算法分析与设计实验报告



实验题目:	三种排序算法的设计与分析
姓名:	陈俊卉
学号 :	2020212256
日期.	2022 10 16

一、实验环境

(列出实验的操作环境,如操作系统,编程语言版本等,更多信息可视各自实际情况填写)

- ① 操作系统: windows 10
- ② 编程语言: c++
- ③ 编程工具: vscode 及其组件

二、实验内容

具体要求请参照实验指导书中各实验的"实验内容及要求"部分。

(示例: 1. 描述你对实验算法的设计思路; 2. 给出算法关键部分的说明以及代码实现截图; 3. 对测试数据、测试程序(没有要求则非必须)进行说明,如测试覆盖程度,最好最坏平均三种情况等等,并给出测试结果截图等信息)

1.算法的设计与实现

- (1) 堆排序
- ① 实验代码:

```
void maxHeap(int* arr, int start, int end){
   // 记录当前节点
   int current = start;
   // 记录当前节点值
   int tmp = arr[current];
   // 找左右节点,交换后 current 指向被交换的子节点
   for (int i = 2 * start + 1; i \le end; i = 2 * i + 1){
      // 取较大的孩子节点
       if (i < end && arr[i] < arr[i + 1]){</pre>
          i++;
       // 若子节点较大则交换
       if(tmp < arr[i]){</pre>
          arr[current] = arr[i];
          arr[i] = tmp;
          current = i;
       }
       else{
          break;
```

```
3
}
void heapSort(int* arr, int len){
   // 从后往前遍历所有非叶子节点,得到大根堆
   for (int i = len / 2 - 1; i >= 0; i--){
      maxHeap(arr, i, len-1);
   // 对第一个元素(当前最大值)与大根堆最后一个元素进行交换,后将其排除出序列后继续构建大
根堆
   for (int i = len - 1; i > 0; i--){
      int swap = arr[0];
      arr[0] = arr[i];
      arr[i] = swap;
      // 交换完只有最顶上的元素是不符合大根堆的,所以只需要 maxHeap(arr, 0, i-1)
      maxHeap(arr, 0, i-1);
   3
}
```

② 原理:

- 1. 本质上是将线性的数组根据下标构成一个二叉树,并通过不断构造大根堆来实现从小到大(大根堆)的排序。
- 2. 先**从后往前**遍历所有的非叶子节点,将较大的元素从二叉树的下方往上方移动,得到大根堆。**从后往前的原因是保证移动是自下往上进行的**。(最后一个非叶子节点的下标的计算公式为**数组长度/2-1**)
- 3. 在将较大的元素从下往上移动的时候【即 maxHeap()函数】,注意要先让叶子节点相比较,确定较大叶子节点的下标,再让父亲节点与叶子节点相比较、交换。
- 4. 在一轮大根堆排序结束后,数组的第一个值就为最大值。此时我们需要将最大值与**数组参与大根堆的最后一个值**交换,并将最大值排除出下一次大根堆构建的范围。

注意:此时除了栈顶刚刚交换的元素外,其余层均已经满足大根堆的要求(没有动过), 所以只需要对栈顶进行 maxHeap(arr, 0, i-1)即可。

平均时间复杂度: O(nlogn) 最佳时间复杂度: O(nlogn) 最差时间复杂度: O(nlogn)

稳定性: 不稳定

- (2) 归并排序
- ① 实验代码:

```
void mergeSort(int* arr, int left, int mid, int right){
// 定义两个数组的指针和 temp 数组及其指针
```

```
int p1 = left;
   int p2 = mid + 1;
   int p = 0;
   int* tmp = new int[right - left + 1];
   // 比大小
   while (p1 <= mid && p2 <= right){
       if (arr[p1] <= arr[p2]){</pre>
           tmp[p] = arr[p1];
           p++;
           p1++;
       else{
           tmp[p] = arr[p2];
           p++;
           p2++;
   }
   // 若数组还有剩下的
   while (p1 <= mid){
       tmp[p] = arr[p1];
       p++;
       p1++;
   while (p2 <= right){
       tmp[p] = arr[p2];
       p++;
       p2++;
   }
   // 赋值到原数组
   for (int i = 0;i < right - left + 1; i++){</pre>
       arr[left + i] = tmp[i];
   }
3
void mergeSortWrapper(int* arr, int left, int right){
   // 停止条件
   if (left >= right){
       return;
   3
  // long long:防溢出
```

```
long long int mid = (left + right) / 2;
mergeSortWrapper(arr, left, mid);
mergeSortWrapper(arr, mid + 1, right);
mergeSort(arr, left, mid , right);
}
```

