

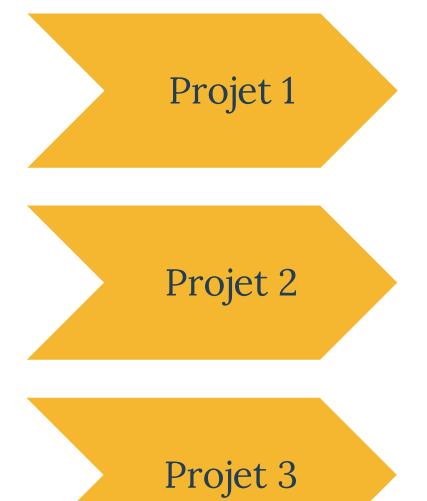
Certification

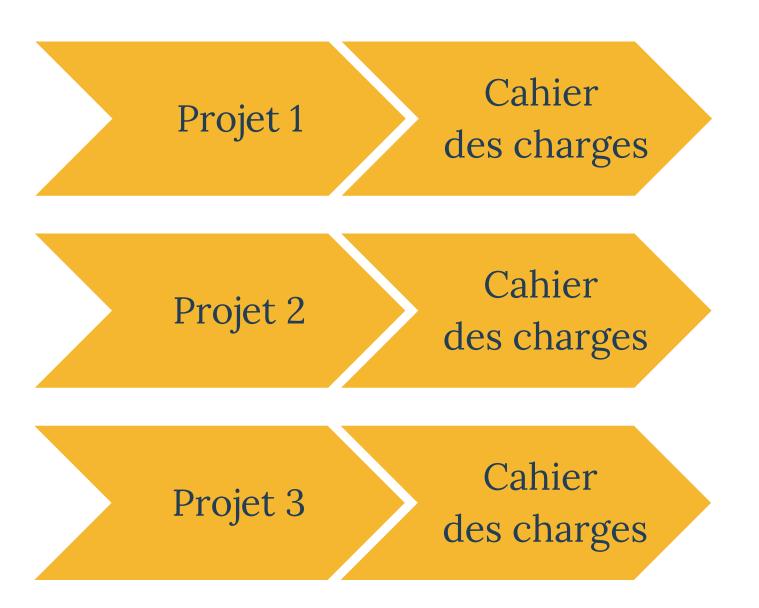
Bloc de compétences BC06 RNCP niv.7 n°32123

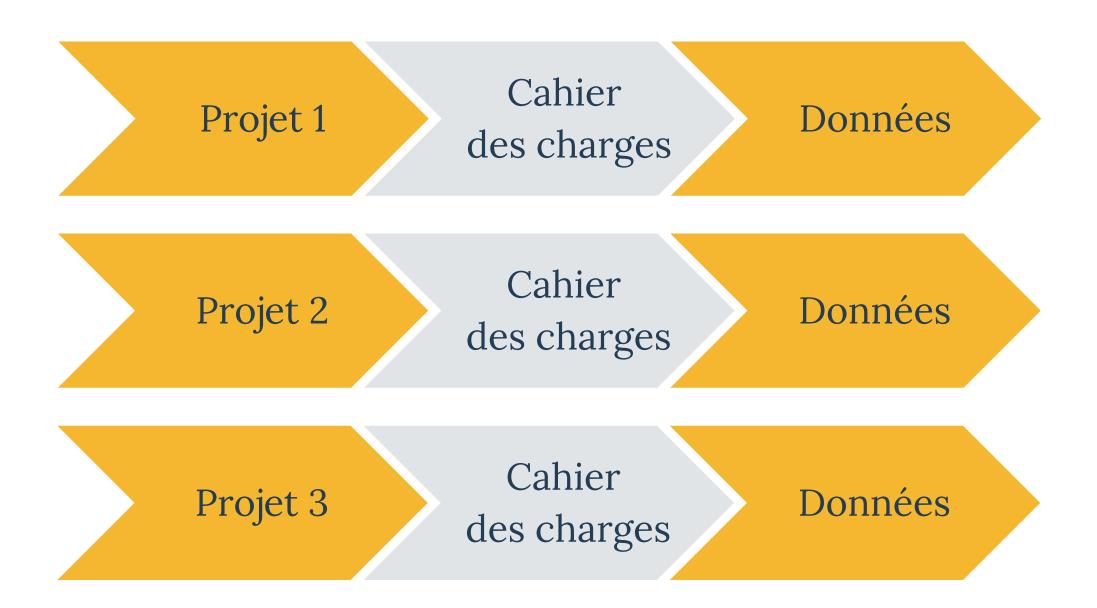
Yen Phi Do | Hugo Alpiste | Sébastien Martel | Morgane Geoffroy 04/09/2023

