Alignment Distribution 5000 -4000 -Total Bases (millions) Ribosomal 3000 -Coding **UTR** Intronic 2000 **-**Intergenic 1000 -0 skiblicis pis skiblicis pis skiblio pir cis pis skiblio pis pis skiblio pir cis pis skiblio pis pis cis pis skiblio pis cis pis skiblio pis cis pi