率密度的估计

在看具体问题之前,我们先来看一下概率密度的估计。我们知道一个 向量 \mathbf{x} 落在区域 \mathbf{R} 中的概率

$$P = \int_{R} p(x') dx' \tag{1}$$

假设 n 个样本 $x_1 \dots x_n$ 都是根据概率密度函数 p(x) 独立同分布的抽取而得到的,则 k 个样本落在区域 R 中的概率服从二项式定理:

$$P_k = \binom{n}{k} P^k (1 - P)^{n-k} \tag{2}$$

容易得到 k 的期望值为

$$\varepsilon[k] = nP \tag{3}$$

当 n 较大时,比值 k/n 将会是 P 的一个很好的估计。假设 p(x) 是连续的,则当区域 R 足够小时,我们可以用 R 所包含的体积 V 与 p(x) 的乘积作为该点的概率,即:

$$P = p\left(\boldsymbol{x}\right)V\tag{4}$$

将 P = k/n 代入 (4) 可得到 p(x) 的估计为

$$p\left(\boldsymbol{x}\right) \approx \frac{k/n}{V} \tag{5}$$

且在 V 相对较小的情况下, 样本个数 n 越大时, 得到的估计越准确

2.2 第一题——Parzen 窗

题目描述: 对所给数据进行 Parzen 窗估计和设计分类器 暂时假设区间 R_n 是一个 d 维的超立方体, h_n 为超立方体的一条边的长度,则体积为

$$V_n = h_n^d \tag{6}$$

定义窗函数为:

$$\varphi\left(\frac{\boldsymbol{x}-\boldsymbol{x}'}{h_n}\right) = \begin{cases} 1 & |\boldsymbol{x}-\boldsymbol{x}'| \le h_n/2\\ 0 & other \end{cases}$$
(7)

即当 \mathbf{x}' 落在以 \mathbf{x} 为中心,边长为 h_n 的超立方体中时 $\varphi\left(\frac{\mathbf{x}-\mathbf{x}'}{h_n}\right)=1$ 否则便为 0. 于是便可得到超立方体中的样本个数

$$k_n = \sum_{i=1}^n \varphi_1 \left(\frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_i}{h_n} \right), \tag{8}$$

联立 (5) 式, 可推得:

$$p_n(\mathbf{x}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \frac{1}{V_n} \varphi\left(\frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_i}{h_n}\right)$$
(9)

更一般的,我们可以把上式理解为:对样本集中每一个样本依据它离 \mathbf{x} 的远近不同所做的贡献作平均,因此区间的选取并不一定为超立方体,只要保证有窗函数满足 $\int \varphi(\mathbf{x}) d\mathbf{x} \geq 0$ 且

$$\int \varphi\left(\boldsymbol{u}\right) d\boldsymbol{u} = 1 \tag{10}$$

即可保证 $p_n(x)$ 是一个合理的概率密度函数。在此题中,窗函数为一个球形的高斯函数,如下所示:

$$\varphi\left(\frac{\boldsymbol{x}-\boldsymbol{x}_i}{h}\right) \propto exp\left[\frac{-\left(\mathbf{x}-\boldsymbol{x}_i\right)^t\left(\mathbf{x}-\boldsymbol{x}_i\right)}{2h^2}\right]$$

为了满足上式,经过简单计算,可以得到窗函数的具体表达:

$$\varphi\left(\frac{\boldsymbol{x}-\boldsymbol{x}_i}{h}\right) = exp\left[\frac{-\left(\mathbf{x}-\boldsymbol{x}_i\right)^t\left(\mathbf{x}-\boldsymbol{x}_i\right)}{2h^2}\right]/\sqrt{2\pi}$$
(11)

观察 (9)(11) 两式即可得到最终表达式

$$p_n(\boldsymbol{x}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \frac{1}{V_n} exp\left[\frac{-\left(\mathbf{x} - \boldsymbol{x}_i\right)^t \left(\mathbf{x} - \boldsymbol{x}_i\right)}{2h^2}\right] / \sqrt{2\pi}$$
 (12)