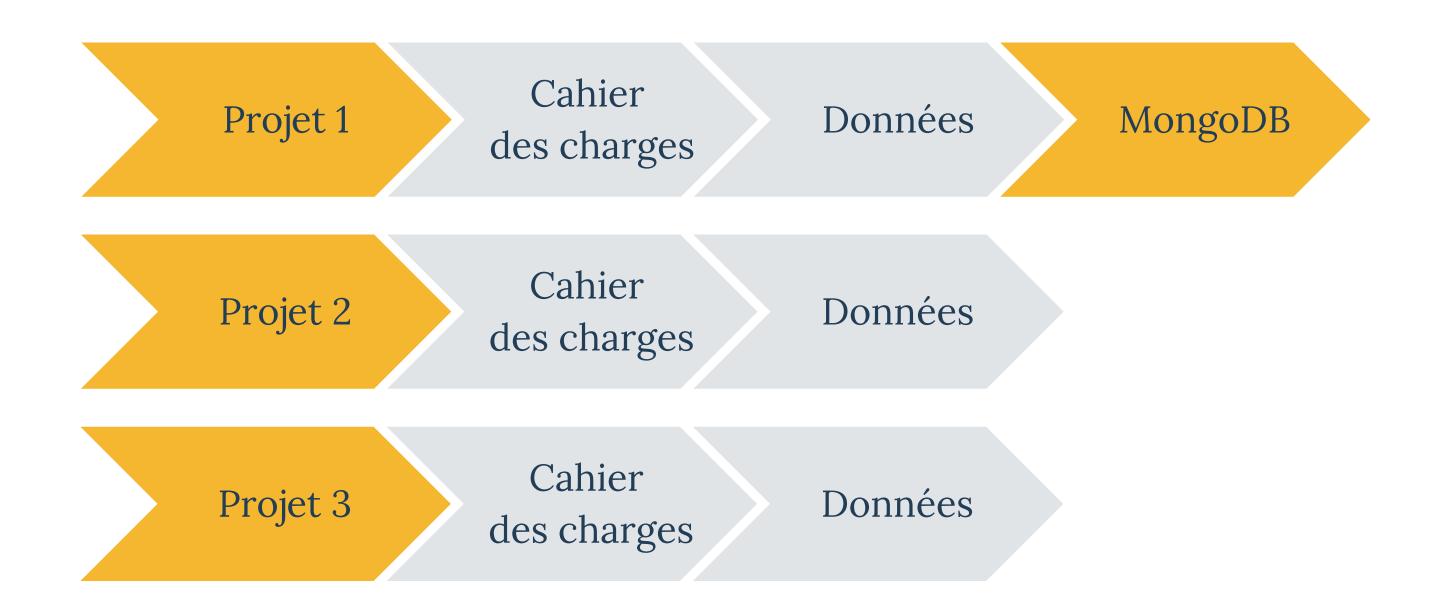
Introduction

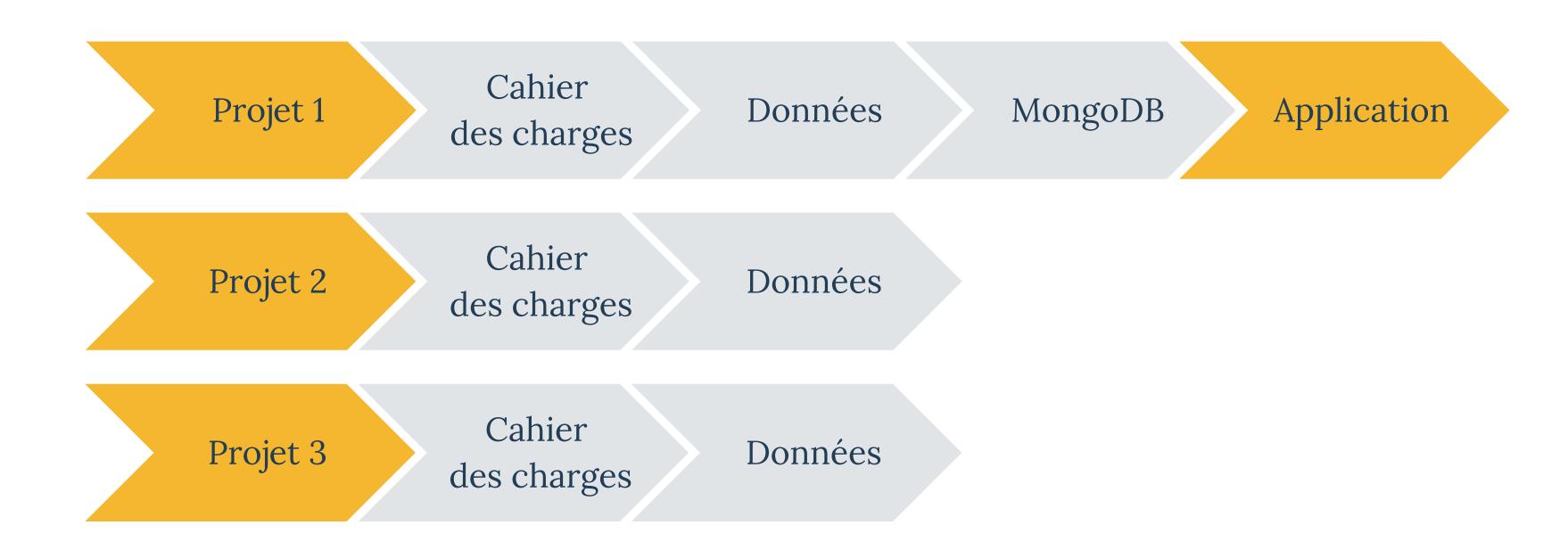
Identifiant	Liste de compétences		
A1	Recevoir la demande et rédiger un cahier de charges techniques pour la conception et la mise en place d'une solution d'analyse des données volumineuse		
A2	Installer et configurer l'écosystème Hadoop		
A3	Concevoir et déployer un système d'entrepôt de données structurées et non-structurées		
A4	Définir l'architecture des données		
A5	Ecrire des algorithmes d'analyse de données		
A6	Maîtriser la recherche étendue (ElasticSearch)		
A7	Concevoir un système d'intelligence artificielle et d'apprentissage automatique (Machine Learning)		
A8	Maîtriser l'analyse et la science de données		
A9	Développer des requêtes SQL et NO SQL pour traiter des données volumineuses		
A10	Sécuriser les bases de données et mettre en place des procédures de sauvegarde et de restauration		

