

Universidade Federal do Rio Grande do Norte - UFRN
Departamento de Informática e Matemática Aplicada - DIMAp
Inteligência Artificial - DIM0613

Implementação e Avaliação de um Algoritmo Genético para o Problema das Oito Rainhas

Discente:

Hiago Mayk Gomes de Araújo Rocha

Docente:

Anne Magaly de Paula Canuto

Natal - RN
31 Março 2016

1 Introdução

O problema das 8 rainhas consiste em, dado um tabuleiro de xadrez de tamanho padrão (8 linhas e 8 colunas) e 8 peças do tipo rainha, tentar alocar essas rainhas no tabuleiro de forma que elas não se conflitem. Um conflito é gerado quando duas ou mais rainhas estão se atacando.

Este trabalho tem como objetivo apresentar a implementação e avaliação da solução para o problema das oito rainhas usando um Algoritmo Genético.

No decorrer do trabalho serão descritos a modelagem do problema, a implementação seguindo a estrutura e especificação de um Algoritmo Genético e resultados obtidos para diferentes configurações de parâmetros algoritmo.

2 Visão geral do algoritmo

Os algoritmos genéticos baseiam-se no processo natural de evolução dos seres e são úteis para resolver problemas de busca e otimização.

”Quanto melhor um indivíduo se adaptar ao seu meio ambiente, maior será sua chance de sobreviver e gerar descendentes”: este é o conceito básico da evolução genética biológica. Os Algoritmos Genéticos além de serem estratégias de gerar-e-testar muito elegante, por serem baseados na evolução biológica, são capazes de identificar e explorar fatores ambientais e convergir para soluções ótimas, ou aproximadamente ótimas em níveis globais.

A idéia básica do algoritmo é seguinte: inicialmente, é gerada uma população formada por um conjunto aleatório de indivíduos que podem ser vistos como possíveis soluções do problema. Durante o processo evolutivo, esta população é avaliada. Para cada indivíduo é dada uma nota, ou índice, refletindo sua habilidade de adaptação a determinado ambiente. Uma porcentagem dos mais adaptados são mantidos, enquanto os outros são descartados (darwinismo). Os membros mantidos pela seleção podem sofrer modificações em suas características fundamentais através de mutações e cruzamento (*crossover*) ou recombinação genética gerando descendentes para a próxima geração. Este processo, chamado de reprodução, é repetido até que uma solução satisfatória seja encontrada.

Embora possam parecer simplistas do ponto de vista biológico, estes algoritmos são suficientemente complexos para fornecer mecanismos de busca adaptativo poderosos e robustos.

3 Detalhes de implementação

A implementação do algoritmo foi feita usando a linguagem de programação Python e foi baseada em um artigo publicado pela revista Omnia Exatas na edição de Janeiro/Junho de 2009. O artigo avalia e descreve a solução para o problema para N -Rainhas, por esse motivo foram feitas adaptações para o problema das 8rainhas, que é o objetivo deste trabalho.

Nas subseções seguintes apresentaremos os detalhes da implementação seguindo as etapas de um Algoritmo Genético.

3.1 Representação cromossômica

A representação cromossômica de uma configuração é dada por um vetor de inteiros (lista de inteiros em Python) com tamanho 8 em que seus índices representam as linhas onde a rainha está alocada e seus elementos, que são números gerados aleatoriamente no intervalo entre 0 e 7, representam as colunas.

Essa representação garante que não exista conflito entre as rainhas tanto nas linhas quanto nas colunas do tabuleiro. Em uma abordagem ingênua onde se pode alocar rainhas em qualquer lugar do tabuleiro independente de haver conflito de linhas ou de colunas, teríamos que examinar $64!/56! = 178,462,987,637,760$ possíveis maneiras de colocar 8 peças nas 64 casas do tabuleiro e após isso teríamos que checar se existem rainhas que se atacam. Com a representação cromossômica que modelamos consegue-se restringir o espaço de busca considerando apenas as permutações dos números entre 0 e 7 como uma configuração do problema. Note que agora precisamos gerar $8! = 40320$ configurações e testar, apenas nas diagonais do tabuleiro, se as rainhas de cada coluna colocadas na linhas dada pela permutação atacam umas as outras.

