ex 1 de SVT p 36-37:

Il est primordiale que les cellules possèdent des systèmes efficace de réparation de l'ADN car s'il y a trop d'erreurs non débusquées, l'ADN pourrait trop mutée et provoquer un plus grand nombres de cancers.

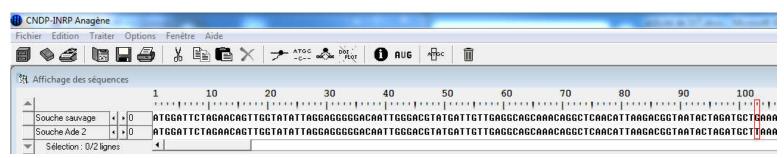
2)

Il y a une véritable mutation quand l'ADN as une anomalie ce qui pourrait empêcher la réplication de l'ADN.

3)

Souche	AGGCTCAACATTAAGACGGTAATACTAGATGCT	G	AAAATTCTCCTGCCAAACAAATAAGCAAC
sauvage			
Souche	AGGCTCAACATTAAGACGGTAATACTAGATGCT	T	AAAATTCTCCTGCCAAACAAATAAGCAAC
Ade 2			

T = séquence mutée. —



4)

Beta-A	ATGGTGCACCTGACTCCTGAGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG
Beta-S	ATGGTGCACCTGACTCCTGTGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG
Beta-Th1	ATGGTGCACCTGACTCCTGGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAGT
Beta-Th2	ATGGTGCACCTGACTCCTGAGGAGAAGCTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAA

Beta-A	ATGGTGCACCTGACTCCTGAGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG
Beta-S	ATGGTGCACCTGACTCCTG <mark>T</mark> GGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG
Beta-Th1	ATGGTGCACCTGACTCCTG <mark>AG</mark> GAGAA <mark>GTCTGC</mark> C <mark>GTT</mark> ACTGCCC <mark>TGTG</mark> GGG <mark>CA</mark> A <mark>GGTGA</mark> A <mark>CGTG</mark> GATGAAGT
Beta-Th2	ATGGTGCACCTGACTCCTGAGGAGAAG <mark>CTCTG</mark> C <mark>CG</mark> T <mark>TACTG</mark> CC <mark>CTGT</mark> GGG <mark>GC</mark> A <mark>AGGTG</mark> A <mark>ACGT</mark> G <mark>GATG</mark> A <mark>AG</mark>

T = substitution

T = délétion

T = addition