2.3 第二题——k-近邻

问题描述: 在不同维数的空间中,使用 k 近邻方法对概率密度进行估计不同于 parzen 窗方法,k-近邻不用选择窗函数,而是让体积成为训练样本的函数。如,为了从 n 个训练样本中估计 $p_n(x)$,我们能够以点 x 为中心,让体积扩张,直到包含进 k_n 个样本为止,其中 k_n 为关于 n 的某个特定函数。令

$$p_n\left(\boldsymbol{x}\right) = \frac{k_n/n}{V_n} \tag{13}$$

很容易看出,当某个区域较密集时,很小的 V 即可满足包含 k 个样本的要求,此时对应的概率密度 $p_n(x)$ 就很大;相反,当某个区域比较稀

疏,满足包含 k 个样本的要求所需要的 V 相对较大,此时对应的概率密度 $p_n(\mathbf{x})$ 就相对很小。

根据不同的维数,以不同的方式计算体积,代入公式即可算出某点的概率密度

3 具体实现

3.1 库的导入及数据准备

```
ı import numpy as np #矩阵运算
2 import matplotlib.pyplot as plt
3 from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
4 %matplotlib inline
  lists1=np.array([[0.28,1.31,-6.2],
                     [0.07, 0.58, -0.78],
                     [1.54, 2.01, -1.63],
                     [-0.44, 1.18, -4.32],
                     [-0.81, 0.21, 5.73],
                     [1.52, 3.16, 2.77],
                     [2.20, 2.42, -0.19],
12
                     [0.91, 1.94, 6.21],
13
                     [0.65, 1.93, 4.38],
14
                     [-0.26,0.82,-0.96]])
15
  lists2=np.array([[0.011,1.03,-0.21],
                     [1.27,1.28,0.08],
                     [0.13, 3.12, 0.16],
```

```
[-0.21, 1.23, -0.11],
                      [-2.18, 1.39, -0.19],
                     [0.34, 1.96, -0.16],
                     [-1.38, 0.94, 0.45],
23
                      [-0.12, 0.82, 0.17],
24
                      [-1.44, 2.31, 0.14],
                      [0.26, 1.94, 0.08]]
26
  lists3=np.array([[1.36,2.17,0.14],
                      [1.41, 1.45, -0.38],
                     [1.22,0.99,0.69],
                     [2.46,2.19,1.31],
                     [0.68, 0.79, 0.87],
32
                      [2.51,3.22,1.35],
33
                      [0.60, 2.44, 0.92],
                      [0.64, 0.13, 0.97],
                      [0.85, 0.58, 0.99],
36
                      [0.66,0.51,0.88]])
  list point = [np.array([0.5,1.0,0.0]),np.array([0.31,1.51,-0.50]),
                  np.array([-0.3,0.44,-0.1])]
  list_group = [lists1,lists2,lists3]
  list_point2 = [np.array([-0.41, 0.82, 0.88]), np.array([0.14, 0.72, 4.1]),
                  np.array([-0.81,0.61,-0.38])]
```

3.2 Parzen 窗

求解第一题,我们将分类样本点与训练样本集带入公式 (12) 即可。首先,我们定义了一个 $getpxitem(point_aim, point_item, h)$ 函数,用于窗函数的计算。有三个参数,其中 $point_aim$ 代表测试点的坐标, $point_item$ 代表样本

点的坐标, h 为我们传进去的参数。具体代码如下:

```
def getpxitem(point_aim,point_item,h):
    temp = point_aim-point_item
    mici = np.dot(temp,temp.T)/(2*pow(h, 2))
    return np.exp(-mici)/((2*np.pi)**0.5)
```