A Figura 1 dar uma representação gráfica de como é feita a representação cromossômica.

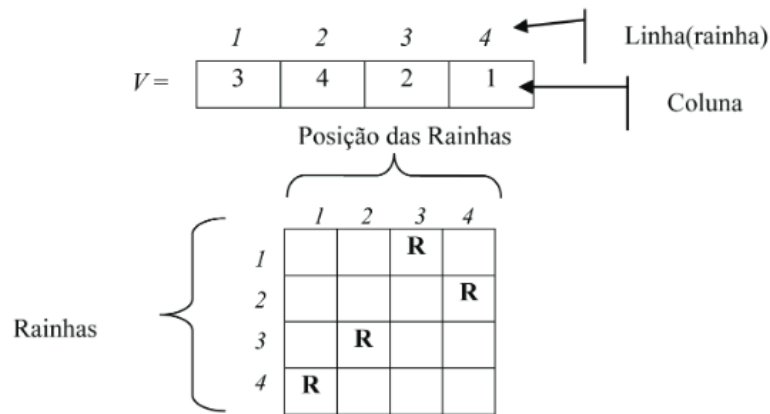


Figura 1: Representação cromossômica das configurações do problema.

A representação da população é dada por uma matriz (lista de listas de inteiro em Python) cujas linhas representam cada elemento da população. A figura 2 apresenta uma representação gráfica da modelagem da população.

		Número de Rainhas														
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	...	n		
Número de Indivíduos	1	3	5	4	1	2	9	7	6	8	11	19	10
	2	20	11	15	3	4	2	12	5	7	13	18	6
	...	3	5	4	2	1	7	9	6	8	11	19	10
	m	20	1	16	3	4	2	7	6	8	11	5	14

Figura 2: Representação da população é dada por uma matriz onde cada linha representa uma configuração. Essa representação é generica para o problema das n -rainhas, porém aqui restringimos a apenas 8 rainhas.

3.2 Função objetivo

O cálculo da função objetivo é dado pela verificação e contagem da quantidade de conflitos existentes entre as rainhas nas diagonais do tabuleiro, já que como explicado anteriormente, os conflitos nas linhas e nas colunas são tratados pela própria representação cromossômica. Para a realização desse cálculo são criadas duas matrizes 8 por 8, uma denominada de matriz diagonal positiva e a outra denominada de matriz diagonal negativa. A matriz diagonal positiva é usada na verificação de conflitos nas diagonais positivas do tabuleiro e cada elemento dela é calculado pela subtração do índice referente a linha pelo índice referente a coluna. Analogamente, a matriz diagonal negativa é usada na verificação de conflitos nas diagonais negativas do tabuleiro e cada elemento dela é calculado pela soma do índice referente a linha pelo índice referente a coluna. Com isso, obtém-se para cada diagonal, em ambas matrizes, uma constante que a representa.

A verificação de conflitos em cada configuração é feita por inspeção dos seus elementos: pega-se um índice do vetor (lista em Python) de configuração e o elemento a quem ele se refere (linha e coluna de ambas matrizes respectivamente) e verifica nas matrizes diagonais se existem configurações que se referem as mesmas constantes, contante essa que representa uma diagonal.

O somatório da quantidade de elementos que se referem a uma mesma constante na matriz diagonal positiva indica os conflitos existentes entre as rainhas apenas nas diagonais positivas do tabuleiro. Da mesma forma, o somatório da quantidade de elementos que se referem a uma mesma constante na matriz diagonal negativa indica os conflitos existentes entre as rainhas apenas nas diagonais negativas do tabuleiro. A soma desses dois somatórios indica o total da quantidade de conflitos de uma determinada configuração. As Figuras 3 e 4 apresentam graficamente as matrizes diagonais positiva e negativa respectivamente e como é feito o cálculo dos conflitos.

1	0	-1	-2	-3
2	1	0	-1	-2
3	2	1	0	-1
4	3	2	1	0

Figura 3: Representação gráfica da matriz diagonal positiva.

