## Software necessary for running HybPhyloMaker

Software	HybPhyloMaker script nr.			0	1	2	3	4	5	6	7	8a	8b	8c	8e	8f	9
	Version in Metacentrum	Install (yes/no)	Used commands	sample preparation	raw data processing	read mapping	generate pslx	process pslx	missing data handling	•	root trees ASTRAL	ASTRID	MRL	FastTree CA-ML	ExaML	update	
<u>parallel</u>	20130422	у	parallel	х				Х									
Bowtie2	2.2.4	у	bowtie2-build, bowtie2		Х	Х											
<u>SAMtools</u>	0.1.19	у	samtools		Х	Х											
bam2fastq	1.1.0	у	bam2fastq		Х												
<u>Trimmomatic</u>	0.33	n	java -jar trimmomatic-0.33.jar		Х												
<u>FastUniq</u>	1.1	у	fastuniq		Х												
JDK/JRE	7	у	java		Х							Х	Х	Х			
<u>OCOCO</u>	0.1.2.4	у	ососо			Х											
<u>Perl</u>	5.10.1	у	perl		Х			Х		Х					Х		
BLAT suite	3.4	у	blat				Х										
MAFFT	7.029	у	mafft					Х									
Python	2.7.6	у	python					х					Х				
Python3	3.4.1	у	python3						х								
<u>TrimAl</u>	1.4	у	trimal						х								
MstatX	1.0	у	mstatx						х								
<u>FastTree</u>	2.1.8	у	fasttreemp							Х					Х		
Newick Utilities	1.6	у	nw_reroot, nw_topology							Х	Х	Х	х	Х			
RAxML	8.2.4	у	raxmlHPC							Х				Х		Х	
<u>R</u>	3.1.1	у	R						х	Х							Х
ASTRAL	4.10.10.	n	java -jar astral.4.10.10.jar									х					
<u>ASTRID</u>	1.4	n	ASTRID										х				
<u>p4</u>	1.2	у	p4									х	х				
mrpmatrix	1.0.	n	java -jar mrp.jar											Х			
ExaML	3.0.15	у	examl													Х	