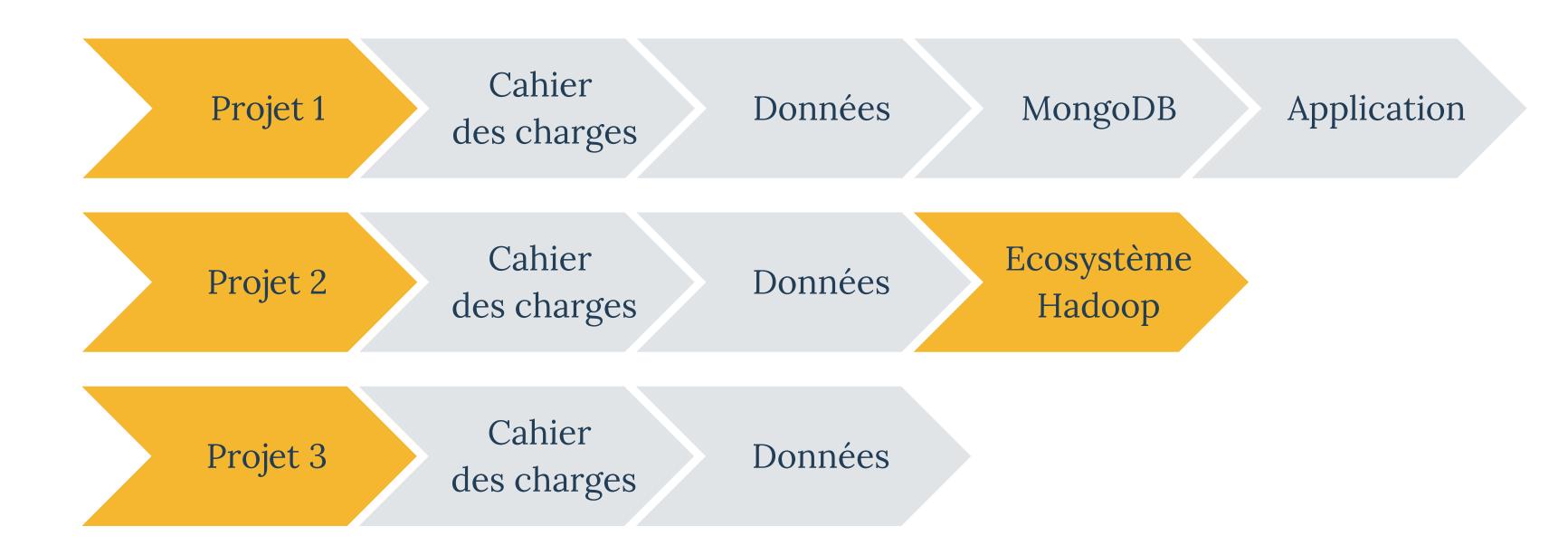


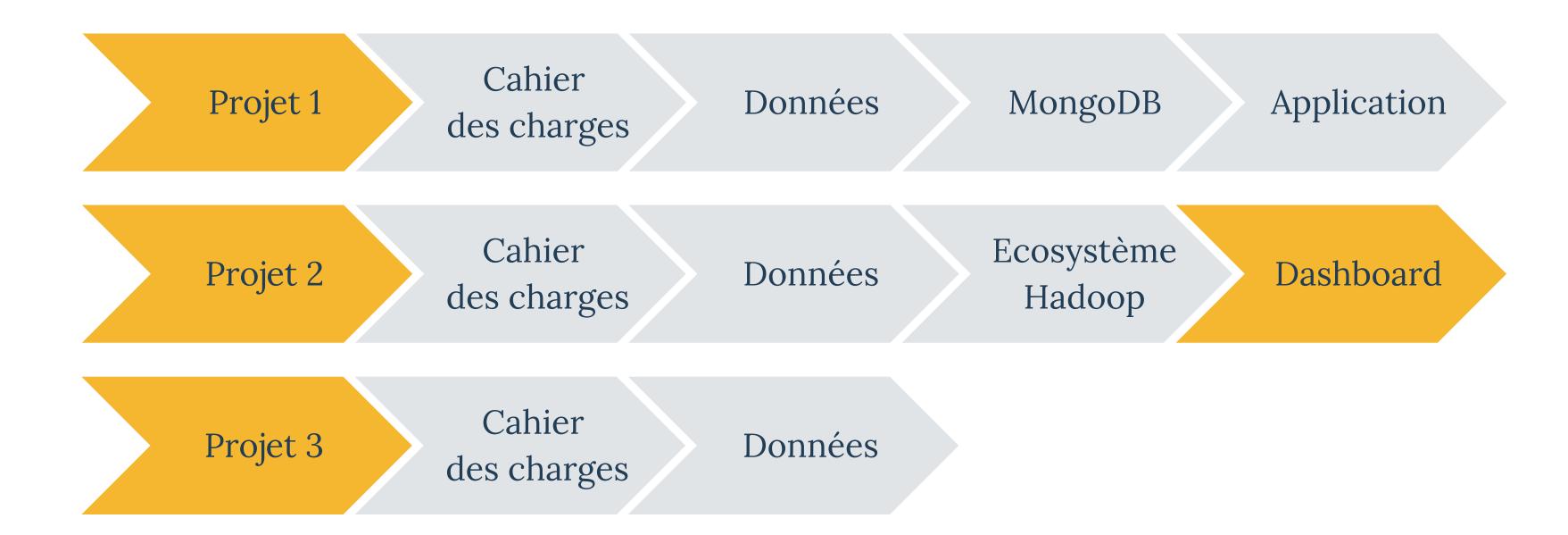


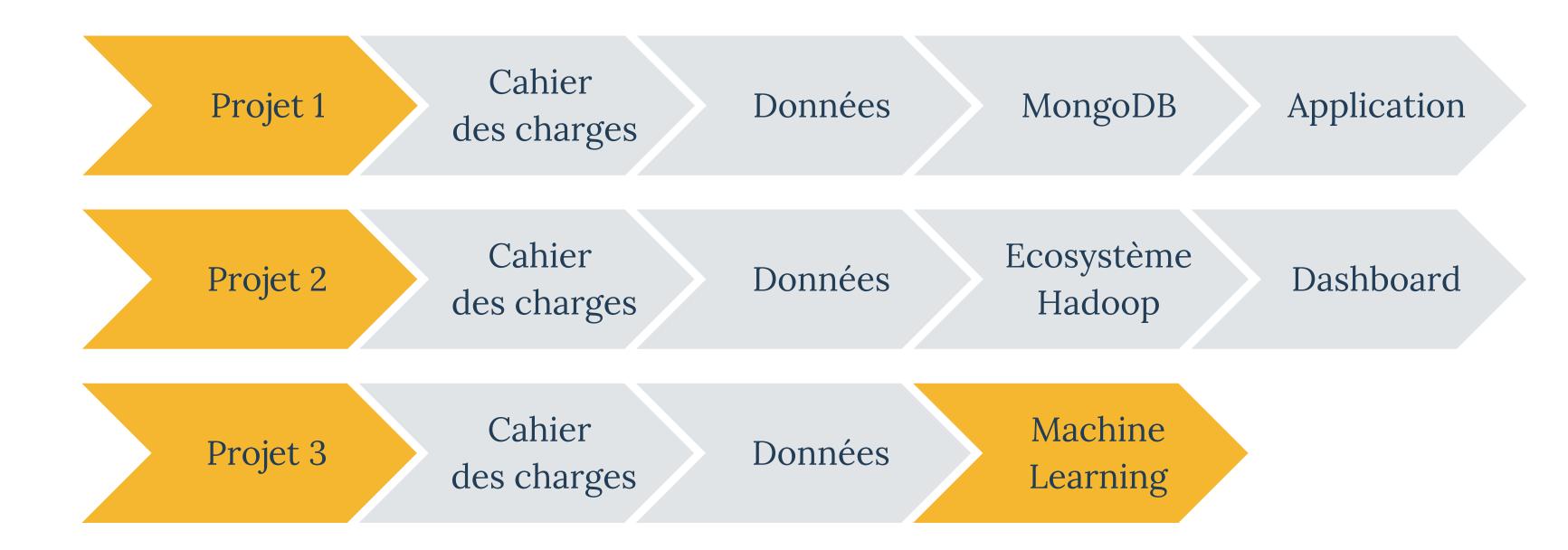


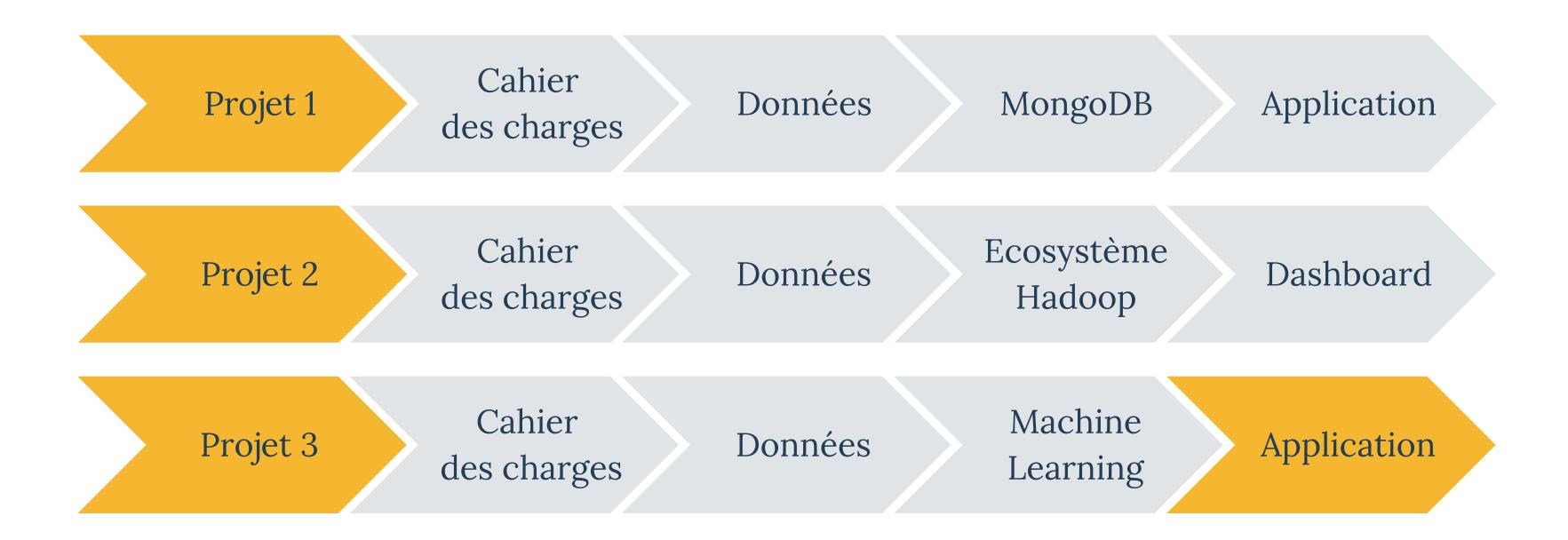


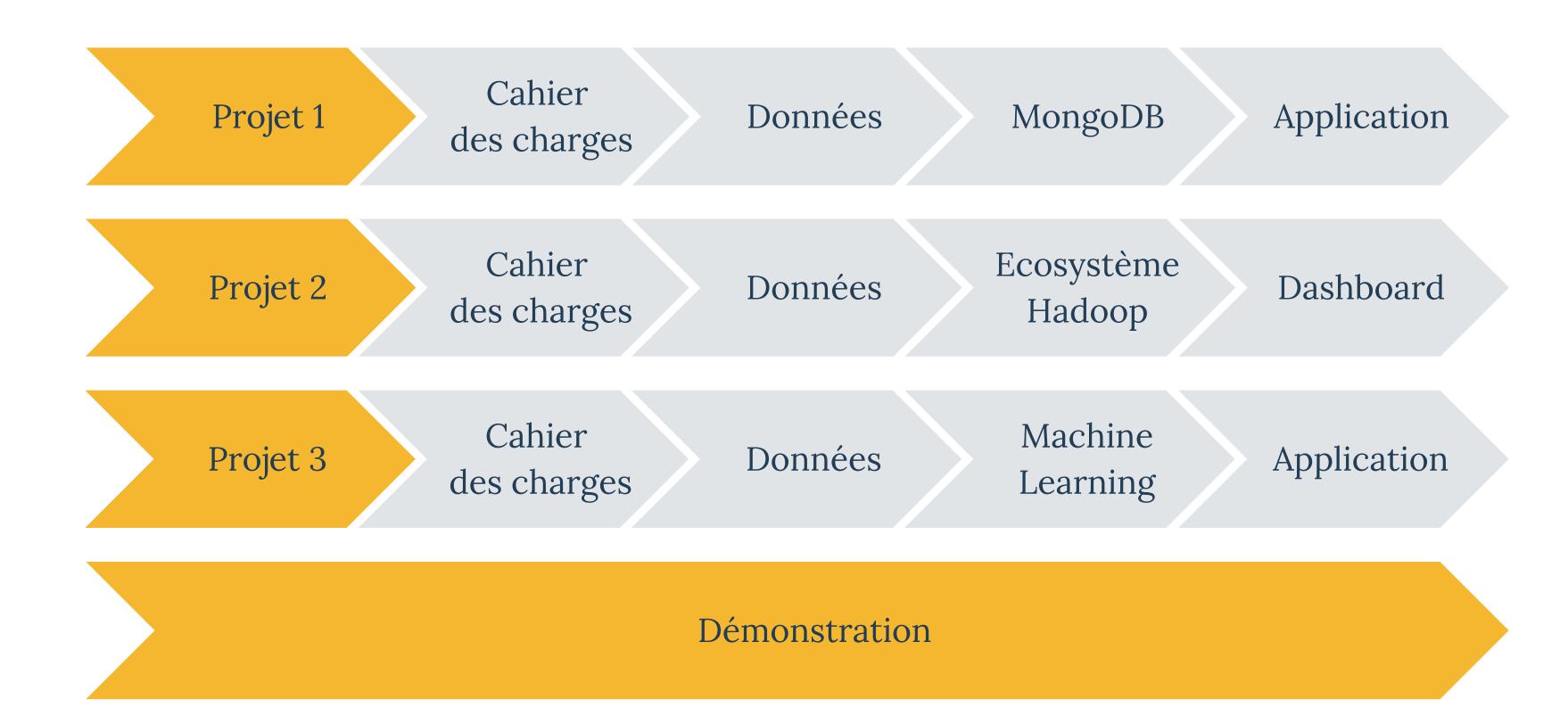














Projet n°1

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python"

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python."

Etapes de réalisation du projet

1 - Contraintes générales

Utilisation de python OO dans un environnement virtuel. venv, 1 classe

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python."

Etapes de réalisation du projet

2 - Analyse et nettoyage des données

Exploration des données et traitement des valeurs le nécessitant.

(Dans notre cas, jeu parfait)

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python."

Etapes de réalisation du projet

3 - Utilisation d'une base NoSQL sous MongoDB

```
setup.py : création et remplissage de la base
Connexions : singleton
Requêtes d'agrégation
Vues
```

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python."

Etapes de réalisation du projet

4 - Interface graphique

TKinter ou CLI -> TKinter

Deux onglets et graphes en pop-up