然后我们定义 getpx(points, point, h) 函数求解在训练集为 ω_i 的某一点 x 处的概率密度 p(x),其中 points 为训练样本集,point 为我们要求的样本点。调用了我们实现好的 getpxitem 函数。具体代码如下:

```
def getpx(points,point,h):
    point = np.matrix(point)
    n = len(points)
    m points = np.matrix(points)#10x3
    sigma = 0
    for i in m points:
        sigma = sigma + getpxitem(point,i,h)
    return float(sigma/(n*h*h*h))
随后编写调用函数:
def descript(list_group,list_point,h):
    for p in list point:
        print("测试点",p)
        pos = 1
        i = 0
        maxpx = 0
        for points in list_group:
            i = i+1
            temp = getpx(points,p,h)
            if(temp>maxpx):
```

```
maxpx = temp
11
                 pos = i
             print('在样本集w'+str(i)+"下的概率密度为",temp)
         print("因此我们将",p,"归为w"+str(pos))
         print("----")
  对 (a) 小问进行求解:
descript(list_group,list_point,1)
  所得结果如下所示:
                    测试点 (0.5, 1.0, 0.0)^t
         在样本集 w1 下的概率密度为 0.050234405015983905
          在样本集 w2 下的概率密度为 0.18793313079292684
          在样本集 w3 下的概率密度为 0.15878419484781175
                因此我们将 (0.5, 1.0, 0.0)^t 归为 w2
                   测试点 (0.31, 1.51, -0.5)^t
         在样本集 w1 下的概率密度为 0.061213126923756335
          在样本集 w2 下的概率密度为 0.19260786786365375
          在样本集 w3 下的概率密度为 0.0901699142163708
              因此我们将 (0.31, 1.51, -0.5)^t 归为 w2
                   测试点 (-0.3, 0.44, -0.1)^t
          在样本集 w1 下的概率密度为 0.0558152640204981
          在样本集 w2 下的概率密度为 0.15090164416412882
          在样本集 w3 下的概率密度为 0.07273185539604424
```

对 (b) 小问进行求解:

因此我们将 $(-0.3, 0.44, -0.1)^t$ 归为 w2

descript(list_group,list_point,0.1) 所得结果如下所示:

测试点 $(0.5, 1.0, 0.0)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 3.5005969554957954e-20 在样本集 w2 下的概率密度为 2.700448085924117e-05 在样本集 w3 下的概率密度为 3.1916135837019276e-17 因此我们将 $(0.5, 1.0, 0.0)^t$ 归为 w2

测试点 $(0.31, 1.51, -0.5)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 1.1454097051470594e-20 在样本集 w2 下的概率密度为 4.788040708256211e-06 在样本集 w3 下的概率密度为 8.614476229511478e-26 因此我们将 $(0.31, 1.51, -0.5)^t$ 归为 w2

测试点 $(-0.3, 0.44, -0.1)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 1.45100204839023e-12 在样本集 w2 下的概率密度为 0.0001509236162806271 在样本集 w3 下的概率密度为 4.24484989194214e-40 因此我们将 $(-0.3, 0.44, -0.1)^t$ 归为 w2

3.3 k-近邻

我们由公式 (11) 易知,在给定 k 与 n 的情况下,我们只需求出相应的 V 即可,在这点与点的距离我们采用欧氏距离,于是我们首先定义方法 distance(vecA, vecB),两个参数分别为两个点的表示。具体代码如下:

- 1# 计算欧几里得距离
- def distance(vecA, vecB):

```
return np.sqrt(np.sum(np.power(vecA - vecB, 2))) # 求两个向量之间自
return D
```

然后我们定义方法 getNearest(point, points, k) 来求解包含 k 个点时的最短半径,point 为中心,points 为样本集合,k 为所包含点的个数。具体代码如下:

```
#返回包含k个点的最短半径
def getNearest(point , points , k):
    m_dis={}
    pos =0
    for i in points:
        pos = pos+1
        m_dis[pos] = distance(point,i)
```

sortlist=sorted(m_dis.items(), key = lambda x:x[1], reverse = False)