3.3 Seleção

A seleção é feita pelo método de torneio que consiste na escolha de dois elementos da população que possuam a melhor aptidão, que para o nosso caso, é o menor número de conflitos.

3.4 Recombinação ou *crossover*

Para a recombinação foi usado o método *Partially Matched Crossover*, mais conhecido como PMX. No processo de recombinação, escolhe-se aleatoriamente dois pontos (índices do vetor) das configurações selecionadas na etapa de seleção, os mesmo pontos para ambas configurações. Esses

1	2	3	4	5
2	3	4	5	6
3	4	5	6	7
4	5	6	7	8

Figura 4: Representação gráfica da matriz diagonal negativa.

pontos representam o intervalo onde ocorrerá a troca de genes, logo, um receberá todos os genes do outro naquele mesmo intervalo. Essa troca é feita também em ambas configurações. Logo após é estabelecida uma relação simétrica e transitiva entre os números (genes dos cromossomos) que estão dentro da região onde foi realizada a troca com o objetivo de substituir os números repetidos que estão fora da região selecionada. Após realizada a substituição obtém-se dois descendentes, os quais terão a quantidade de colisões calculadas pela função objetivo e o que possuir a melhor quantidade de colisões é o que substituirá alguma configuração da população na etapa de substituição da população.

A Figura 5 apresenta os passos aqui descrito.

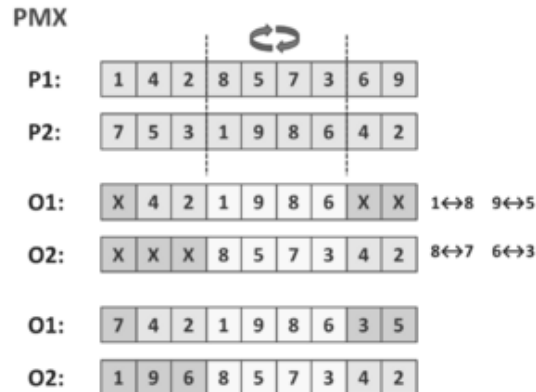


Figura 5: Passos seguidos no método PMX.

3.5 Mutação

A mutação é dada de maneira simples. Apenas se escolhe aleatoriamente duas rainhas e troca suas posições referentes a colunas no tabuleiro. Em termos de implementação, isso se refere a escolher dois índices de um vetor que representa uma configuração e trocar os seus respectivos números. A Figura 6 e 7 ilustra como é feita essa troca.

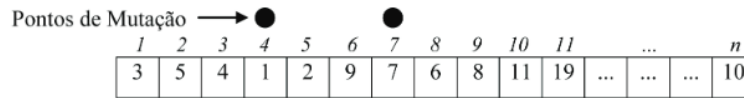


Figura 6: Escolha dos números a serem trocados no processo de mutação.

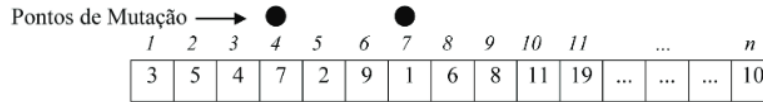


Figura 7: Após se realizado a troca dos números.

3.6 Substituição da população

Somenete é aproveitado as configurações geradas nas etapas de seleção, recombinação e mutação se ela possuir uma quantidade de conflitos menor do que a configuração da população que possui a maior quantidade de conflitos. Na solução não estamos restringindo a geração de soluções repetidas, logo, pode existir soluções ótimas para o problema com configurações repetidas, ou seja, podemos obter um número de soluções ótimas muito além da quantidade máxima de soluções para o problema das 8 rainhas que é de 92 soluções distintas.

4 Resultados obtidos

Nessa seção apresentamos os testes realizados para diferentes valores do tamanho da população, quantidade de iterações, taxa de mutação e taxa de cruzamento. É importante observar que a variação desses parâmetros pode influenciar bastante no resultado.

