### Mi tesis

Mi nombre es

1/6/25

## Tabla de contenidos

Pr	r <b>eface</b> Aquí para tips y demás	<b>5</b> 5
1	Resumen	6
2	Introducción         2.1       Una cita          2.2       Experimental	<b>7</b> 7
3	Metodología	12
4	Resultados	13
5	Referencias	14

# Listado de Figuras

2.1	An example scheme	9
2.2	Los famosos gatos siames	10
2.3	Esquema de metodología. La metodología que seguimos se dividió en tres	
	fases: la preparación de los datos, donde se genera el agrupamiento de	
	los organismos representativos por clase a una profundidad taxonómica	
	de género. Adicionalmente, en esta etapa también se construyó la matriz	
	semilla para la búsqueda inicial de motivos, basados en la posición de un	
	gen rpoN dentro de un operón. La segunda etapa incluye la predicción de	
	los promotores, o posibles genes blanco, en los genomas de los organismos	
	de estudio y la evaluación de la predicción respecto a los datos del	
	sigmulón de Escherichia coli, anotados en RegulonDB. En la tercera fase	
	se realiza el análisis de la distribusión hipergeométrica de los grupos de	
	ortología (COGs) con valores estadísticos significativos en las diferentes	
	clases filogenéticas y su interpretación funcional biológica.	11

## Listado de Tablas

2.1	An example table	7
	Esta es una tabla de promedios	
2.3	An example table with notes	8

### **Preface**

This is a Quarto book.

To learn more about Quarto books visit https://quarto.org/docs/books.

### Aquí para tips y demás

Aquí vas a encontrar tips e información para hacer arreglos a tu tesis, como:

- insertar figuras
- tablas
- formato para personalizar tu template
- etc etc...



Espero te sea muy útil, para agradecimientos en tu tesis : Maricela Carrera Reyna

## 1 Resumen

### 2 Introducción

Aquí hay un footnote <sup>1</sup>

Aquí va tip:

#### 2.1 Una cita

Aquí va una cita. Knuth (1984)

#### 2.2 Experimental

The usual experimental details should appear here. This could include a table, which can be referenced as Tabla 2.1. Tabla 2.2 Notice that the caption is positioned at the top of the table.

Tabla 2.1: An example table

Header one	Header two
Entry one Entry three Entry five Entry seven	Entry two Entry four Entry six Entry eight

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>Interesantemente, aunque la biogénesis flagelar se conserva entre las bacterias, los mecanismos utilizados para regular la expresión génica flagelar varían mucho entre las diferentes especies bacterianas. Tomando en cuenta las jerarquías transcripcionales flagelares en varias especies bacterianas, la regulación de los genes flagelares está relacionada con otros procesos, como la fase de crecimiento, la detección de quórum y la colonización del huésped. Knuth (1984)

Tabla 2.2: Esta es una tabla de promedios

Juego	Compañia	Clasificacion	Precio (MXN)
Animal Crossing Persona 5 Final Fantasy VII Fortnite	Atlus		1600 1500 1500 0

You may add footnotes to ables as illustrated (Tabla 2.3).

Tabla 2.3: An example table with notes

Header one	Header two
Entry one <sup>2</sup> Entry three <sup>3</sup> Entry five Entry seven	Entry two Entry four Entry six Entry eight

La figura Figura 2.2 puchis pushis

<

>

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup>This is a footnote

 $<sup>^3</sup>$ This is a second note

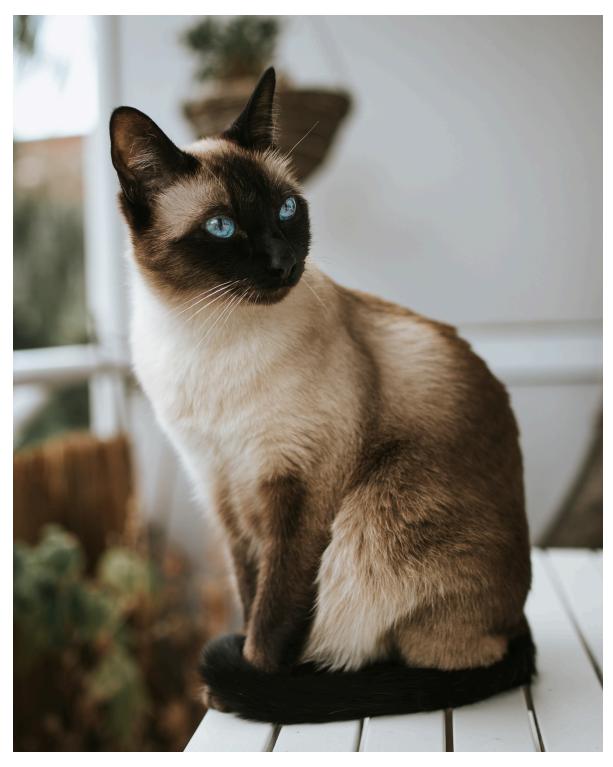


Figura 2.1: An example scheme



Figura 2.2: Los famosos gatos siames



Figura 2.3: Esquema de metodología. La metodología que seguimos se dividió en tres fases: la preparación de los datos, donde se genera el agrupamiento de los organismos representativos por clase a una profundidad taxonómica de género. Adicionalmente, en esta etapa también se construyó la matriz semilla para la búsqueda inicial de motivos, basados en la posición de un gen rpoN dentro de un operón. La segunda etapa incluye la predicción de los promotores, o posibles genes blanco, en los genomas de los organismos de estudio y la evaluación de la predicción respecto a los datos del sigmulón de Escherichia coli, anotados en RegulonDB. En la tercera fase se realiza el análisis de la distribusión hipergeométrica de los grupos de ortología (COGs) con valores estadísticos significativos en las diferentes clases filogenéticas y su interpretación funcional biológica.

< >

kjsksndkjahdkjsahd

# 3 Metodología

### 4 Resultados

Here is an inline note.<sup>1</sup>

Outset content...

#### Nota

Note that there are five types of callouts, including: note, warning, important, tip, and caution.

#### **?** Tip With Caption

This is an example of a callout with a caption.

Here is some big text and some small text.

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>Inlines notes are easier to write, since you don't have to pick an identifier and move down to type the note.

### **5** Referencias

 Knuth, Donald E. 1984. ń Literate Programmingż. Comput. J. 27 (2): 97-111. https://doi.org/10.1093/comjnl/27.2.97.