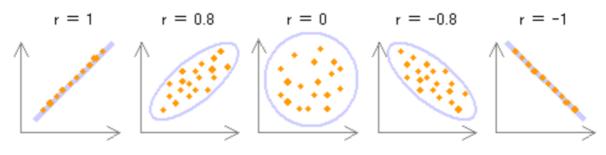
はじめに

- 1. データ分析によって、何を明らかにしたいのか。
- 2. 明らかにすることのために、どのデータ分析が必要なのか。
- 3. 必要なデータ分析のために、どんな形式のデータを用意する必要があるのか。

01. 相関分析

データに、どの程度の直線的関係があるかを検出する分析手法。回帰分析を行うか否かの判断材料になる。



• 分析例

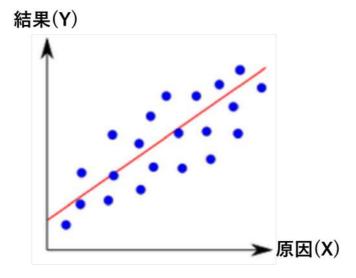
```
# データを読み込む。
sample <- read.table("sample_edit.txt", header = T)</pre>
# 純広告とCV_純広告の散布図を作成。
g <- ggplot(sample, aes(x = 純広告, y = CV_純広告))
g \leftarrow g + geom
_point()
plot(g)
# 純広告とCV_純広告の相関分析を行う。
ts<-ts(sample[,2:5])
cor(ts, method = "pearson")
# 分析結果
                          リスティング CV_純広告 CV_リスティング
                 純広告
              1.00000000 0.5247992 0.1065025
# 純広告
                                               -0.09415535
# リスティング
             0.52479919 1.0000000 -0.2360605
                                                0.20821230
# CV_純広告
              0.10650249 -0.2360605 1.0000000
                                                0.19500011
# CV_リスティング -0.09415535 0.2082123 0.1950001
                                                1.00000000
# // 純広告とCV_純広告の間には、弱い直線的関係がある。
```

02-01. 線形回帰分析

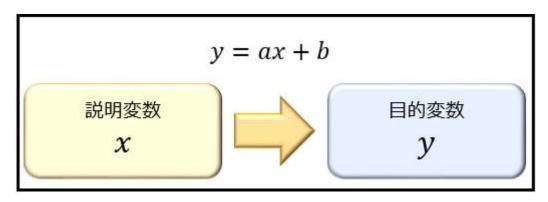
因果関係がありそうなデータに対して、横軸を原因、また縦軸を結果とし、最も当てはまりの良い線 形モデルを推定する分析手法。モデルの精度が高ければ因果関係の証明になり、またモデルに原因を 代入することで結果を予測できる。

◇ 単回帰分析

原因と結果が一つずつと仮定した時に、最も当てはまりの良い線形モデルを推定できる。



• 回帰方程式



• 分析例

```
# データを読み込む。
sample <- read.table("sample_edit.txt", header = T)
ts <- ts(sample[,2:5])

# データ型を変更。
df <- data.frame(ts)

# CV_純広告と純広告に基づく線形回帰分析を行う。
Reg <- lm(CV_純広告 ~ 純広告,df)

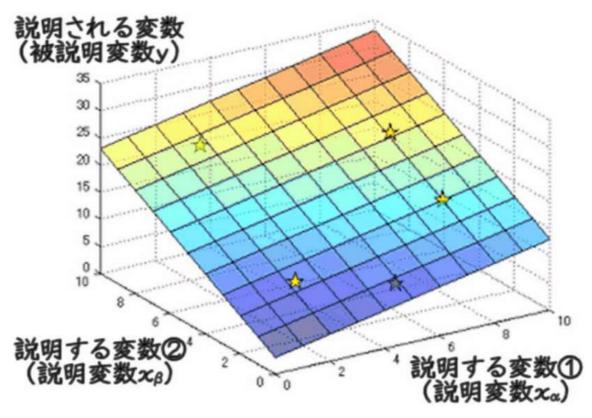
# 分析結果
summary(Reg)

# Coefficients:
# Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
```