"Développement d'une application de traitement de données NoSQL avec MongoDB et Python."

Etapes de réalisation du projet

5 - Filtres et export

Filtres de sélection des attributs (formulaire)
Bouton d'export csv / xlsx

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.

Н	eart	Dis	ease
T. T.	Cui		Cabe

BMI

Smoking

AlcoholDrinking

Stroke

PhysicalHealth

MentalHealth

DiffWalking

Sex

AgeCategory

Race

Diabetic

PhysicalActivity

GenHealth

SleepTime

Asthma

KidneyDisease

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.

HeartDisease

BMI

Smoking

AlcoholDrinking

Stroke

PhysicalHealth

MentalHealth

DiffWalking

Sex

319 795

individus

AgeCategory

Race

Diabetic

PhysicalActivity

GenHealth

SleepTime

Asthma

KidneyDisease

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.

HeartDisease

BMI

Smoking

AlcoholDrinking

Stroke

PhysicalHealth

MentalHealth

DiffWalking

Sex

319 795

individus

246 147

individus uniques

AgeCategory

Race

Diabetic

PhysicalActivity

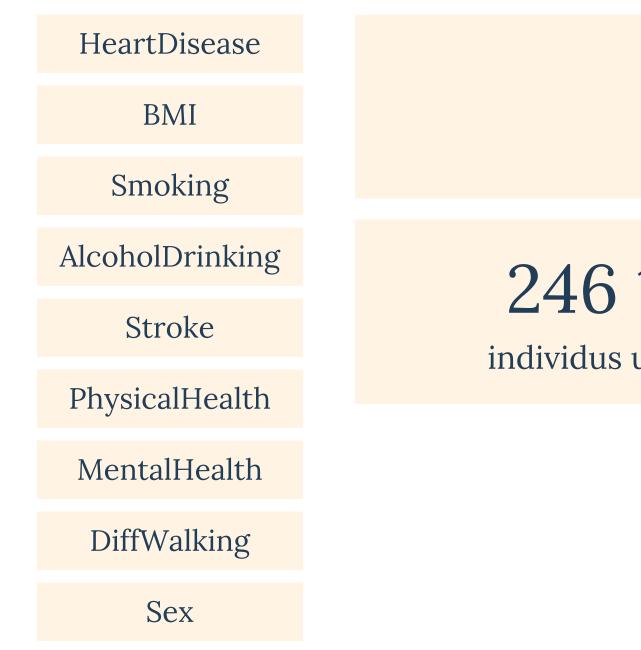
GenHealth

SleepTime

Asthma

KidneyDisease

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.