② 原理:

- 1. 归并排序分为拆分和合并两部分。拆分利用递归分治减小数组规模,合并通过一个额外的数组空间对两个**已经排序完成的子数组**进行排序。
- 2. mergeSortWrapper()中的**停止条件为什么是">="而不是"=":**右递归的左边界是 **mid+1**, mid 是整除得到的,当数组长度为 1 时,mid 为 0,此时右递归的左边界为 1,右边界为 0.
- 3. 先进行左右数组各自的排序,最后对左右数组进行排序:

```
mergeSortWrapper(arr, left, mid);
mergeSortWrapper(arr, mid + 1, right);
mergeSort(arr, left, mid , right);
```

4. 对左右数组进行排序【mergeSort()】:先建立左右数组的指针 p1, p2 和临时存放结果的 tmp 数组的指针 p.对左右数组指针所指的元素进行比较,并赋值在 tmp 数组指针的对应位置。经过一轮后,左右数组中可能有其中一组的指针还没有走到尾部(后面的数都是较大的数),所以需要将这些剩下的数也放进临时数组内,此时临时数组的排序就是正确的。最后将临时数组的数据原数组的对应位置上。

平均时间复杂度: O(nlogn) 最佳时间复杂度: O(nlogn) 最差时间复杂度: O(nlogn)

稳定性: 稳定

(3) 快速排序

① 实验代码:

```
// 一遍快速排序
int partition(int* arr, int left, int right){
    // 选择基准
    int pivot = arr[left];
    while (left < right){
        // 先从右往左
        while (left < right && arr[right] >= pivot){
            right--;
        }
        // 找到右边小于 pivot 的值,赋值到左边的 left 位置处
```

```
arr[left] = arr[right];
       // 再从左往右
       while (left < right && arr[left] <= pivot){
          left++;
       // 找到左边大于 pivot 的值,复制到右边的 right 位置处
       arr[right] = arr[left];
   3
   // left 与 right 重合,将 pivot 赋值到此位置
   arr[left] = pivot;
   // 返回 pivot 元素的索引
   return left;
void quickSort(int* arr, int left, int right){
   if (left < right) {</pre>
       int mid = partition(arr, left, right);
       quickSort(arr, left, mid-1);
       quickSort(arr, mid+1, right);
   3
}
```

② 原理:

- 1. 每次选择数组第一个值作为基准,左指针指向第一个元素,右指针指向最后一个元素。首先右指针从右往左找比基准值小的元素,找到后赋值到左方指针;然后左指针从左往右找比基准值大的元素,找到后复制到右方指针……然后左指针与右指针将重合,将基准值赋值到此位置,则基准值左边的都为比基准值小的值,基准值右边的都为比基准值大的值。
- 2. 基准值的下标用 mid 表示。随后对基准值左边和右方的子数组分别继续进行上述步骤,最后将得到从小到大的有序数组。

平均时间复杂度: O(nlogn) 最佳时间复杂度: O(nlogn) 最差时间复杂度: O(n^2)

稳定性: 不稳定

2. 算法测试

本次测试使用三种规模的数据集: 1000、10000、100000。其中随机生成的数据大小范围为[-100,100].

考虑三种排序的最坏情况和最好情况:

堆排序:

最坏情况:根据大根堆的构造方式我们可以得知,二叉树下方越多数值大的数,构造大根堆所需要的移动比较次数越多。简单推理可以知道堆排序的最坏情况为顺序数据集。

最好情况:显然,最好情况为逆序数据集。

归并排序:

最坏情况:考虑到无论如何,归并排序的赋值次数相等,我们对比较次数进行考虑。可以得知,若合并时第一轮进行比较后只剩下一个数没有被放进临时数组中,则比较次数是最多的,为 n-1 次 (n 为当前临时数组的长度),这就是最坏情况。一个实例为,对 1, 5, 3, 7, 2, 6, 4, 8 进行归并排序,递归返回的每一组合并都需要最多次数的比较。最坏情况分法为:递归地对每一个数组分为下标为奇数的数组和下标为偶数的数组。

最好情况:同样显然,最好情况【的其中一种】为顺序数据集。

快速排序(基准值取数组第一个数):

最坏情况:若数据为顺序或逆序,则快速排序的分治将失效,算法时间复杂度退化为 O(n^2)。这是最坏情况(每一次基准值都为最大或最小值)。

最好情况:每一次基准值都将数组均匀分为两半。(评分没要求,但尝试了一下,没构造出来,大概是一个顺序数组的二叉树中序遍历,但快排一次排序会交换位置,所以不知道怎么处理)