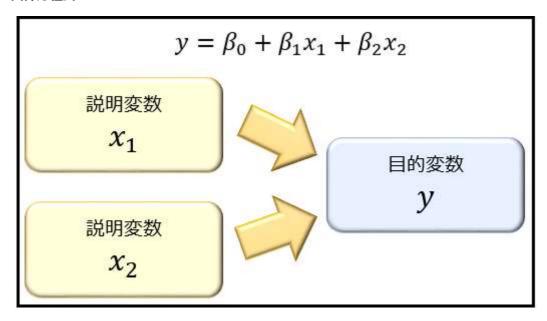
- # (Intercept) 1.099e+01 2.405e+00 4.571 3.11e-05 ***
- # 純広告 2.239e-05 2.927e-05 0.765 0.448
- # // 純広告の回帰係数のp値 > 0.05 より、因果関係がない可能性。

◇重回帰分析

原因が二つ以上で結果が一つと仮定した時に、最も当てはまりの良い線形モデルを推定できる。ただし、グラフでは、モデルは平面で表される。



• 回帰方程式



• 分析例

データを読み込む。

sample <- read.table("sample_edit.txt", header = T)</pre>

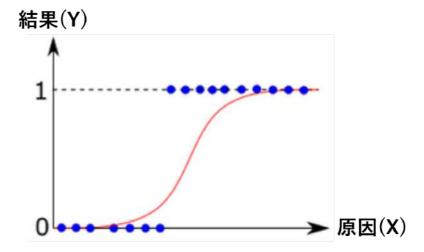
```
days <- weekdays(as.Date(sample$DATE))</pre>
sample1<-transform(sample,days=days)</pre>
library(caret)
# 曜日をダミー変数に変換
tmp <- dummyVars(~days, data=sample1)</pre>
days1 <- as.data.frame(predict(tmp, sample1))</pre>
# 曜日の順番を整形
days2 <- days1 [ c(3,1,4,7,2,5,6) ]
# 広告データと曜日データを結合
ts1 <- cbind(sample, days2)
# データ型を変更
df <- data.frame(ts1)</pre>
# 重回帰分析を行う。
Reg<-lm(CV_純広告 ~ days.月曜日+days.火曜日+days.水曜日+days.木曜日+days.金曜日,df)
# 分析結果
summary(Reg)
# Coefficients:
         Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
# (Intercept) 8.857 1.007 8.797 1.69e-11 ***
# days.月曜日 5.286 1.744 3.031 0.003957 **
# days.火曜日 4.893 1.670 2.930 0.005212 **
# days.水曜日 6.143 1.670 3.679 0.000601 ***
# days.木曜日 5.893 1.670 3.529 0.000944 ***
                4.393
                            1.670 2.631 0.011479 *
# days.金曜日
# // 月、水、金の回帰係数のp値 < 0.05 より、月水金で因果関係があり、火金で因果関係がない可能
```

02-02. 非線形回帰分析

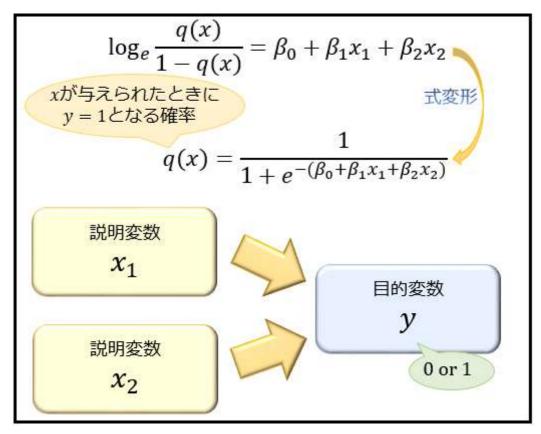
因果関係がありそうなデータに対して、横軸を原因、また縦軸を結果とし、最も当てはまりの良い非線形モデルを推定する分析手法。モデルの精度が高ければ因果関係の証明になり、またモデルに原因を代入することで結果を予測できる。非線形モデルを推定するためには、モデルを一般化し、一般化線形モデルとして処理する必要がある。

