

报告题目：基于 Matlab 的遗传算法解决 TSP 问题

**说明：**该文包括了基于 Matlab 的遗传算法解决 TSP 问题的基本说明，并在文后附录了实现该算法的所有源代码。此代码经过本人的运行，没有发现错误，结果比较接近理论最优值，虽然最优路径图有点交叉。

因为本人才疏学浅，本报告及源代码的编译耗费了本人较多的时间与精力，特收取下载积分，还请见谅。若有什么问题，可以私信，我们共同探讨这一问题。

希望能对需要这方面的知识的人有所帮助！

# 1.问题介绍

旅行商问题(Traveling Salesman Problem, 简称TSP)是一个经典的组合优化问题。它可以描述为: 一个商品推销员要去若干个城市推销商品, 从一个城市出发, 需要经过所有城市后, 回到出发地, 应如何选择行进路线, 以使总行程最短。从图论的角度看, 该问题实质是在一个带权完全无向图中。找一个权值最小的Hemilton回路。其数学描述为: 设有一个城市集合其中每对城市之间的距离

$d(c_i, c_j) \in R^+$ , 求一对经过C中每个城市一次的路线 $(c_{\pi_1}, c_{\pi_2}, \dots, c_{\pi_n})$ 使

$$\min \sum_{i=1}^{n-1} d(c_{\pi_i}, c_{\pi_{i+1}}) + d(c_{\pi_n}, c_{\pi_1})$$

其中 $\pi_1, \pi_2, \dots, \pi_n$ 是 $(1, 2, \dots, n)$ 的一个置换。

## 2.遗传算法

### 2.1 遗传算法基本原理

遗传算法是由美国 J. Holland 教授于 1975 年在他的专著《自然界和人工系统的适应性》中首先提出的, 它是一类借鉴生物界自然选择和自然遗传机制的随机化搜索算法。

遗传算法模拟自然选择和自然遗传过程中发生的繁殖、交叉和基因突变现象, 在每次迭代中都保留一组候选解, 并按某种指标从解群中选取较优的个体, 利用遗传算子(选择、交叉和变异)对这些个体进行组合, 产生新一代的候选解群, 重复此过程, 直到满足某种收敛指标为止。

遗传算法, 在本质上是一种不依赖具体问题的直接搜索方法, 是一种求解问题的高效并行全局搜索方法。遗传算法在模式识别、神经网络、图像处理、机器学习、工业优化控制、自适应控制、负载平衡、电磁系统设计、生物科学、社会科学等方面都得到了应用。在人工智能研究中, 现在人们认为“遗传算法、自适应系统、细胞自动控制、混沌理论与人工智能一样, 都是对今后十年的计算技术有重大影响的关键技术”。

### 2.2 遗传算法的流程

标准的遗传算法包括群体的初始化, 选择, 交叉, 变异操作。流程图如图 1 所示, 其主要步骤可描述如下:

- (1) 随机产生一组初始个体构成的初始种群, 并评价每一个个体的适配值。
- (2) 判断算法的收敛准则是否满足。若满足输出搜索结果; 否则执行以下步骤。

- (3) 根据适配值大小以一定方式执行选择操作。
- (4) 按交叉概率  $P_c$  执行交叉操作。
- (5) 按变异概率  $P_m$  执行变异操作。
- (6) 返回步骤 (2)。

