Software necessary for running HybPhyloMaker

			HybPipe	0	1	2	3	4	5	6	7a	7b	7c	7e	7f
	version in	install		sample	raw data	generate	process	missing data	gene tree	root				FastTree	
software	Metacentrum	(yes/no)	used commands	preparation	processing	pslx	pslx	handling	building	trees	ASTRAL	ASTRID	MRL	CA-ML	ExaML
<u>parallel</u>	20130422	у	parallel	х			Х								
Bowtie2	2.2.4	у	bowtie2-build, bowtie2		Х										
<u>SAMtools</u>	0.1.19	у	samtools		Х										
bam2fastq	1.1.0	у	bam2fastq		х										
<u>Trimmomatic</u>	0.33	n	java -jar trimmomatic-0.33.jar		Х										
FASTX-Toolkit	0.0.13	у	fastx_collapser		Х										
JDK/JRE	7	у	java		х						Х	х	Х		
<u>Perl</u>	5.10.1	у	perl		Х		х		Х					Х	
BLAT suite	3.4	у	blat			Х									
MAFFT	7.029	у	mafft				Х								
<u>Python</u>	2.7.6	у	python				Х					х			
Python3	3.4.1	у	python3					х							
<u>TrimAl</u>	1.4	у	trimal					х							
MstatX		у	mstatx					х							
<u>FastTree</u>	2.1.8	у	fasttreemp						Х					Х	
Newick Utilities	1.6	у	nw_reroot, nw_topology						Х	Х	Х	Х	Х		
RAxML	8.2.4	у	raxmIHPC						Х				Х		х
<u>R</u>	3.1.1	у	R					х	Х						
<u>ASTRAL</u>	4.10.2.	n	java -jar astral.4.10.2.jar								Х				
<u>ASTRID</u>	1.4	n	ASTRID		_							Х			
mrpmatrix		n	java -jar mrp.jar										Х		
<u>ExaML</u>	3.0.15	У	examl												х