AgeCategory

Race

Diabetic

PhysicalActivity

GenHealth

SleepTime

Asthma

KidneyDisease

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.

HeartDisease BMI Smoking AlcoholDrinking Stroke PhysicalHealth MentalHealth DiffWalking Sex

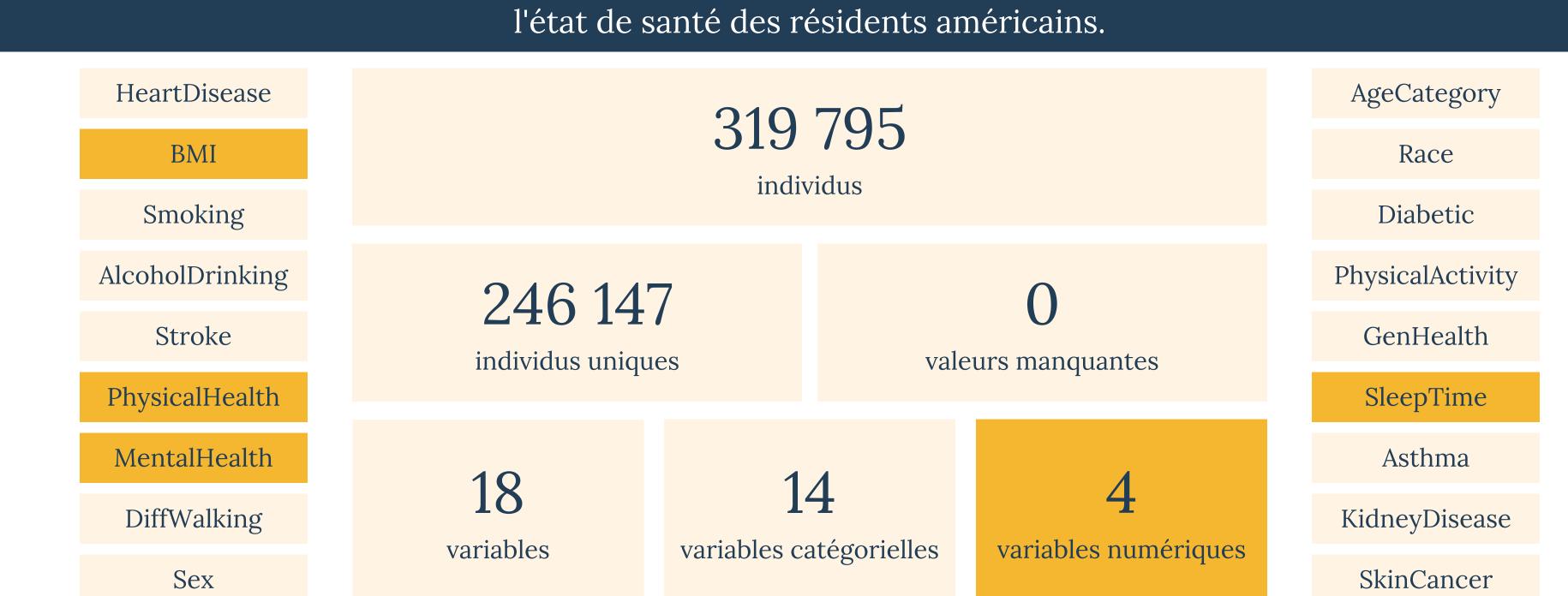
319 795 individus 246 147 individus uniques valeurs manquantes variables

AgeCategory Race Diabetic PhysicalActivity GenHealth SleepTime Asthma KidneyDisease SkinCancer

Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.



Proviennent du CDC et constituent une partie importante du Système de Surveillance des Facteurs de Risque Environnementaux (BRFSS), qui mène des enquêtes téléphoniques annuelles pour recueillir des données sur l'état de santé des résidents américains.



Prétraitement

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Création d'un validateur rendant l'attribut HeartDisease obligatoire, les attributs numériques "int" et les attributs catégoriels "str"

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Création d'un validateur rendant l'attribut HeartDisease obligatoire, les attributs numériques "int" et les attributs catégoriels "str"

Collection

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Création d'un validateur rendant l'attribut HeartDisease obligatoire, les attributs numériques "int" et les attributs catégoriels "str"

Collection

Création de la collection "heart" soumise au validateur défini précédemment

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Création d'un validateur rendant l'attribut HeartDisease obligatoire, les attributs numériques "int" et les attributs catégoriels "str"

Collection

Création de la collection "heart" soumise au validateur défini précédemment

Transfert des données

Prétraitement

Typage des attributs numériques en "int" afin d'homogénéiser au sein de la base de données, les types des attributs numériques

Base de données

Instanciation de la base de données "HEART_DB"

Validateur

Création d'un validateur rendant l'attribut HeartDisease obligatoire, les attributs numériques "int" et les attributs catégoriels "str"

Collection

Création de la collection "heart" soumise au validateur défini précédemment

Transfert des données

Ajout des données à la collection "heart"

Application

Affichage de la liste des individus présents en base de données correspondant aux critères renseignés dans le formulaire, de leur répartition au sein de chaque attributs et de mesures pertinentes.

Remplissage du formulaire

Interrogation de la base de données

Affichage des résultats

Heart disease: Smoking: Alcohol drinking: Stroke: Walking difficulty: Sex: Age category: Ethnicity: Diabetic: Physical activity: General health: Asthma: Kidney disease: Skin cancer: BMI: Physical health: Mental health: Sleep time:

Récupération des individus get_patients_data()

Génération de métriques
disease_estimate()
Graphiques

singleGraphsGeneration()



Projet n°2

"Conception et développement d'une solution de collecte, de stockage et traitement de données volumineuses et hétérogènes avec Hadoop"

"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

Etapes de réalisation du projet

1 - Analyse exploratoire des données

Analyse exploratoire des données et résumé des caractéristiques clés

"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

Etapes de réalisation du projet

2 - Pré-traitement des données

Le pré-traitement prépare les données pour Hadoop en les nettoyant et les ajustant en fusionant les tables

"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

Etapes de réalisation du projet

3 - Implémentation MapReduce

Conception et implémentation des tâches Map et Reduce pour le traitement distribué avec Hadoop

