# 大数据分析复习笔记

### 一些概念

• 相似项: 共同元素比例较高的集合对

•  $TF - IDF = \frac{f_i}{max_k f_k} imes \log_2 \frac{N}{n}$  , 词项在某一篇文档中的得分,得分越大,词项越重要

• 哈希函数:将某种数据类型的哈希键映射为整型的桶编号

• 集群计算:由计算节点集群而成

• 分布式文件系统:面向大规模文件系统的架构,文件由大小为64MB的文件块组成

### 两个相似度的计算

• 余弦相似度

$$sim(X,Y) = cos(X,Y) = \frac{X \cdot Y}{|X| \cdot |Y|}$$

余弦距离: 1 - cos(X, Y)

• Jaccard 相似度

$$sim(X,Y) = \frac{|A \cap B|}{|A \cup B|}$$
, 其中 $A$ 和 $B$ 都是集合

Jaccard 距离: 1 - sim(X, Y)

### 聚类算法

- 层次聚类的过程
  - 开始时,每个点看成一个簇
  - 。 选择具有最短簇距离的两个簇进行合并,并计算簇新的质心
  - 。 算法终止前重复上述步骤
- kmeans 算法
  - o 选择k个初始点,这k个点尽可能在k个不同的簇中 (**关于如何选择这**k**个点例题有解释**)
  - 。 遍历每一个还未加入簇的点,将它加入离它最近的质心所在的簇,更新该簇的质心
  - 。 一直到遍历完所有的点, 算法终止
- BFR算法中几个重要概念及其计算 (例题计算)
  - $\circ$  簇中点的数目N,每个点的维度为d
  - $\circ$  簇中所有点在每一个维度的分量之和,可以组成一个长度为 d 的向量 SUM
  - 。 簇中所有点在每一个维度的分量平方和,可以组成一个长度为 d 的向量 SUMSQ
  - 。 在第i维的方差:  $SUMSQ_i/N (SUM_i/N)^2$ ,方差也是一个长度为d的向量,每一维标准差则是相应方差的开方

#### 数据流挖掘:数据以流的方式到来,如果不及时处理或存储数据会永久流失

• 流当中的数据抽样(概念有点抽象)

这里需要了解一下如何利用哈希桶对用户进行抽样。假设我们想从所有用户中得到  $\frac{a}{b}$  比例的样本,需要将用户名映射到 b 个编号为 0 到b-1 的哈希桶中。我们需要通过 Hash(username)%b < a 来判断用户名是否保留在样本中(为真则保留在样本中,为假则从样本中舍弃)。

- 流过滤
  - 。 假阳率:本来不能过滤的元素中通过过滤的比例,计算公式为:  $(1-e^{\frac{-kn}{n}})^k$

- 。 上式使用了布隆过滤器,n 表示数组的位数,k 表示哈希函数的数目,m 表示集合 S 中元素的数目。这代表说,即使某一元素不在集合 S 中,它仍有一定的概率通过布隆过滤器,这就是假阳率。
- 。 布隆过滤器的工作机制:位数组所有位初始值为0,对 S 中每一个元素利用每一个哈希函数进行处理。对于一些哈希函数  $h_i$  和 S 中的元素 K 而言,每一个  $h_i$  (K )对应的位置值为1。 当 K 元素到达时,若 $h_i(K)$ 对应的位置为1, $\forall i$ ,允许该流元素通过。否则只要有一位为0,不允许通过。
- 流中独立元素计数(流当中从某个时刻开始出现的不同元素的数目)
  - FM 算法:流中看到的不同元素越多,看到的不同哈希值也会越多,看到一个异常值的可能性越大,一个异常值(二进制)尾部通常以多个0结束
  - $\circ$  尾长: 对流元素 a 运用哈希函数时, 二进制串 h(a) 尾部连续0的数目
  - 。 假设数据流中所有已有元素中 a 的尾长 R 最大, 则用  $\frac{2^R}{\phi}$  ,  $\phi=0.77351$  来估计目前为止看到的独立元素的数目
- 矩的计算与二阶矩估计: AMS 算法  $(X_i.element ightarrow X_i.value)$   $n \times (2 \times X_i.value 1)$
- 窗口计数
  - 所谓窗口,就是二进制数据流,如01110001010111
  - 。 使用 DGIM 算法估计窗口中最后 k 位中 1 的个数(看例题)。窗口最右部的流元素对应的时间戳为 t 。 DGIM 算法能够使用  $O(\log^2 N)$  位来表示大小 N 位的窗口(N 位二进制数据流),同时保证窗口内 1 的数目估计错误率不高于 50% 。算法把流划分成多个桶,满足下述条件:
    - 桶最右部位置上总为1
    - 桶的大小是所包含的1的数目, 且必须为2的幂
    - 从右到左,桶的大小不会减小
    - 相同大小的桶的数目为1或2