O tamanho da população influencia no desempenho global e na eficiência dos Algoritmos Genéticos. Com uma população pequena o desempenho pode cair, pois deste modo a população fornece uma pequena cobertura do espaço de busca do problema. Já com uma população grande obtém-se uma cobertura representativa do domínio do problema, além de prevenir convergências prematuras para soluções locais ao invés de globais. No entanto, para se trabalhar com grandes populações, são necessários maiores recursos computacionais, ou que o algoritmo trabalhe por um período de tempo muito maior. Pode-se observar que nos caso de teste para população acima de 1000 o algoritmo demorou cerca de 10 minutos para gerar os resultados.

A quantidade de iterações influencia no tempo de execução do algoritmo e também, em conjunto com o tamanho da população, na convergência para uma solução ótima do problema. Com uma quantidade pequena de iterações pode-se chegar uma quantidade pequena de soluções ótimas ou até mesmo não conseguir chegar a nem uma solução. Já com uma quantidade grande de iterações pode-se chegar a varias soluções ótimas porém com um maior tempo de execução.

Para a taxa de mutação tem-se que, uma baixa taxa de mutação previne que uma dada posição fique estagnada em um valor, além de possibilitar que se chegue em qualquer ponto do espaço de busca. Já com uma taxa muito alta a busca se torna essencialmente aleatória.

Já Para a taxa de cruzamento, quanto maior for esta taxa, mais rapidamente novas estruturas serão introduzidas na população. Mas se esta for muito alta, estruturas com boas aptidões poderão ser retiradas mais rapido um valor alto, a maior parte da população será substituída, mas com valores muito altos pode ocorrer perda de estruturas de alta aptidão. Com um valor baixo, o algoritmo pode tornar-se muito lento.

A seguir apresentamos os resultados obtidos. Para cada configuração de parâmetros foram testados 5 vezes e calculados o tempo de execução em milisegundos e a quantidade de soluções ótimas encontradas.

Tamanho da população: 50
Quantidade de iterações: 50
Taxa de mutação: 50
Taxa de cruzamento: 50

Tempo de execução: 0.147876024246
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 9

Tempo de execução: 0.146083831787
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 11

Tempo de execução: 0.149431943893
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 9

Tempo de execução: 0.13797211647
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 2

Tempo de execução: 0.133819103241
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 9

Tamanho da população: 50
Quantidade de iterações: 100
Taxa de mutação: 100
Taxa de cruzamento: 100

Tempo de execução: 0.432214975357
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 16

Tempo de execução: 0.434607028961
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 2

Tempo de execução: 0.452836036682
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 20

Tempo de execução: 0.436857223511
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 17

Tempo de execução: 0.44628405571
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 21

Tamanho da população: 100
Quantidade de iterações: 50
Taxa de mutação: 50
Taxa de cruzamento: 50

Tempo de execução: 0.270770072937
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 15

Tempo de execução: 0.271322965622
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 18

Tempo de execução: 0.26748585701
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 15

Tempo de execução: 0.260529994965
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 18

Tempo de execução: 0.272617101669
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 9

Tamanho da população: 100
Quantidade de iterações: 100
Taxa de mutação: 100
Taxa de cruzamento: 100

Tempo de execução: 0.860871076584
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 28

Tempo de execução: 0.851602077484
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 26

Tempo de execução: 0.856492042542
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 31

Tempo de execução: 0.856260061264
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 39

Tempo de execução: 0.850182056427
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 25

Tamanho da população: 300
Quantidade de iterações: 50
Taxa de mutação: 50
Taxa de cruzamento: 50

Tempo de execução: 0.769104003906
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 32

Tempo de execução: 0.876961946487
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 40

Tempo de execução: 0.936657190323
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 44

Tempo de execução: 0.799993038177
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 34

Tempo de execução: 0.812148094177
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 36

Tamanho da população: 300
Quantidade de iterações: 100
Taxa de mutação: 100
Taxa de cruzamento: 100

Tempo de execução: 2.58958506584
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 67

Tempo de execução: 2.62282395363
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 73

Tempo de execução: 2.61409783363
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 79

Tempo de execução: 2.65116286278
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 71

Tempo de execução: 2.63370299339
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 88