"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

Etapes de réalisation du projet

4 - Implémentation HBase

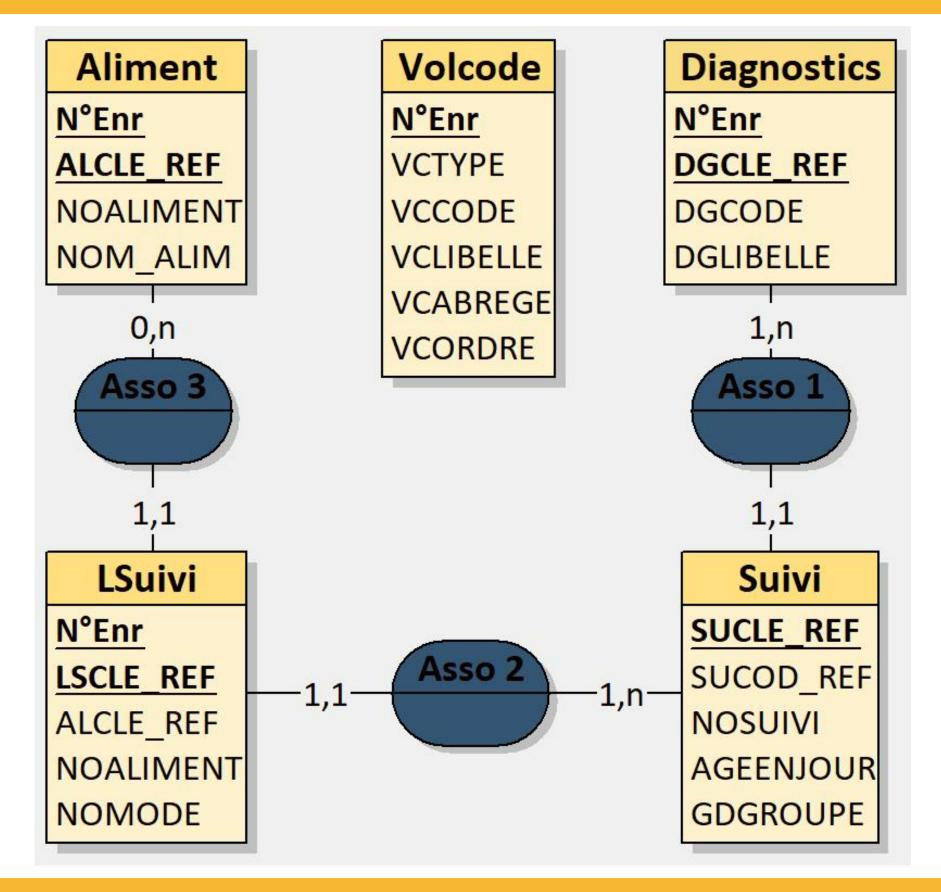
Création et mise en place des fonctionnalités liées à HBase

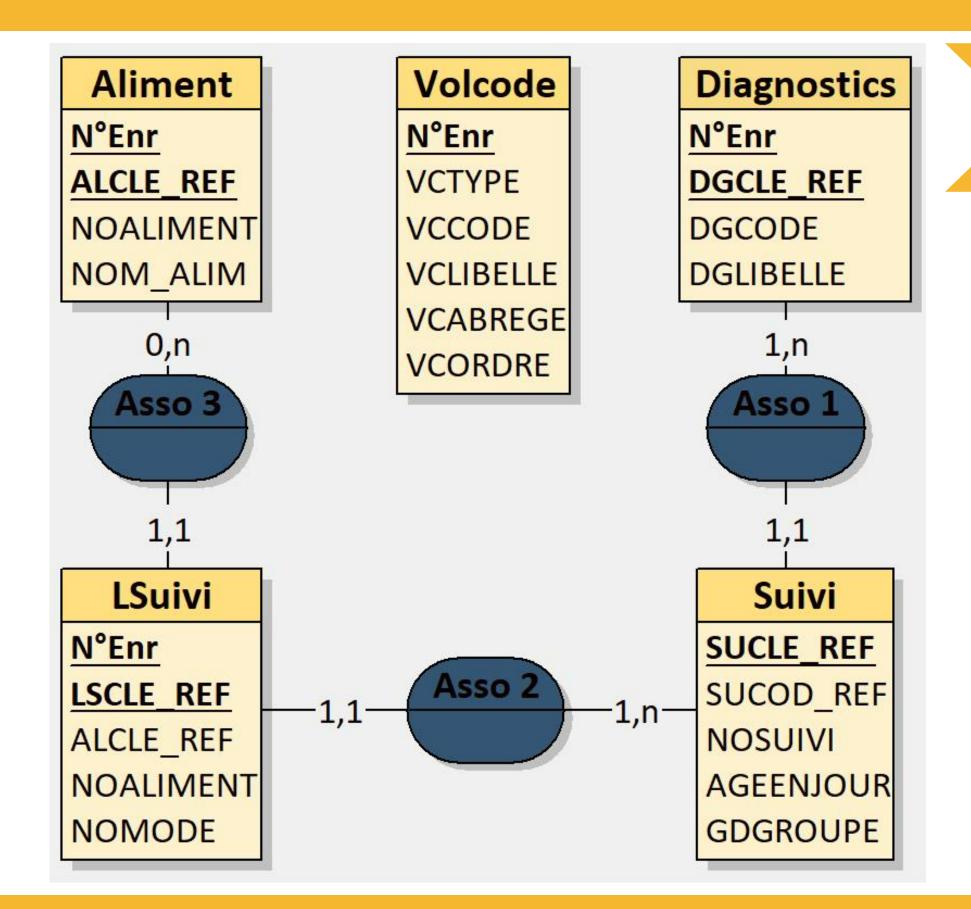
"Mettre en œuvre des solutions de traitement et d'analyse de données à grande échelle en utilisant la plateforme Hadoop, de l'exploration initiale des données jusqu'à la création d'une application finale."

Etapes de réalisation du projet

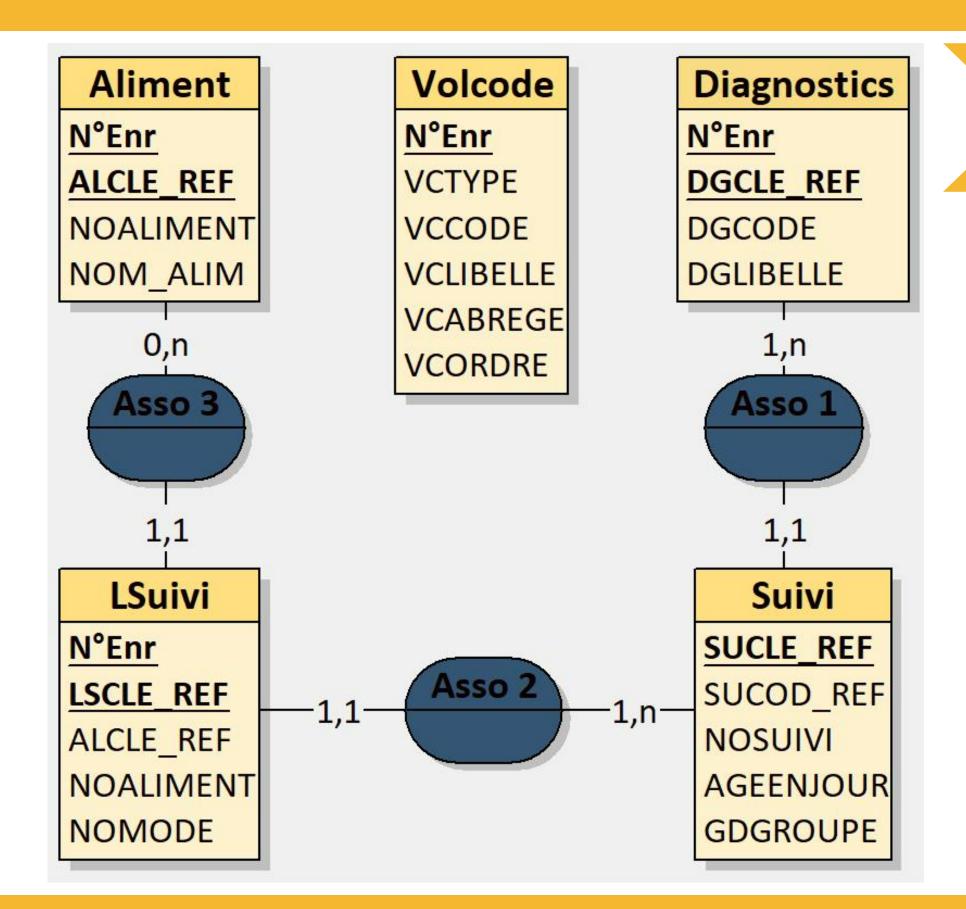
5 - Visualisation des résultats

Création de tableaux de bord à l'aide de Power BI pour présenter les résultats du traitement des données.



