Методы машинного обучения Рубежный контроль №1

Пряхин Владимир Геннадьевич ИУ5-24М

Вариант №9

Задача №9

head(datas)

Для набора данных проведите устранение пропусков для одного (произвольного) числового признака с использованием метода заполнения "хвостом распределения".

Возьмем датасет - https://www.kaggle.com/mmattson/who-national-life-expectancy

Функция на языке R для вычисления процента прощенных значений в колонках набора данных.

```
infoNA <- function(datas){
  for(c in names(datas)) {
    sumNa <- sum(is.na(datas[c]))
    col <- sum(!is.na(datas[c]))
    if(sumNa>0) {
       propusk <- round(sumNa / NROW(datas[c]) * 100, 3)
       print(paste(c,' - Пропущено',sumNa,'значений, это',propusk,'% от набора
данных'))
    }
    else print(paste(c ,' - Full column data - ',col,'не нулевых значений'))
    }
}
Загрузим датасет
datas <- read.csv("/home/hino/life.csv")</pre>
```

summary(datas) #описательная статистика

```
| Summary(datas) | Summary(datas) | Summary(datas) | Summary(datas) | Country | Countr
```

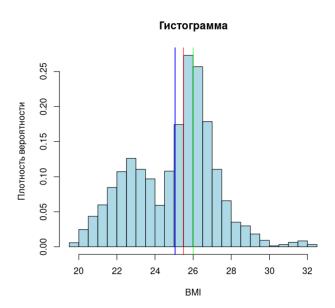
infoNA(datas)

```
| infoNA(datas) |
| country - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| country - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| region - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| region - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| life expect - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| life expeo - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| adult mortality - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| adult mortality - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| age1.4mort - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| age1.4mort - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| age5.19thinness - Пропущено 50 значений, это 1.607 % от набора данных" |
| age5.19thinness - Пропущено 34 значений, это 1.093 % от набора данных" |
| age5.19thinness - Пропущено 34 значений, это 1.093 % от набора данных" |
| beatitis - Пропущено 569 значений, это 1.093 % от набора данных" |
| polio - Пропущено 19 значений, это 0.611 % от набора данных" |
| polio - Пропущено 19 значений, это 0.611 % от набора данных" |
| basic water - Пропущено 19 значений, это 1.029 % от набора данных" |
| diphtheria - Пропущено 19 значений, это 42.784 % от набора данных" |
| diphtheria - Пропушено 682 значений, это 1.029 % от набора данных" |
| diphtheria - Пропушено 2981 значений, это 21.922 % от набора данных" |
| gghe.d - Пропушено 100 значений, это 3.761 % от набора данных" |
| gghe.d - Пропушено 117 значений, это 3.761 % от набора данных" |
| une_pop - Пропушено 37 значений, это 1.189 % от набора данных" |
| une_infant - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| une_infant - Full column data - 3111 не нулевых значений" |
| une_poperty - Пропушено 189 значений, это 1.366 % от набора данных" |
| une_poperty - Пропушено 189 значений, это 1.3761 % от набора данных" |
| une_poperty - Пропушено 298 значений, это 70.653 % от набора данных" |
| une_edu_spend - Пропушено 2840 значений, это 74.124 % от набора данных" |
| une_edu_spend - Пропушено 2860 значений, это 74.124 % от набора данных" |
```

Проанализируем данные на наличие пропусков. Выберем параметр Индекса Массы Тела (ВМІ), как подлежащий заполнению. Для этого параметра количество пропущенных значений не превышает 5% - 1,093%.

```
Отобразим гистограмму и покажем на ней среднее, медиану и моду. x <- datas$bmi #анализируемое значение (BMI). hist(x, breaks = 20, freq = FALSE, col = "lightblue", xlab = "BMI", ylab = "Плотность вероятности", main = "Гистограмма") abline(v=mean(x,na.rm = TRUE),col='blue') abline(v=median(x,na.rm = TRUE),col='red')
```

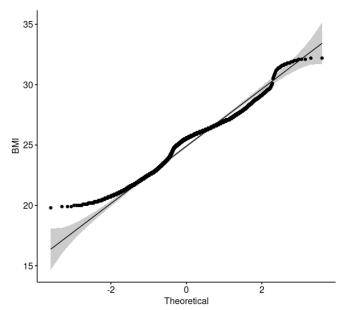
library(modeest)
abline(v=mfv(x,na_rm = TRUE),col='green')



Среднее, медиана и мода не совпадают, что позволяет считать данное распределение асимметричным.

Воспользуемся графиком квантиль-квантиль, который показывает корреляцию между выбранным нами параметром (BMI) и нормальным распределением.

library(ggpubr)
ggqqplot(datas\$bmi, ylab = "BMI")



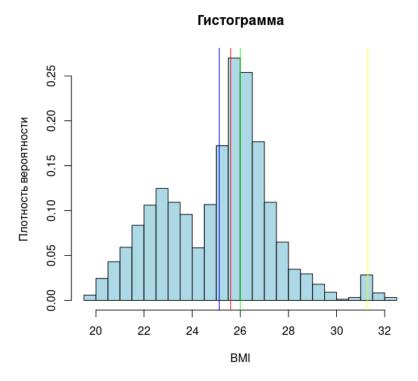
Визуальная проверка нормальности данных с помощью QQ графика также показала, что речь идет об асимметричном распределении.

Заполним пропущенные данные с помощью "хвоста распределения" выбрав формулу для ассиметричного распределения.

$$IQR = Q3 - Q1$$

 $extreme_value = Q3 + K \cdot IQR$

q3 <- quantile(x, probs=c(3/4), names = FALSE, na.rm = TRUE)



Подсчет по формуле для нормального распределения даёт близкое значение.

```
mean(x,na.rm = TRUE) + 3 * sd(x,na.rm = TRUE)
EX
```

```
> mean(x,na.rm = TRUE) + 3 * sd(x,na.rm = TRUE)
[1] 31.63305
> EX
[1] 31.3
```

Для набора данных проведите удаление константных и псевдоконстантных признаков.

```
Создадим набор данных с константной переменной
emp.data <- data.frame(</pre>
 emp_id = c (1:5),
 emp_name = c("Rick","Dan","Michelle","Ryan","Gary"),
 salary = c(623.3,515.2,611.0,729.0,843.25),
 start_date = as.Date(c("2020-01-01", "2020-09-23", "2020-11-15", "2020-05-11",
               "2020-03-27")),
 constants = c(1,1.1,1,0.9,1),
 stringsAsFactors = FALSE
)
                   emp id emp name constants salary start date
                              Rick
                                          1.0 623.30 2020-01-01
                2
3
4
                                          1.1 515.20 2020-09-23
                        3 Michelle
                                          1.0 611.00 2020-11-15
                              Ryan
                                         0.9 729.00 2020-05-11
```

Вычислим дисперсию для параметра «constants» var(emp.data\$constants)

```
> var(emp.data$constants)
[1] 0.005
```

Удалим столбец из набора данных содержащий константную переменную.

Дополнительная задача.

Построить график "Скрипичная диаграмма (violin plot)".

```
Построим график, показывающий зависимость средней продолжительности жизни от региона. library(ggplot2) ggplot(datas, aes(x=region, y=life_expect)) + geom_violin(trim=FALSE, fill=rainbow(3072),col =rainbow(3072)) + geom_boxplot(width=0.1, color="black", alpha=0.2) + theme_minimal()
```