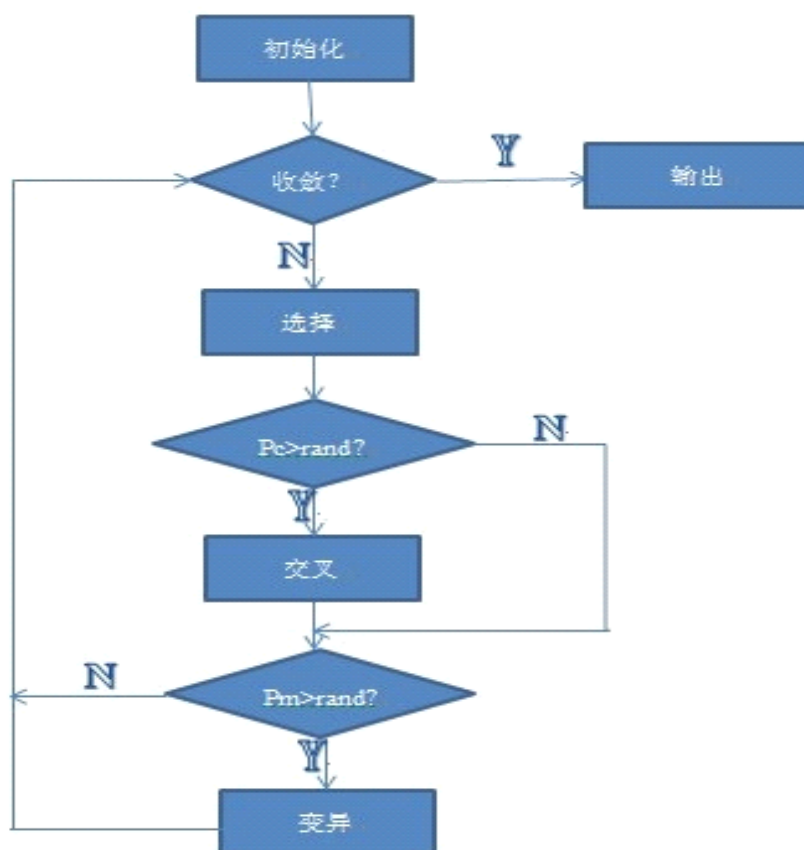


图 1 遗传算法流程图

## 3.TSP 问题的遗传算法设计与实现

### 3.1TSP 问题的图论描述

求最短路径问题，用图论术语描述如下：在图  $G(V,A)$  中， $V$  表示顶点集合， $V=(v_1,v_2,\dots,v_n)$  对  $G$  中的某一边  $(v_i,v_j)$ ，相应的有一个数  $d(v_i,v_j)$ ，如果  $G$  中不存在边  $(v_i,v_j)$ ，则令  $d(v_i,v_j)$  无穷大，如果把  $d(v_i,v_j)$  认为是边  $(v_i,v_j)$  的长度，则通路的长度定义为组成路的各条边的长度总和。顶点  $v_i,v_j$  之间是否有边相连，由邻接矩阵来决定。

邻接矩阵  $A$ : 对一个具有  $v$  个顶点,  $e$  条边的图  $G$  的邻接矩阵  $A=[a_{ij}]$  是一个  $v \times v$  阶方阵, 其中  $a_{ij}=1$ , 表示  $v_i$  和  $v_j$  邻接,  $a_{ij}=0$  表示  $v_i$  和  $v_j$  不相邻接 (或  $i=j$ )。

## 3.2 读取 txt 文件

标准的测试文件一般都是存储  $n \times 2$  的 txt 文件, 为此本人编译了一个 readfile.m 的程序, 方便了不同文件的使用。此程序返回的是城市的坐标矩阵 pop 和城市的距离矩阵 dista。

## 3.3 初始种群

对于  $n$  个城市的问题, 每个个体即每个解的长度为  $n$ , 用  $s$  行,  $t$  列的 pop 矩阵表示初始群体,  $s$  表示初始群体的个数,  $t$  为  $n+1$ , 矩阵的每一行的前  $n$  个元素表示城市编码, 最后一个元素表示这一路径的长度。这一算法通过 start.m 程序实现。

## 3.3 适应度

在 TSP 的求解中, 可以直接用距离总和作为适应度函数。个体的路径长度越小, 所得个体优越, 以 pop 矩阵的每一行最后一个元素作为个体适应值。求适应值的 qiujuli.m 程序, 见附录。

## 3.4 选择

选择就是从群体中选择优胜个体、淘汰劣质个体的操作, 它是建立在群体中个体适应度评估基础上。这里采用方法是最优保存方法。

算法就是首先将群体中适应度最大的  $k$  个个体直接替换适应度最小的  $k$  个个体。程序为 select.m, 见附录。

## 3.5 交叉

受贪婪算法的启发, 本文设计一种有目的使适应值上升的交叉算子。已知两个父代  $a1(m11, m12, m13, \dots, m1n)$ ,  $a2(m21, m22, m23, \dots, m2n)$ , 算法产生后代  $a1'$  和  $a2'$  的过程如下:

- (1) 随机产生一个城市  $d$  作为交叉起点, 把  $d$  作为  $a1'$  和  $a2'$  的起始点
- (2) 分别从  $a1$  和  $a2$  中找出  $d$  的右城市  $dr1$  和  $dr2$ , 并计算  $(d, dr1)$  和  $(d, dr2)$  的距离  $j1$  和  $j2$ 。
- (3) 如果  $j1 < j2$ , 则把  $dr1$  作为  $a1'$  的第二个点, 从  $a1$  和  $a2$  中删除  $d$ , 并且把当前点改为  $dr1$ . 转步骤 (5)。

(4) 如果  $j_1 > j_2$ , 则把  $dr_2$  作为  $a_1'$  的第二个点, 从  $a_1$  和  $a_2$  中删除  $d$ , 并且把当前点改为  $dr_2$ 。

