## Software necessary for running HybPhyloMaker

software	version in Metacentrum	install (yes/no)	HybPhyloMaker used commands	0 sample preparation	1 raw data processing	read mapping	3 generate pslx	4 process pslx	5 missing data handling			8a ASTRAL	8b ASTRID	8c MRL	8e FastTree CA-ML	8f ExaML	9 update																		
																		<u>parallel</u>	20130422	у	parallel	Х				Х									
																		Bowtie2	2.2.4	у	bowtie2-build, bowtie2		Х	Х											
<u>SAMtools</u>	0.1.19	у	samtools		Х	Х																													
bam2fastq	1.1.0	у	bam2fastq		Х																														
<u>Trimmomatic</u>	0.33	n	java -jar trimmomatic-0.33.jar		Х																														
<u>FastUniq</u>		у	fastuniq		Х																														
JDK/JRE	7	у	java		Х							х	Х	Х																					
<u>0000</u>		у	ососо			Х																													
<u>Perl</u>	5.10.1	у	perl		Х			Х		Х					Х																				
BLAT suite	3.4	у	blat				Х																												
<u>MAFFT</u>	7.029	у	mafft					Х																											
<u>Python</u>	2.7.6	у	python					х					Х																						
Python3	3.4.1	у	python3						х																										
<u>TrimAl</u>	1.4	у	trimal						х																										
<u>MstatX</u>		у	mstatx						х																										
<u>FastTree</u>	2.1.8	у	fasttreemp							Х					Х																				
Newick Utilities	1.6	у	nw_reroot, nw_topology							Х	Х	Х	Х	Х																					
RAxML	8.2.4	у	raxmlHPC							Х				Х		Х																			
<u>R</u>	3.1.1	у	R						х	Х																									
<u>ASTRAL</u>	4.10.10.	n	java -jar astral.4.10.10.jar									х																							
<u>ASTRID</u>	1.4	n	ASTRID										Х																						
<u>p4</u>		у																																	
<u>mrpmatrix</u>		n	java -jar mrp.jar							_			_	Х	_	_																			
ExaML	3.0.15	у	examl													Х																			