Tamanho da população: 500
Quantidade de iterações: 50
Taxa de mutação: 50
Taxa de cruzamento: 50

Tempo de execução: 1.439868927
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 54

Tempo de execução: 1.51716899872
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 61

Tempo de execução: 1.45010995865
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 54

Tempo de execução: 1.54794001579
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 62

Tempo de execução: 1.50517106056
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 62

Tamanho da população: 500
Quantidade de iterações: 100
Taxa de mutação: 100

Taxa de cruzamento: 100

Tempo de execução: 4.51298713684
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 113

Tempo de execução: 4.54015994072
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 118

Tempo de execução: 4.55170989037
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 115

Tempo de execução: 4.5067949295
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 109

Tempo de execução: 4.55071282387
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 133

Tamanho da população: 1000

Quantidade de iterações: 500

Taxa de mutação: 75

Taxa de cruzamento: 75

Tempo de execução: 40.0411128998
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 180

Tempo de execução: 45.9370200634
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 180

Tempo de execução: 41.3267250061
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 185

Tempo de execução: 40.9194839001
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 183

Tempo de execução: 41.5393671989
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 188

Tamanho da população: 5000

Quantidade de iterações: 1000

Taxa de mutação: 80

Taxa de cruzamento: 80

Tempo de execução: 975.736050844
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 342

Tempo de execução: 810.701250076
Quantidade de soluções ótimas encontradas: 322

Tempo de execução: 1003.64282393

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 329

Tempo de execução: 859.744053125

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 336

Tempo de execução: 851.692075014

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 329

Tamanho da população: 5000

Quantidade de iterações: 500

Taxa de mutação: 45

Taxa de cruzamento: 90

Tempo de execução: 245.710528135

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 344

Tempo de execução: 283.025739908

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 319

Tempo de execução: 321.218425989

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 318

Tempo de execução: 272.793746948

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 286

Tempo de execução: 270.759430885

Quantidade de soluções ótimas encontradas: 324

5 Código da implementação

O código abaixo é responsável receber os parâmetros do usuários e executar a classe que implementa o Algoritmo Genético.

```
1      #!/usr/bin/env python
2      # -*- coding: utf-8 -*-
3
4      #main.py
5
6      from agenetico import AGenetico
7      import time
8
9      print "Algoritmo Genetico: Oito Rainhas"
10     populacao = input("Digite o tamanho da populacao:")
11     iteracoes = input("Digite a quantidade de iteracoes:")
12     taxaMutacao = input("Digite a taxa de mutacao:")
13     taxaCruzamento = input("Digite a taxa de cruzamento:")
14
15     # Passa o tamanho do tabuleiro
16     aGenetico = AGenetico(8)
17
18     # Inicia a contagem do tempo
19     inicio = time.time()
20
21     # Passa o tamanho da populao
22     aGenetico.criaPopulacao(populacao)
23     aGenetico.calculaDiagonais()
24
25     for i in range(iteracoes):
26         descendente = aGenetico.recombinacaoPMX(taxaCruzamento)
27         aGenetico.melhoraPopulacao(taxaMutacao)
28         aGenetico.substituirPopulacao(descendente)
29
30     # Finaliza a contagem do tempo
31     fim = time.time()
32     print
33     print "Tempo de execucao: ", fim - inicio
34     print "Quantidade de solucoes otimas encontradas: " +
35         str(aGenetico.qtdSolucoesOtimas())
36
37     #print " Solues  otimas:"
38     #aGenetico.printSolucoesOtimas()
```