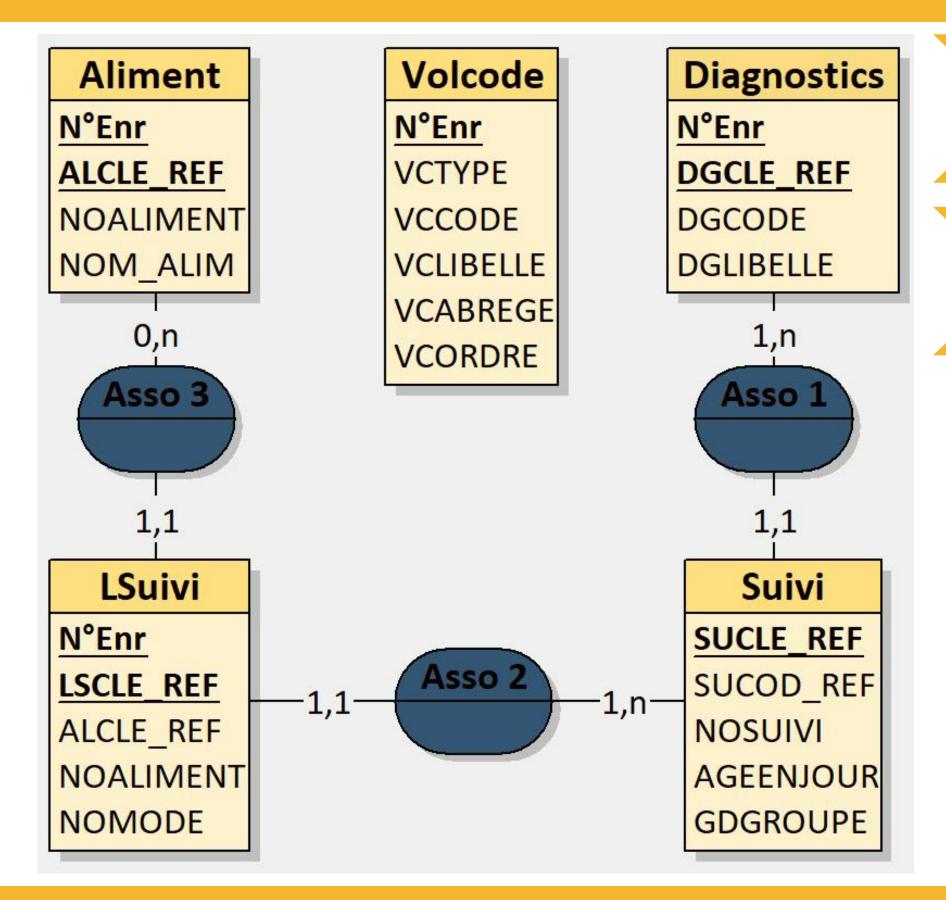


Aliment



Aliment

Table répertoriant les différents aliments qui peuvent être prescrits.



Aliment aliments qui

Diagnostics

Table répertoriant les différents aliments qui peuvent être prescrits.