(5) 若此时  $p_1$  和  $p_2$  的个数为 1, 结束, 否则回到第二步继续执行。

同理, 把第二步中的右城市改成左城市  $d_{le1}$  和  $d_{le2}$ , 通过计算  $(d, d_{le1})$  和  $(d, d_{le2})$  的距离并比较大小来确定子代  $a_2'$ 。为程序 `cross.m`, 见附录。

## 3.6 变异

变异操作是以变异概率  $P_m$  对群体中个体串某些基因位上的基因值作变动, 若变异后子代的适应度值更加优异, 则保留子代染色体, 否则, 仍保留父代染色体。这里采用的方法是倒置变异法。

假设当前个体  $X$  为 (1 3 7 4 8 0 5 9 6 2)。如果  $P_m > \text{rand}$ , 那么随机选择来自同一个体的两个点 `mutatepoint(1)` 和 `mutatepoint(2)`, 比如说 3 和 7, 倒置  $P_1$  和  $P_7$  之间的部分, 产生下面的子体  $X'$  为 (1 3 7 5 0 8 4 9 6 2)。为 `mutate.m` 程序, 见附录。

## 4. 试验与结果分析

试验采用 TSPLib 标准库的 `eil51`, `eil76`, `eil101` 作为测试实例。每个实例分别测试五次, 求出平均值和最优值作为比较依据。

问题	求解次数	最优理论解	最优解	最差解	平均值
<code>eil51</code>	5	426	432.3981	445.9899	441.2703
<code>eil76</code>	5	538	561.5283	576.1645	570.2783
<code>eil101</code>	5	629	678.3685	699.7653	693.5415

下面给出五次运行中的最优路径图:

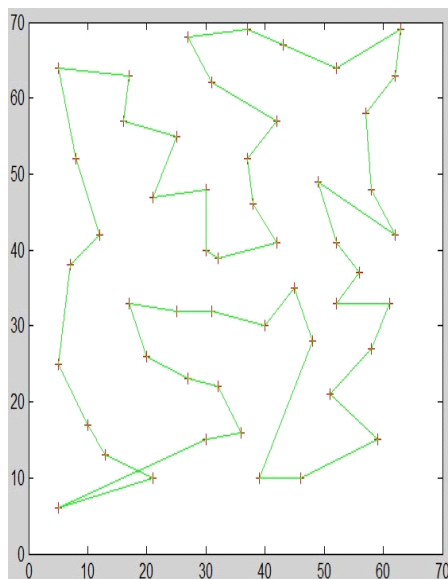


图1 `eil51`最优路径图

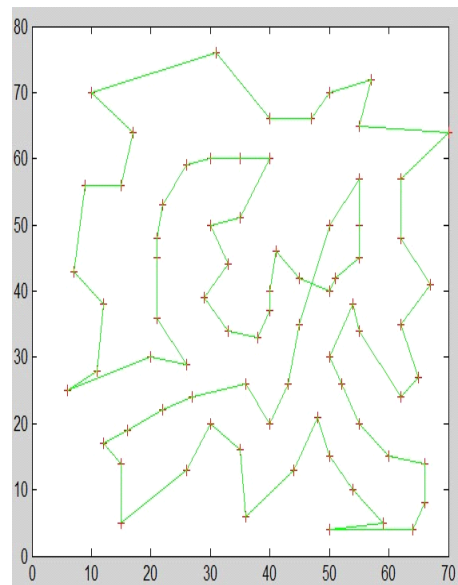


图2 `eil76`最优路径图

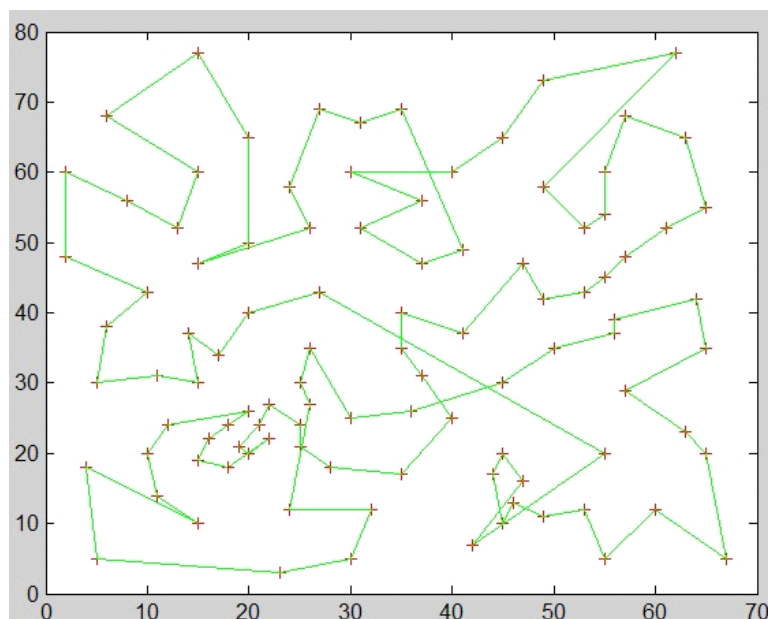


图3 eil101最优路径图

从图中可以看出，所获得路线都有交叉，明显不是最优路径。对于51个城市和76个城市来说，都只有一个交叉，而对于101个城市来说，交叉比较多，求得最优路径的结果也不是太理想。

从参数设置来说，对于51个城市和76个城市，参数：群体总数 $s=400$ ，交叉概率 $P_c=0.9$ ，变异概率 $P_m=0.2$ ，最大迭代次数 $C=100$ 。对于不断调整试验参数中可以得出，最大迭代次数越多，结果比较接近理论最优解。

对于101个城市，参数：群体总数 $s=500$ ，交叉概率 $P_c=0.9$ ，变异概率 $P_m=0.1$ ，最大迭代次数 $C=200$ 。对于不断调整试验参数中可以得出，对于较大数目的城市数，变异概率小一些，得到结果也会相应好一些。

## 5.结语

本文运用Matlab软件，利用遗传算法解决了小规模TSP问题。文章首先介绍了TSP问题，并给出TSP问题的数学定义，然后介绍了遗传算法的原理以及算法的基本过程，最后通过对标准TSPLib中的51、76和101个城市分别进行了测试，根据试验对参数进行分析。本程序解决小规模TSP问题还可以，随着城市数目的增大，计算精度有所下降，计算时间增长很快，效率较低较快，这也是下一步需要改进的地方。

## 6.附录

%此为主程序代码，将下面各个程序分别保存在同一文件下运行，即可得出比较%

好的解，只是会有点交叉，但是最小路径值很接近最优理论值

function ga

```

s=500;%群体中个体数目
k=100;%选择优化个数
Pc=0.9;%交叉概率
Pm=0.1;%变异概率
C=200;%最大循环次数
[M,dista]=readfile(' tsp76.txt');%读取城市坐标文件
[Ncities,b]=size(M);
t=Ncities+1;
farm=start(s,t);      %随机初始化种群
farm=qiujuli(farm,dista);%求出种群的适应度
counter=0;
while counter<=C
    counter=counter+1;
    farm=select(farm,k);%选择
    if(Pc>rand)
        farm=cross(farm,dista);%交叉
    end
    if(Pm>rand)
        farm=mutate(farm,dista);%变异
    end
end
[a,b]=size(farm); %求出总路径中的最小值
A=zeros(1,a);
for i=1:a
    A(1,i)=farm(i,b);
end
shortest_path=min(A)%最短路径值
[c,d]=find(A==shortest_path);
e=c(1);%画出最短路径图
for i=1:Ncities
    plot(M(i,1),M(i,2),'ro');% 'ro' 可改
    hold on
end

for i=1:t-2
    plot_ga(farm(e,1),farm(e,t-1),M);
    plot_ga(farm(e,i),farm(e,i+1),M);
end

```

---

%读取城市坐标的txt文件，格式为n\*2的坐标，n为城市数目，%filename为文件

名，返回n\*2的坐标pop，以及城市距离矩阵%city\_distance，为n\*n

```

function [pop,city_distance]=readfile(filename)
fid=fopen(filename,'r');
pop=fscanf(fid,'%d',[2 inf]);
pop=pop';
[a,b]=size(pop);
city_distance=zeros(a,a);
for i=1:a
    for j=i:a
        city_distance(i,j)=sqrt((pop(i,1)-pop(j,1))^2+(pop(i,2)-pop
(j,2))^2);
        city_distance(j,i)=city_distance(i,j);
    end
end
fclose(fid)

```

---

%生成s\*t列的种群，其中每一行的前t-1个数为1到t-1的随机不重复排列，用于  
 %显示随机行走的路径，最后一列记录这样走的总距离，一般t等于城市数目+1，  
 %s为初始设置的群体中个体数目

```

function pop=start(s,t)
pop=zeros(s,t);
for i=1:s
pop(i,1:t-1)=randperm(t-1);
end

```

---

```

function [a]=bianma(k,u) %编码，生成k个小于u的整数数组
a=zeros(1,k);
aa=0:u-1;
for i=1:k
    point=round(rand*(u-i))+1;
    a(i)=aa(point);
    aa(point)=[];
end