◇ ロジスティック回帰分析

説明変数が質的変数の場合に、最も当てはまりの良い非線形モデル (ロジスティック分布) を推定する。



• 回帰方程式



• 分析例

```
# データを読み込む。
sample<-read.csv("CV_data2.csv",header=T)

# リンク関数をロジットとし、非線形モデルを一般化する。
result_lg = glm(CP申込み ~ 性別+経済関連, sample, family=binomial)

# オッズ比を出力
exp(result_lg2$coefficients)

# オッズ比の出力結果
# (Intercept) 性別 経済関連
```

03. 決定木分析

データに対して、最も当てはまりの良い決定木モデルを推定する分析手法。

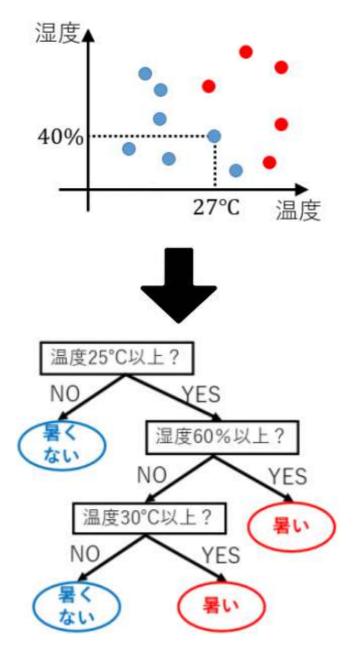
◇ 分類木分析

決定木モデルを分類モデルとして用いる場合の決定木分析。

• 図解例

赤い点:被験者が暑いと感じた日

青い点:被験者が暑くないと感じた日



• 分析例

データを読み込む。

sample <- read.csv("CV_data.csv", header = T)</pre>

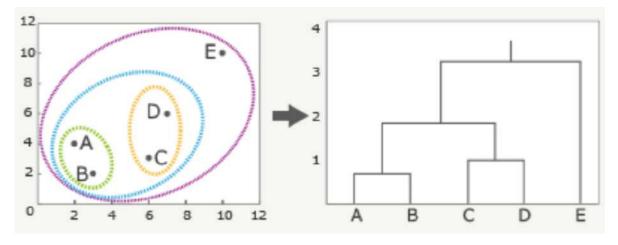
識別値のidを説明変数から除いたうえで、決定木を構築。
library(rpart)
tree <- rpart(CV~AGE + SEX + AD, data = sample)

partykitパッケージで決定木をグラフ化。
library(partykit)
plot(as.party(tree), tp_args = T)

rattleとrpart.plotパッケージで決定木をグラフ化。
library(rattle)
library(rpart.plot)
fancyRpartPlot(tree)

04. 階層クラスタ分析

データを、似ている順に階層的にグループ化(クラスタリング)していく分析手法。データ間の同一性を明らかにすることができる。



• 分析例

```
# データを読み込む。
sample1 <- read.csv("Cv_data.csv")

# ダミー変数に変換するために必要な情報が格納されたリストを生成。
library(caret)
tmp <- dummyvars(~., data = sample1)

# リストを基に、sample1の質的変数をダミー変数に変換。
sample1.dummy <- as.data.frame(predict(tmp, sample1))

# id以外の列を標準化。
scale.dummy <- scale(sample1.dummy[, 2:9])
```

距離行列を計算。
d1 <- dist(scale.dummy)

ウォード法による階層クラスター解析を行い、グラフ化。
cluster1 <- hclust(d1, method = "ward.D2")
plot(cluster1)

05. 関数の解説

◇ ggplot()

ggplot(): グラフのキャンバスを準備
 geom_xxx(): グラフをプロット
 theme(): グラフを追加加工

- ① キャンバスの設定
- ② グラフの絵をのせる+重ね書き
- ③ 体裁(全体・細部)を+重ね書き