#### 相似项发现

- k-shingle 的定义: 一篇文档中任意长度为 k 的子串,这里是把一篇文档当作一个字符串。对于像邮件的文档,k 选择 5 ; 而对于像论文一样的文档,k 选择 9 比较合适。(例3.2.1,答案在 solution3)可以用文档的 k-shingle 集合之间的 Jaccaard 相似度来计算文档之间的文本相似度。
- 特征矩阵: 例3.6, 要素: 全集和子集
- 两个集合(例如  $S_i$  ,  $S_j$ )经过随机排列转换之后得到的两个最小哈希值( $S_i$  列元素中第一个列值为1的元素的行号)相等的概率等于这两个集合的 Jacard 相似度
- 学会计算最小哈希签名以及利用签名矩阵估计两个原始集合的 Jaccard 相似度

#### 推荐系统:这一章还是考察相似度计算比较多

- 效用矩阵: A 、B 、C 是用户, a 、b 、c 、d 、e 、f 、g 是项 。推荐系统的目标是预测效用矩阵的空白项。
- 长尾效应: 网络世界与实体世界推荐系统的差异
- 基于内容的推荐系统关注项的属性。项之间的相似度通过它们特征向量之间的相似度来确定

- 基于协同过滤的推荐系统关注两个项的用户评分之间的相似度(看例题)
- 如何表述两种推荐系统的推荐机制
  - 基于内容的系统:一个用户观看了多部科幻片,则系统会向该用户推荐数据库中属于"科幻"类的电影
  - 协同过滤系统:系统会把与用户A相似的用户B所喜欢的电影推荐给用户A

### 频繁项集

- 项、项集和频繁项集的概念(后面的频繁桶的计算方式也是一样的)
- 支持度和支持度阈值
- 频繁项集的应用:零售商知道哪些商品通常会被顾客一起购买
- 关联规则:

任给一个项集I,对于I的一真子集A,可以生成一个规则: $A \to I/A$ ,其中I/A是I除去A的子集

- 。 可信度计算方法:  $confidence(A \to I/A) = \frac{support(I)}{support(A)}$  。该关联规则的意义是: 如果 A 中所有项出现在某个购物篮,I/A 中的所有项也很有可能出现这个购物篮中。
- $\circ$  兴趣度计算方法:可信度减去包含 I/A 的比率
- Apriori 算法: 就是不断生成候选项集集合并从中筛选出真正频繁的项集(从1阶开始)
- PCY 算法 : 与 Apriori 算法相比,它主要是降低了候选项集集合  $C_2$  的规模。

它主要通过哈希桶来优化算法。首先对于项对  $\{i,j\}$  , i和j 肯定都是一阶频繁项集,将  $\{i,j\}$  映射 到某个哈希桶中。如果该哈希桶是频繁桶,那么这个二阶项集有可能是频繁项集;如果这个哈希桶不频繁,那这个二阶项集就不可能是频繁项集。

#### **PageRank**

- 一个网页的 PageRank 越高,那么它越重要
- 计算转移矩阵 M(每一列的元素之和为1),参照例5.1
- Dead ends:这一点没有出链,最后秩向量的分量为0
- *Spider trap*: 这一点的出链指向自己(或是某几个点组成的集合中的点都没有出链指向外部的点),最后秩向量除该点表示的分量为1外,其余分量都为0
- 抽税法计算 PageRank:  $v^* = \beta Mv + (1-\beta)\frac{\vec{e}}{n}, \quad \beta = 0.85, \quad \vec{e}$ 是单位向量,v初始为 $\frac{\vec{e}}{n}$
- 有偏向的随机游走(面向主题),计算公式大体同抽税法,从 Web 图选出部分节点,组成集合 S ,则 n 为 S 中节点的个数, $\vec{e}$  中对应 S 中节点的分量为1,其余为0
- Web (不可达网页、可达网页和自有网页) 和 Spam farm 中 PageRank 的计算
- TrustRank 的计算 (有偏随机游走计算法)
- Spam  $Mass = \frac{PageRank TrustRank}{PageRank}$

# 本课程特色的奇异值分解

看懂教材例子即可,一般学会计算  $3 \times 2$  的矩阵

## **Mapreduce**

• map:輸出键-值对序列

• reduce:每次作用于一个键及其对应关联值表,并以某种方式组合起来输出。

注意看教材每章节小结,完全不需要看PPT,把本笔记、教材章节小结与教师布置的课后练习吃透,期末即可保证90以上