AD01_GSE1297 -	1	0.66	0.68	0.71	0.59	0.72	0.6	0.68	0.68	0.69	0.69	0.71	0.7	0.7	0.67	0.67	0.69	0.7	0.68	0.69	0.69	0.57	0.71	0.66	0.66	0.58			
AD02_GSE12685 -	0.66	1	0.68	0.72	0.56	0.72	0.69	0.69	0.65	0.72	0.79	0.72	0.75	0.71	0.72	0.75	0.74	0.76	0.72	0.74	0.71	0.58	0.76	0.69	0.8	0.58			
AD03_GSE28146 -	0.68	0.68	1	0.69	0.62	0.7	0.6	0.65	0.64	0.7	0.69	0.74	0.72	0.71	0.68	0.73	0.72	0.72	0.66	0.73	0.69	0.53	0.69	0.68	0.64	0.66			
AD04_GSE53695 -	0.71	0.72	0.69	1	0.61	0.81	0.65	0.74	0.65	0.84	0.83	0.81	0.85	0.81	0.68	0.75	0.86	0.84	0.87	0.81	0.74	0.59	0.85	0.72	0.85	0.58			
AD05_GSE53697 -	0.59	0.56	0.62	0.61	1	0.68	0.51	0.63	0.62	0.65	0.57	0.6	0.61	0.7	0.59	0.58	0.57	0.57	0.6	0.57	0.6	0.66	0.59	0.55	0.53	0.49			
ALS1_GSE833 -	0.72	0.72	0.7	0.81	0.68	1	0.61	0.81	0.71	0.88	0.83	0.81	0.83	0.85	0.72	0.78	0.79	0.79	0.84	0.79	0.76	0.68	0.82	0.71	0.78	0.58			
ALS2_GSE4595 -	0.6	0.69	0.6	0.65	0.51	0.61	1	0.58	0.54	0.59	0.6	0.6	0.63	0.59	0.56	0.67	0.63	0.63	0.58	0.6	0.57	0.49	0.62	0.58	0.65	0.47			
ALS3_GSE19332 -	0.68	0.69	0.65	0.74	0.63	0.81	0.58	1	0.7	0.77	0.73	0.76	0.75	0.77	0.67	0.68	0.73	0.73	0.78	0.74	0.77	0.68	0.78	0.71	0.71	0.52			
ALS4_GSE52672 -	0.68	0.65	0.64	0.65	0.62	0.71	0.54	0.7	1	0.71	0.71	0.7	0.68	0.74	0.68	0.64	0.66	0.65	0.7	0.67	0.69	0.61	0.69	0.62	0.63	0.57			
ALS5_GSE68605 -	0.69	0.72	0.7	0.84	0.65	0.88	0.59	0.77	0.71	1	0.84	0.84	0.86	0.86	0.72	0.78	0.82	0.81	0.87	0.82	0.78	0.66	0.85	0.71	0.8	0.55			
ED01_GSE32534 -	0.69	0.79	0.69	0.83	0.57	0.83	0.6	0.73	0.71	0.84	1	0.82	0.84	0.82	0.74	0.77	0.83	0.83	0.86	0.81	0.74	0.6	0.84	0.72	0.86	0.59	•	1	.0
HD01_GSE64810 -	0.71	0.72	0.74	0.81	0.6	0.81	0.6	0.76	0.7	0.84	0.82	1	0.88	0.86	0.73	0.78	0.82	0.84	0.86	0.82	0.79	0.62	0.86	0.73	0.79	0.63	-	0	9.0
HD02_GSE77558 -	0.7	0.75	0.72	0.85	0.61	0.83	0.63	0.75	0.68	0.86	0.84	0.88	1	0.85	0.73	0.78	0.84	0.85	0.86	0.83	0.78	0.64	0.88	0.74	0.84	0.6	-	0	8.0
HD03_GSE79666 -	0.7	0.71	0.71	0.81	0.7	0.85	0.59	0.77	0.74	0.86	0.82	0.86	0.85	1	0.71	0.78	0.79	0.79	0.86	0.8	0.78	0.67	0.84	0.72	0.79	0.57		0).7
HD04_GSE97100 -	0.67	0.72	0.68	0.68	0.59	0.72	0.56	0.67	0.68	0.72	0.74	0.73	0.73	0.71	1	0.69	0.69	0.71	0.7	0.72	0.72	0.59	0.73	0.7	0.7	0.6			0.6