O código a seguir implementa a classe referente ao Algoritmo Genético.

```
1      #!/usr/bin/env python
2      # -*- coding: utf-8 -*-
3
4      #tabuleiro.py
5
6      from random import randint
7
8      class AGenetico(object):
9
10         def __init__(self, tamanho):
11             self.tamanho = tamanho
12             self.populacao = []
13             self.diagonalPositiva = []
14             self.diagonalNegativa = []
15             self.resultFObjetivo = []
16
17
18         #Cria a populacao inicial
19         def criaPopulacao(self, quantidade):
20             for i in range(quantidade):
21                 pop = []
22                 gerados = []
23
24                 for j in range(self.tamanho):
25                     r = randint(0, self.tamanho-1)
26
27                     while(r in gerados):
28                         r = randint(0, self.tamanho-1)
29
30                     gerados.append(r)
31                     pop.append(r)
32
33                 self.populacao.append(pop)
34
35
36         def calculaColisoeseDPositiva(self, pop):
37             colisoese = 0
38             verificados = []
39             for i in range(len(pop)):
40                 if(self.diagonalPositiva[i][pop[i]] in verificados):
41                     colisoese = colisoese + 1
42                 else:
43                     verificados.append(self.diagonalPositiva[i][pop[i]])
44
45             return colisoese
46
47
48         def calculaColisoeseDNegativa(self, pop):
49             colisoese = 0
50             verificados = []
```

```

51     for i in range(len(pop)):
52         if(self.diagonalNegativa[i][pop[i]] in verificados):
53             colisoos = colisoos + 1
54         else:
55             verificados.append(self.diagonalNegativa[i][pop[i]])
56
57     return colisoos
58
59
60 def funcaoObjetivo(self, pop):
61     return (self.calculaColisoosDPositiva(pop) + self.calculaColisoosDNegativa(pop))
62
63
64 # Selecao por torneio
65 def seleciona(self):
66     i = randint(0, self.tamanho-1)
67     j = randint(0, self.tamanho-1)
68     escolhido1 = 0
69     escolhido2 = 0
70
71     # Evita escolher um cara que ja seja solucao
72     while(i == j or self.funcaoObjetivo(self.populacao[j]) == 0):
73         j = randint(0, self.tamanho-1)
74
75     if self.funcaoObjetivo(self.populacao[i]) <
76         self.funcaoObjetivo(self.populacao[j]):
77         escolhido1 = i
78     else:
79         escolhido1 = j
80
81     i = randint(0, self.tamanho-1)
82
83     while(escolhido1 == i):
84         i = randint(0, self.tamanho-1)
85
86     j = randint(0, self.tamanho-1)
87
88     # Evita escolher um cara que ja seja soluo otima
89     while(i == j or escolhido1 == j or self.funcaoObjetivo(self.populacao[j]) == 0):
90         j = randint(0, self.tamanho-1)
91
92     if self.funcaoObjetivo(self.populacao[i]) <
93         self.funcaoObjetivo(self.populacao[j]):
94         escolhido2 = i
95     else:
96         escolhido2 = j
97
98     return ((escolhido1, self.populacao[escolhido1]), (escolhido2,
99         self.populacao[escolhido2]))
100
101 # Partialy-mapped crossover (PMX)
102 # Extensao da combinacao apresentada no artigo

```

```

101 def recombinaoPMX(self, taxa):
102     rand = faixa = randint(1, 101)
103
104     if rand <= taxa:
105         faixa = randint(1, self.tamanho-1)
106         inicio = randint(0, (self.tamanho-1)-faixa)
107
108         # Selecao por torneio
109         escolhido1, escolhido2 = self.seleciona()
110
111         # Observe a troca nos cromossomos
112         descendente1 = self.populacao[escolhido2[0]][inicio:(inicio+faixa)]
113         descendente2 = self.populacao[escolhido1[0]][inicio:(inicio+faixa)]
114
115         relacao = []
116         for i in range(len(descendente1)):
117             relacao.append([descendente1[i], descendente2[i]])
118
119         flag = True
120         while(flag):
121             flag = False
122             for rel in relacao:
123                 for relAux in relacao:
124                     if rel[1] == relAux[0]:
125                         rel[1] = relAux[1]
126                         relacao.remove(relAux)
127                         flag = True
128
129         p1 = self.populacao[escolhido1[0]][:inicio]
130         p2 = self.populacao[escolhido2[0]][:inicio]
131         for rel in relacao:
132             if rel[0] in p1:
133                 for i in range(len(p1)):
134                     if p1[i] == rel[0]:
135                         p1[i] = rel[1]
136
137         for rel in relacao:
138             if rel[1] in p2:
139                 for i in range(len(p2)):
140                     if p2[i] == rel[1]:
141                         p2[i] = rel[0]
142
143         f1 = self.populacao[escolhido1[0]][inicio+faixa:]
144         f2 = self.populacao[escolhido2[0]][inicio+faixa:]
145         for rel in relacao:
146             if rel[0] in f1:
147                 for i in range(len(f1)):
148                     if f1[i] == rel[0]:
149                         f1[i] = rel[1]
150
151         for rel in relacao:
152             if rel[1] in f2:
153                 for i in range(len(f2)):

