



Kirjoitelma

Tietojenkäsittelytieteen kandiohjelma

Koneoppimisen menetelmät ja käyttökohteet lääketutkimuksessa -ja kehityksessä

Heikki Pulli

22.9.2021

MATEMAATTIS-LUONNONTIETEELLINEN TIEDEKUNTA
HELSINGIN YLIOPISTO

Ohjaaja(t)

Tarkastaja(t)

Yhteystiedot

PL 68 (Pietari Kalmin katu 5)
00014 Helsingin yliopisto

Sähköpostiosoite: info@cs.helsinki.fi

URL: <http://www.cs.helsinki.fi/>

Sisällys

1	Johdanto	1
2	Lääketutkimuksessa -ja kehityksessä käytetyt koneoppimisen mallit	2
3	Koneoppimismallien käyttökohteet	3
4	Koneoppimismallien heikkoudet ja puutteet	4
	Lähteet	5

1 Johdanto

Koneoppimisen malleja on alettu käyttämään lääketutkimuksen ja -kehityksen tuotantoprosessin eri osa-alueilla ja vaiheissa. Koneoppimisen malleja voidaan hyödyntää esim. eri solujen tunnistamiseen kuvista, kemiallisten yhdisteiden vaikutusten ennustamista eri soluihin ja parhaimmillaan jopa mallentamaan tiettyyn sairauteen tehoavaa täsmälääkettä [1]. On myös kuitenkin herännyt huoli datasta, jolla koulutetaan koneoppimisen mallit eri tilanteisiin. Huoli on noussut koskien datan laatua, jolla koneet koulutetaan. Tämä myös koneoppimisen mallien käyttöönottoa, koska koskaan ei täysin tiedetä, miten koulutettu kone on tulokseensa päätenyt.

2 Lääketutkimuksessa -ja kehityksessä käytetyt koneoppimisen mallit

3 Koneoppimismallien käyttökohteet

4 Koneoppimismallien heikkoudet ja puutteet

Lähteet

- [1] J. Vamathevan, D. Clark, P. Czodrowski, I. Dunham, E. Ferran, G. Lee, B. Li, A. Madabhushi, P. Shah, M. Spitzer ja S. Zhao. "Applications of machine learning in drug discovery and development". eng. *Nature reviews. Drug discovery* 18.6 (2019), s. 463–477. ISSN: 1474-1776.