故我们需要构造的数据集种类为:

- ① 顺序、逆序数据集
- ② 随机数据集 (模拟平均情况)
- ③ 归并排序的最坏情况的数据集

(1) 移动、比较次数

注意:比较次数只考虑数组元素本身的比较次数,下标的比较次数不统计在内。

移动次数这里定义为:若<u>所赋的值(右值)是数组内的数,则算作一次移动(赋值给</u>中间变量也算一次移动)

① 堆排序

1000 个数据、顺序(最坏情况):

way:heapSort

compare_count:17626
assign_count:21914

1000 个数据、逆序(最好情况):

way:heapSort

compare_count:15982 assign_count:19130

1000 个数据、随机生成(平均情况):

way:heapSort

compare_count:16896
assign_count:20696

10000 个数据、顺序(最坏情况):

way:heapSort

compare_count:244576 assign_count:288910

10000 个数据、逆序(最好情况):

way:heapSort

compare_count:226720 assign_count:258390

10000 个数据、随机生成(平均情况):

way:heapSort

compare_count:235000
assign_count:272806

100000 个数据、顺序(最坏情况):

way:heapSort

compare_count:3112882
assign_count:3551706

100000 个数据、逆序(最好情况):

way:heapSort

compare_count:2926754 assign_count:3244866

100000 个数据、随机生成(平均情况):

way:heapSort

compare_count:3012026
assign_count:3387824

② 归并排序

1000 个数据、顺序(最好情况):

way:mergeSort

compare_count:5044 assign_count:19952

1000 个数据、构造的最坏情况:

way:mergeSort

compare_count:8977 assign_count:19952

1000 个数据、随机生成(平均情况):

way:mergeSort

compare_count:8690
assign_count:19952

10000 个数据、顺序(最好情况):

way:mergeSort

compare_count:69008
assign_count:267232

10000 个数据、构造的最坏情况:

way:mergeSort

compare_count:123617
assign_count:267232

10000 个数据、随机生成(平均情况):

way:mergeSort

compare_count:120464 assign_count:267232

100000 个数据、顺序(最好情况):

way:mergeSort compare_count:853904 assign_count:3337856

100000 个数据、构造的最坏情况:

way:mergeSort
compare_count:1568929
assign_count:3337856

100000 个数据、随机生成(平均情况):

way:mergeSort
compare_count:1534608
assign_count:3337856

③ 快速排序

1000 个数据、顺序(最坏情况):

way:quickSort
compare_count:501498
assign_count:2997

1000 个数据、逆序(最坏情况):

way:quickSort compare_count:501498 assign_count:2997

1000 个数据、随机生成(平均情况):

way:quickSort
compare_count:15743
assign_count:5233

10000 个数据、顺序(最坏情况):

way:quickSort
compare_count:50014998
assign_count:29997

10000 个数据、逆序(最坏情况):

way:quickSort
compare_count:50014998
assign_count:29997

10000 个数据、随机生成(平均情况):

way:quickSort
compare_count:365496
assign_count:57170

100000 个数据、顺序(最坏情况): 爆栈!

100000 个数据、逆序(最坏情况): 爆栈!

100000 个数据、随机生成(平均情况):

way:quickSort
compare_count:22196827
assign_count:580936

制表如下: 比较次数:

N=1000、比较次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	17626	8977	501498
最好情况	15982	5044	/
平均情况	16896	8690	15743

N=10000、比较次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	244576	123617	501498
最好情况	226720	69008	/
平均情况	235000	120464	15743

N=100000、比较次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	3112882	1568929	NA
最好情况	2926754	853904	/
平均情况	3012026	1534608	22196827

移动次数:

N=1000、移动次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	21914	19952	2997
最好情况	19130	19952	/
平均情况	20696	19952	5233

N=10000、移动次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	288910	267232	29997
最好情况	258390	267232	/
平均情况	272806	267232	57170

N=100000、移动次数	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	3551706	3337856	NA
最好情况	3244866	3337856	/
平均情况	3387824	3337856	580936

移动、比较次数总结:

- 1. 堆排序的最好、最坏和平均情况之间的比较移动次数相差并不大。
- Ⅱ.归并排序的最好、最坏和平均情况的比较次数相差较大,移动次数永远一致。
- Ⅲ.快速排序的最坏情况与平均情况相比比较次数相差十分多,但**移动次数反而减少**,

且在数据集较大时就会出现爆栈现象。

Ⅳ.通过多次实验,可以总结得出:

归并排序的比较次数是最优的,一般仅为堆排序的 1/2; 快速排序的比较次数最多, 且最差情况为 O(n^2).堆排序较为稳定。

归并排序的移动次数在任何情况都不变; 堆排序移动次数在好情况与坏情况也相差不大。 但快排是相反的: 最坏情况反而移动次数较少。但快速排序的复杂度实际上由比较次数主导。

总的来说,归并排序和堆排序的复杂度都稳定在 O(nlogn),快速排序一般情况下也为 O(nlogn), 但快速排序最差情况可退化为 O(n^2).