```

```

154         if f2[i] == rel[1]:
155             f2[i] = rel[0]
156
157         descendente1 = p1+ descendente1 + f1
158         descendente2 = p2 + descendente2 + f2
159         if self.funcaoObjetivo(descendente1) < self.funcaoObjetivo(descendente2):
160             return descendente1
161         else:
162             return descendente2
163
164     else:
165         # Selecao por torneio
166         escolhido1, escolhido2 = self.seleciona()
167
168         # Observe a troca nos cromossomos
169         descendente1 = self.populacao[escolhido1[0]]
170         descendente2 = self.populacao[escolhido2[0]]
171
172         if self.funcaoObjetivo(descendente1) < self.funcaoObjetivo(descendente2):
173             return descendente1
174         else:
175             return descendente2
176
177
178     def melhoraPopulacao(self, taxa):
179         rand = randint(1, 101)
180
181         if rand <= taxa:
182             melhorada = []
183             for pop in self.populacao:
184                 i = randint(0, self.tamanho-1)
185                 j = randint(0, self.tamanho-1)
186
187                 newPop = pop[:]
188                 newPop[i], newPop[j] = newPop[j], newPop[i]
189
190                 if self.funcaoObjetivo(newPop) < self.funcaoObjetivo(pop) and newPop not
191                     in self.populacao:
192                     melhorada.append(newPop)
193             else:
194                 melhorada.append(pop)
195
196             self.populacao = melhorada[:]
197
198     def obterMaior(self):
199         maior = (0, self.funcaoObjetivo(self.populacao[0]))
200
201         for i in range(len(self.populacao)):
202             if maior[1] < self.funcaoObjetivo(self.populacao[i]):
203                 maior = (i, self.funcaoObjetivo(self.populacao[i]))
204
205         return maior

```



```

206
207
208 def substituirPopulacao(self, escolha):
209     maior = self.obterMaior()
210     if escolha not in self.populacao:
211         if self.funcaoObjetivo(escolha) <= maior[1]:
212             self.populacao[maior[0]] = escolha[:]
213
214
215 def calculaDiagonais(self):
216     for i in range(self.tamanho):
217         positiva = []
218         negativa = []
219         for j in range(self.tamanho):
220             positiva.append(i - j)
221             negativa.append(i + j)
222
223     self.diagonalPositiva.append(positiva)
224     self.diagonalNegativa.append(negativa)
225
226
227 def printPopulacao(self):
228     for pop in self.populacao:
229         print self.funcaoObjetivo(pop), pop
230
231
232 def printDiagonalPositiva(self):
233     for dp in self.diagonalPositiva:
234         print dp
235
236
237 def printDiagonalNegativa(self):
238     for dn in self.diagonalNegativa:
239         print dn
240
241
242 def qtdSolucoesOtimas(self):
243     cont = 0
244     for pop in self.populacao:
245         func = self.funcaoObjetivo(pop)
246         if func == 0:
247             cont = cont + 1
248
249     return cont
250
251
252 def printSolucoesOtimas(self):
253     for pop in self.populacao:
254         func = self.funcaoObjetivo(pop)
255         if func == 0:
256             print func, pop

```

6 Referências

Uma solução do problema das n rainhas através de algoritmos genéticos - Eliane Vendramini de Oliveira

Link: https://sistemas.riopomba.ifsudestemg.edu.br/dcc/materiais/1638062552_rainhas.PDF

Problema das 8 rainhas - Marathoncode

Link: <http://marathoncode.blogspot.com.br/2012/06/importancia-de-algoritmos-eficientes.html>