我们再定义函数 getY(dis, dim, k) 来计算不同维数下 p(x) 的取值。有三个参数,dis 为我们求出的最短半径,dim 代表维数,我们这里取值 1,2,3;k 为所包含点的个数。在计算体积时,一维我们选择以 x 为中心的长度为 2dis 的线段;二维时我们选择以 x 为中心的半径为 dis 的圆;三维时我们选择以 x 为中心的半径为 dis 的。具体代码如下:

```
# 根据不同维数算px
def getY(dis,dim,k):
    total = 10
    if dim == 1:
        result = (k/total)/(2*dis)
    elif dim == 2:
        result = (k/total)/(np.pi*dis*dis)
    elif dim == 3 :
```

return sortlist[k-1][1]

```
result = (k/total)/((4/3)*(np.pi*dis*dis*dis))
     else:
         result = 0
     return result
 3.3.1 一维情况
    编写代码,绘制一维情况下概率密度估计结果
def drawPx1d(k):
     #最大2.51, 最小0.60, 于是去区间为[0.5,2.6]
     x = list(np.arange(0.5, 2.6, 0.01))
     y = []
     for i in x:
         dis = getNearest(np.matrix(i),np.matrix(lists3[:,0]).T,k)
         y.append(getY(dis,1,k))
     plt.figure()
     plt.plot(x,y)
 当 k=1 时,
drawPx1d(k=1)
```

得到如下结果

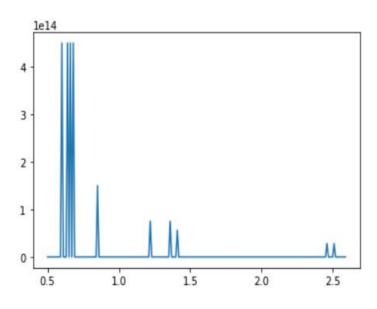


图 1 k=1 时概率密度估计结果

当 k=3 时,

drawPx1d(k=3)

得到如下结果

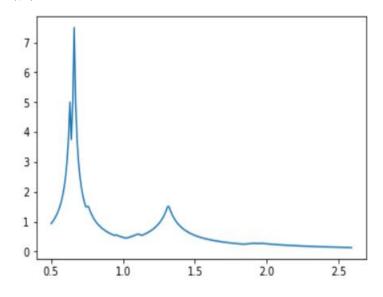


图 2 k=3 时概率密度估计结果

当 k=5 时,

drawPx1d(k=5)

得到如下结果

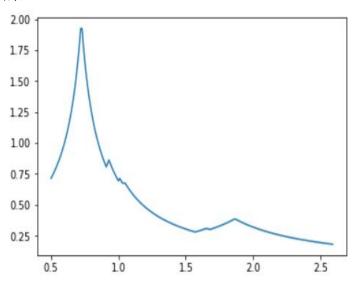


图 3 k=5 时概率密度估计结果

通过对比观察我们可以发现,当 k 较大时, $p_n(\mathbf{x})$ 分辨率较低,对个别样本敏感度不高,图像较为平滑;当 k 较小时, $p_n(\mathbf{x})$ 较为陡峭,噪声比较大,统计稳定性也不高

3.3.2 二维情况

编写如下程序,求解并绘制概率密度估计结果:

- def drawPx2d(k):
- 2 #x最小-2.18, 最大1.27, 于是去区间为[-2.20, 1.30]
- 3 #y最小0.82,最大3.12,于是去区间为[0.80,3.15]
- x = list(np.arange(-2.20, 1.30, 0.03))
- y = list(np.arange(0,3.15,0.03))
- X, Y = np.meshgrid(x, y)

```
z = []
      for j in y:
          temp = []
          for i in x:
10
               dis = getNearest(np.matrix([i,j]),np.matrix(lists2[:,[0,1]
11
               temp.append(getY(dis,2,k))
12
          z.append(temp)
13
      Z = np.array(z)
14
15
      fig = plt.figure()
      ax = Axes3D(fig)
      ax.set_xlabel('x1')
      ax.set_ylabel('x2')
19
      ax.plot_surface(X, Y, Z, rstride=1, cstride=1, cmap='rainbow')
20
      plt.show()
      当 k=1 时,按如下调用函数
drawPx2d(1)
  得到如下结果
```

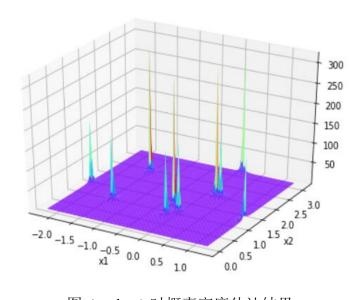


图 4 k=1 时概率密度估计结果 从另一角度来观察:

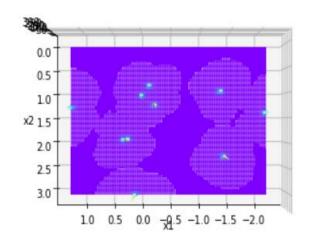


图 5 k=1 时概率密度估计结果 当 k=3 时,按如下调用函数

drawPx2d(3)

得到如下结果

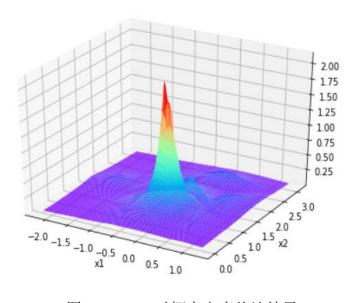


图 6 k=3 时概率密度估计结果 从另一角度来观察:

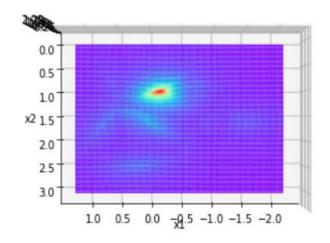


图 7 k=3 时概率密度估计结果 当 k=5 时,按如下调用函数

drawPx2d(5)

得到如下结果

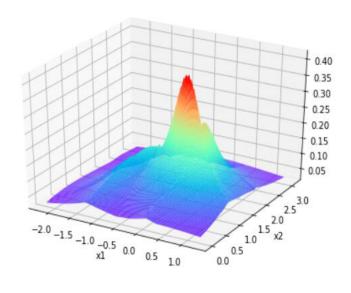


图 8 k=5 时概率密度估计结果 从另一角度来观察:

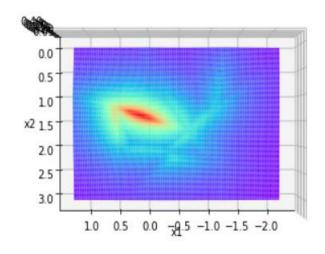


图 9 k=5 时概率密度估计结果

我们发现了与一维情况类似的结果,即 k 越大,图像相对越平滑;反之,图像噪点越多。

3.3.3 三维情况

根据公式编写如下程序:

```
def classification(testPoints, pointList, k):
      for i in testPoints:
         print("测试点",i)
         x = x + 1
         pos = 0
         maxpx = 0
         maxpos = 0
         for j in pointList:
             pos = pos + 1
             dis = getNearest(np.matrix(i),np.matrix(j),k)
             temp = getY(dis,3,k)
             if(temp>=maxpx):
                 maxpos = pos
                 maxpx = temp
             print('在样本集w'+str(pos)+"下的概率密度为",temp)
16
         print("----")
```

所得结果如下所示:

测试点 $(-0.41, 0.82, 0.88)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 0.002614944210445274 在样本集 w2 下的概率密度为 0.033276646733531694 在样本集 w3 下的概率密度为 0.02658111207846173

测试点 $(0.14, 0.72, 4.1)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 0.0010255387557116637 在样本集 w2 下的概率密度为 0.001549253321558584 测试点 $(-0.81, 0.61, -0.38)^t$

在样本集 w1 下的概率密度为 0.0018676527558116678 在样本集 w2 下的概率密度为 0.029813898753325307 在样本集 w3 下的概率密度为 0.0094855259161561

可以发现,三个样本点分别在 ω_2 、 ω_3 、 ω_2 时的概率密度最大

4 总结与收获

通过这次实验,我增强了对"非参数化方法"的认识与理解。Parzen 窗估计方法和 K-近邻概率密度估计方法是其主要的两种技术,前者固定体积 求 k 值,后者固定 k 值求体积。非参数化方法优点在于通用性,不必提前去了解假设分布的形式,用同样的方法便可求出结果。在样本足够的情况下,往往可以得到很好的结果。不过也有很大的缺点。相对知道参数的分布形式的情况下,要求的训练样本的个数多很多,同时,随着样本特征空间维数的提高,将会有很大的计算量。