(2) 时间测试

前提:去掉所有移动、比较次数累加语句;在 N=100000 下测试(三种算法效率都比较高, N 太小无法看出差别)

制表如下:

N=100000 单位: s	堆排序	归并排序	快速排序
最坏情况	0.014961s	0.025931s	NA
最好情况	0.010968s	0.019946s	/
平均情况	0.013965s	0.024966s	0.053855s

(3) 算法复杂度分析

① 堆排序

初始化堆:

设元素个数为 n, 则堆的高度:

$$k = ceil(\log_2(n+1)) \approx ceil(\log_2 n)$$

非叶子节点的个数为:

$$2^{k-1} - 1$$

假设每个非叶子节点都要调整,则第 i 层的非叶子节点需要的操作次数为 k-i. 第 i 层共有 2^{i-1} 个节点,则第 i 层的所有节点做的操作总数为:

$$(k-i) \times 2^{i-1}$$

假设为满二叉树(这对结论不产生影响),则共有 k-1 层非叶子节点。总操作数为:

$$\sum_{i=1}^{k-1} ((k-i) \times 2^{i-1}) = 2^k - k + 1 = n - \log_2 n + 1$$

即为O(n)

调整堆:

显然总移动数:

$$\sum_{x=1}^{n-1} \log_2 x = \log_2 (n-1)!$$

根据斯特林公式, $\log_2(n-1)! \approx n \log_2 n$ 即堆排序总时间复杂度稳定在 $O(n \log_2 n)$

② 归并排序

设数组长度为 n, 递推式为:

$$T(n) = 2T\left(\frac{n}{2}\right) + n$$

代入 $\frac{n}{2}$ 、 $\frac{n}{4}$,可得到拓展式:

$$T(n) = 2^k T\left(\frac{n}{2^k}\right) + kn$$

其中 k 为堆栈最大层数 (顶层为第 0 层).易知

$$k = \log_2 n$$

代入得

$$T(n) = nT(1) + n\log_2 n$$

T(1)=0.故有:

$$T(n) = n \log_2 n$$

即归并排序总时间复杂度稳定在 $O(n \log_2 n)$

③ 快速排序

在最优情况,也就是每次基准值都为数组中间值时,递推式为:

$$T(n) = 2T\left(\frac{n}{2}\right) + n$$

同归并排序。所以**最优情况时间复杂度为O(n \log_2 n)**.

在最差情况,也就是每次基准值都为最大或最小值时,每次划分只得到比上一次划分少一个数字的数组(另一边数组长度为0).则比较次数为

$$\sum_{i=1}^{n-1} (n-i) = \frac{n(n-1)}{2}$$

所以最差情况时间复杂度为 $O(n^2)$.

三、出现问题及解决

(列出你在实验中遇到了哪些问题以及是如何解决的)

问题一: 快速排序的最优情况的数据集构建。

最优情况显然是每一次选中的基准值都是数组中间值。但因为快速排序时会有元素位置的交换,斟酌数个小时过后还是无法想到如何逆向表达位置的交换。询问老师,老师也暂时未能想出。但基本上确定是<u>中序遍历为升序的平衡二叉树</u>的变形。

问题二: 快速排序最差情况在 N=100000 时无输出。

经查证,是爆栈问题。可以将基准值调整为 left、mid、right 中的中间值以改善快速排序的效率(但这就不是最差情况了)。

四、总结

(对所实现算法的总结评价,如时间复杂度,空间复杂度,是否有能够进一步提升的空间,不同实现之间的比较,不同情况下的效率,通过实验对此算法的认识与理解等等)

通过这次试验,堆排序、归并排序以及快速排序已经深深地印在我的脑海里。 我对三种排序的腾挪次数和比较次数有了深刻的理解,对三种排序的时间复杂度 的推导有了清晰的认识。我觉得本次实验最有挑战性的是数据集针对各种情况的 设计。这需要对算法本身有着全面而清晰的认识。