MS01_GSE32915 -	0.67	0.75	0.73	0.75	0.58	0.78	0.67	0.68	0.64	0.78	0.77	0.78	0.78	0.78	0.69	1	0.77	0.77	0.76	0.77	0.7	0.58	0.78	0.7	0.77	0.61		0).5
MS02_GSE38010 -	0.69	0.74	0.72	0.86	0.57	0.79	0.63	0.73	0.66	0.82	0.83	0.82	0.84	0.79	0.69	0.77	1	0.87	0.84	0.84	0.77	0.59	0.85	0.72	0.84	0.59			
MS03_GSE52139 -	0.7	0.76	0.72	0.84	0.57	0.79	0.63	0.73	0.65	0.81	0.83	0.84	0.85	0.79	0.71	0.77	0.87	1	0.83	0.83	0.76	0.58	0.87	0.72	0.83	0.62			
nCoV-2019_COVID19 -	0.68	0.72	0.66	0.87	0.6	0.84	0.58	0.78	0.7	0.87	0.86	0.86	0.86	0.86	0.7	0.76	0.84	0.83	1	0.82	0.76	0.64	0.9	0.7	0.84	0.52			
PD01_GSE7621 -	0.69	0.74	0.73	0.81	0.57	0.79	0.6	0.74	0.67	0.82	0.81	0.82	0.83	0.8	0.72	0.77	0.84	0.83	0.82	1	0.78	0.61	0.84	0.76	0.82	0.62			
PD02_GSE19587 -	0.69	0.71	0.69	0.74	0.6	0.76	0.57	0.77	0.69	0.78	0.74	0.79	0.78	0.78	0.72	0.7	0.77	0.76	0.76	0.78	1	0.6	0.8	0.69	0.75	0.58			
PD03_GSE20141 -	0.57	0.58	0.53	0.59	0.66	0.68	0.49	0.68	0.61	0.66	0.6	0.62	0.64	0.67	0.59	0.58	0.59	0.58	0.64	0.61	0.6	1	0.64	0.6	0.58	0.45			
PD04_GSE20333 -	0.71	0.76	0.69	0.85	0.59	0.82	0.62	0.78	0.69	0.85	0.84	0.86	0.88	0.84	0.73	0.78	0.85	0.87	0.9	0.84	0.8	0.64	1	0.75	0.87	0.58			
PD05_GSE28894 -	0.66	0.69	0.68	0.72	0.55	0.71	0.58	0.71	0.62	0.71	0.72	0.73	0.74	0.72	0.7	0.7	0.72	0.72	0.7	0.76	0.69	0.6	0.75	1	0.73	0.56			
PD06_GSE42966 -	0.66	0.8	0.64	0.85	0.53	0.78	0.65	0.71	0.63	0.8	0.86	0.79	0.84	0.79	0.7	0.77	0.84	0.83	0.84	0.82	0.75	0.58	0.87	0.73	1	0.54			
PD07_GSE68719 -	0.58	0.58	0.66	0.58	0.49	0.58	0.47	0.52	0.57	0.55	0.59	0.63	0.6	0.57	0.6	0.61	0.59	0.62	0.52	0.62	0.58	0.45	0.58	0.56	0.54	1			
	- AD01_G	- AD02_G	- AD03_G	- AD04_G	- AD05_G	- ALS1_GSE833	- ALS2_G	- ALS3_G	- ALS4_G	- ALS5_G	- ED01_G	- HD01_G	- HD02_G	- HD03_G	- HD04_G	- MS01_0	- MS02_G	- MS03_G	- nCoV-2	- PD01_G	- PD02_G	- PD03_G	- PD04_G	- PD05_G	- PD06_G	- PD07_G			
	AD01_GSE1297	AD02_GSE12685	AD03_GSE28146	_GSE53695	AD05_GSE53697	SE833	GSE4595	_GSE19332	GSE52672	GSE68605	ED01_GSE32534	HD01_GSE64810	GSE77558	HD03_GSE79666	GSE97100	_GSE32915	_GSE38010	MS03_GSE52139	nCoV-2019_COVID	PD01_GSE7621	PD02_GSE19587	PD03_GSE20141	_GSE20333	GSE28894	PD06_GSE42966	GSE68719			
																			19										