```

---



%该算法主要实现pop矩阵中最后一列的值，即总距离  
function [pop]=qiujiuli(pop,D) %D为城市的距离矩阵， pop为种群  
[s,t]=size(pop);  
for i=1:s  
dd=0;  
for j=1:t-2  
dd=D(pop(i,j),pop(i,j+1))+dd;  
end  
dd=dd+D(pop(i,1),pop(i,t-1)); %dd为每个访遍城市路径  
的

适应度  
pop(i,t)=dd; %存储适应度  
end

---

-----  
-  
-----

%该算法是将群体中适应度最大的k个个体直接替换适应度最小的k个%个体  
function [pop]=select(pop,k)  
[s,t]=size(pop);  
m11=(pop(:,t));  
m11=m11';  
mmax=zeros(1,k);  
mmin=zeros(1,k);  
num=1;  
while num<k+1;  
[a,mmax(num)]=max(m11);  
m11(mmax(num))=0;  
num=num+1;  
end  
num=1;  
while num<k+1;  
[b,mmin(num)]=min(m11);  
m11(mmin(num))=a;  
num=num+1;  
end  
for i=1:k  
pop(mmax(i),:)=pop(mmin(i),:);  
end

---

-----

-----

%交叉算法，主要思想是：每两行进行交叉的操作，使每行的适应度%减少

```
function [pop]=cross(pop,D)
[s,t]=size(pop);
pop1=pop;%保存原群体矩阵
m=zeros(1,t);%初始化交叉后第一个个体
n=zeros(1,t);%初始化交叉后第二个个体
for i=1:2:s %每两行进行交叉操作
    x1=pop(i,:);
    y1=pop(i+1,:);
    x2=pop(i,:);
    y2=pop(i+1,:);
    c1=round(rand*(t-2))+1; %生成1到t-1之间的随机整数
    c2=c1;
    m(1)=c1;
    n(1)=c2;
    j=2;
    while size(x1,2)>2 %判断是否继续
        l=find(x1==c1);
        h=find(x2==c2);
        if l==t+1-j
            lr=1;
        else
            lr=l+1;
        end
        if h==1
            hle=t+1-j;
        else
            hle=h-1;
        end
        q=find(y1==c1);
        z=find(y2==c2);
        if q==t+1-j
            qr=1;
        else qr=q+1;
        end
        if z==1
            zle=t+1-j;
        else zle=z-1;
        end
        if D(c1,x1(lr))<D(c1,y1(qr)) %根据比较两点间距离进行交换
```

```

        m(j)=x1(1r);
        c1=x1(1r);
    else
        m(j)=y1(qr);c1=y1(qr);
    end
    x1(1)=[]; %删除父节点
    y1(q)=[]; %删除父节点
    if D(c2,x2(h1e))<D(c2,y2(z1e))%根据比较两点间距离进行交换
        n(j)=x2(h1e);
        c2=x2(h1e);
    else
        n(j)=y2(z1e);c2=y2(z1e);
    end
    x2(h)=[];%删除父节点
    y2(z)=[];%删除父节点
    j=j+1;
end
pop1(i,:)=m;
pop1(i+1,:)=n;
end
pop1=qiujuli(pop1,D);%求出交叉后的路径矩阵
for i=1:s %选择适应度变小的交叉，进行更新
    if pop1(i,t)<pop(i,t)
        pop(i,:)=pop1(i,:);
    end
end
end

```

---

—

---

—

```

%变异，D为城市的距离矩阵，进行变异
function [pop]=mutate(pop,D)
[s,t]=size(pop);
pop1=pop;
for i=1:s
    mutatepoint=bianma(2);
    b=round((mutatepoint(2)-mutatepoint(1))/2-0.5);
    for j=1:b
        zhong=pop1(i,mutatepoint(1)+j);
        pop1(i,mutatepoint(1)+j)=pop1(i,mutatepoint(2)-j);
        pop1(i,mutatepoint(2)-j)=zhong;
    end
end

```

```

end
pop1=qiujuli (pop, D) ;
for i=1:s
if pop1(i, t)<pop(i, t)
pop(i, :)=pop1(i, :)
end
end
end

```

---

—

---

—

%画图

```
function plot_ga(a, b, V)
```

```
P=[V(a, 1) V(a, 2)];
```

```
Q=[V(b, 1) V(b, 2)];
```

```
c=P(1, 2);
```

```
P(1, 2)=Q(1, 1);
```

```
Q(1, 1)=c;
```

```
plot(P, Q, 'g-')
```

```
hold on
```

%g表示颜色，—表示连线的形状，可改。