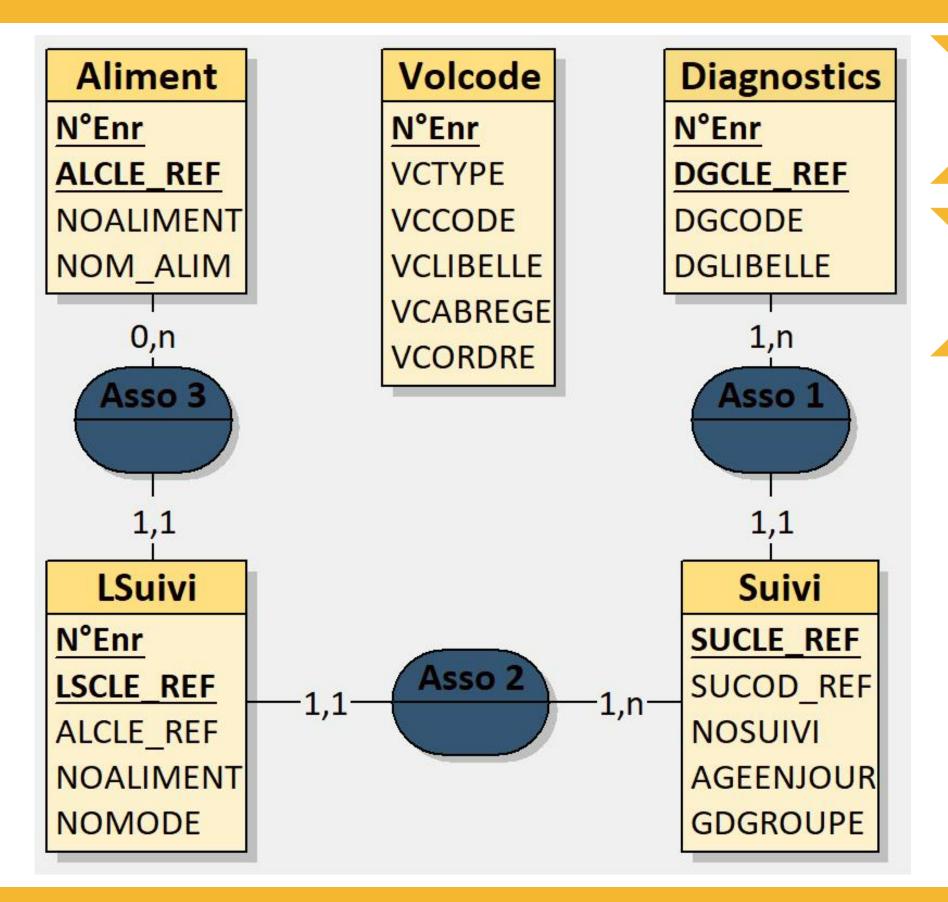
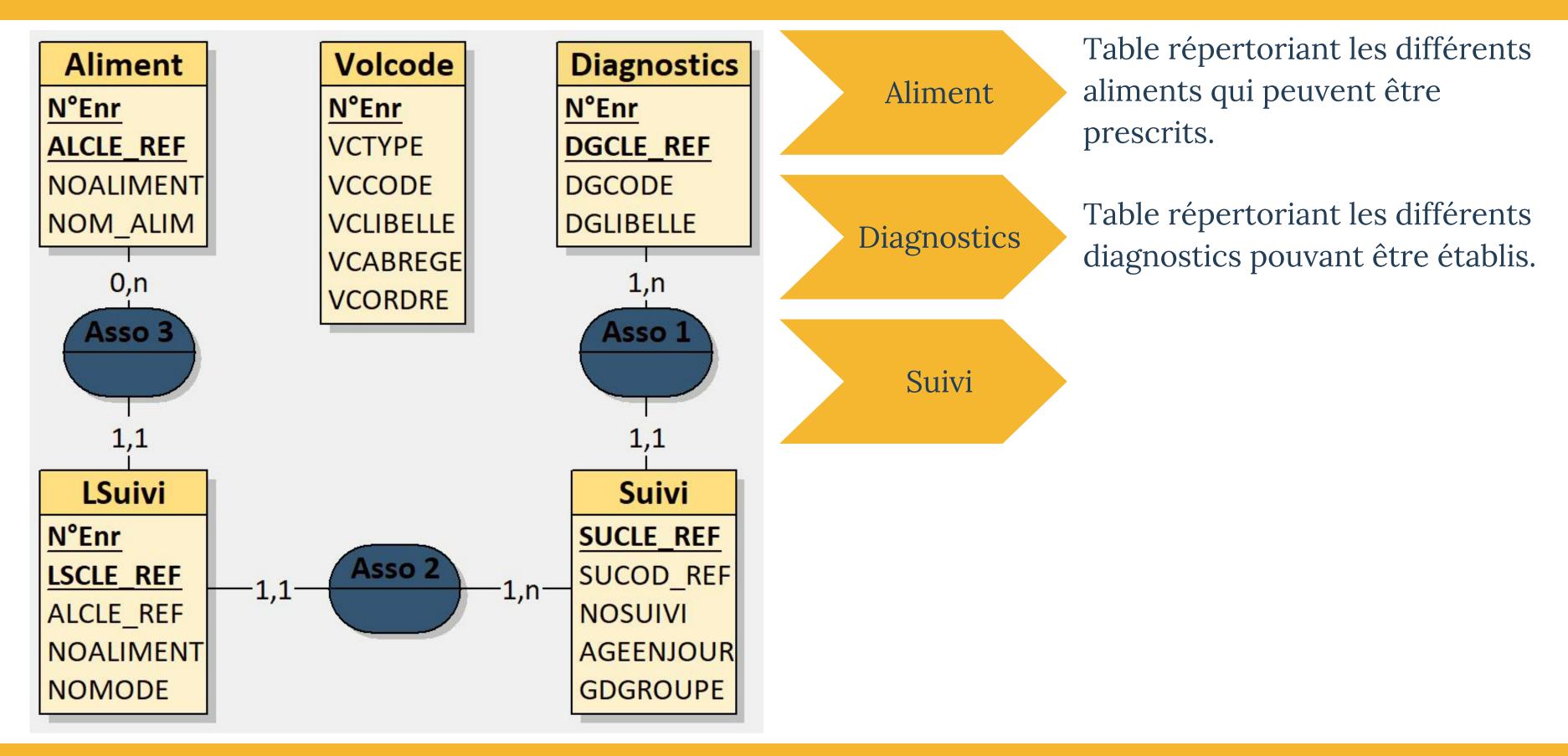
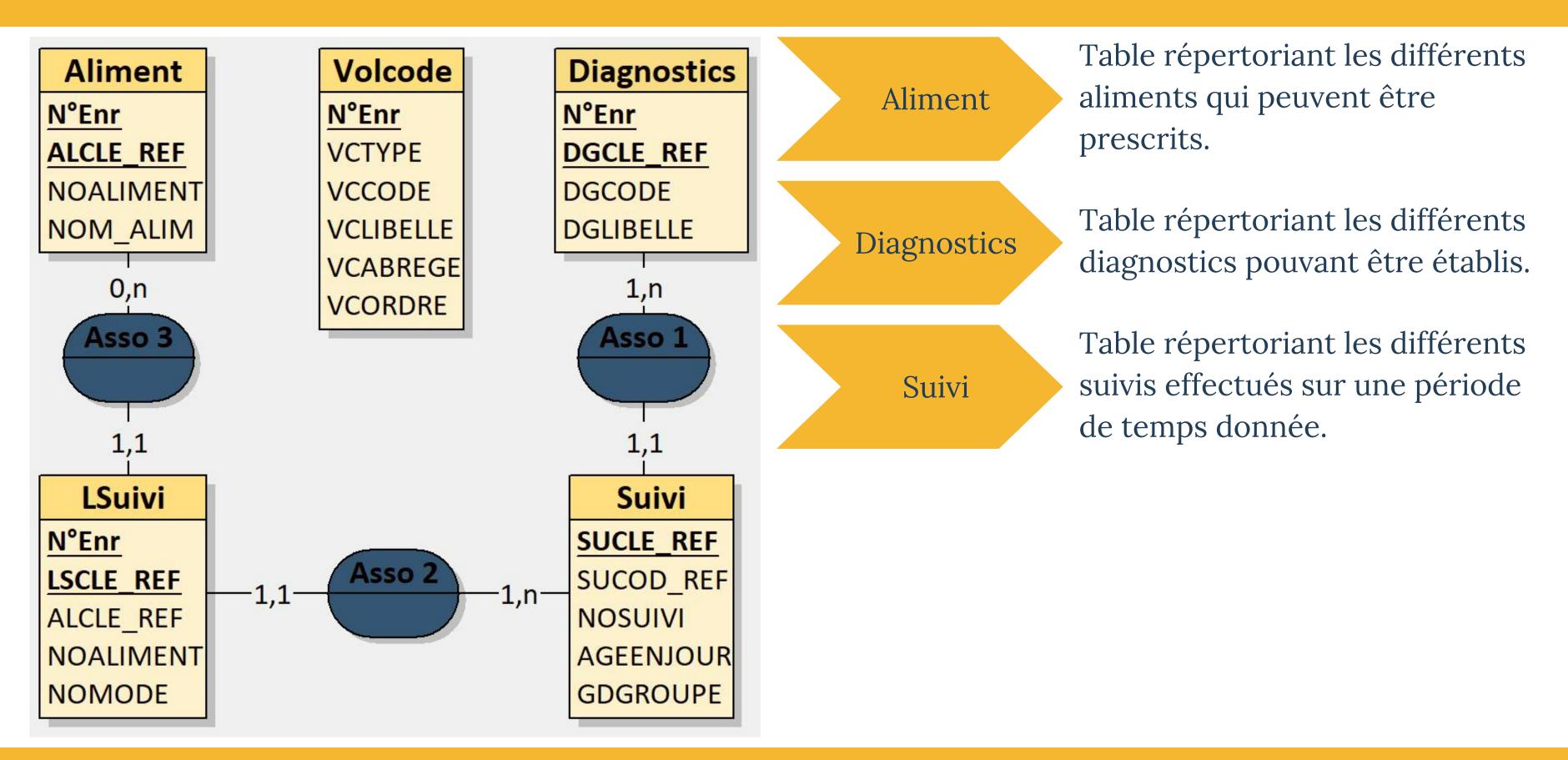


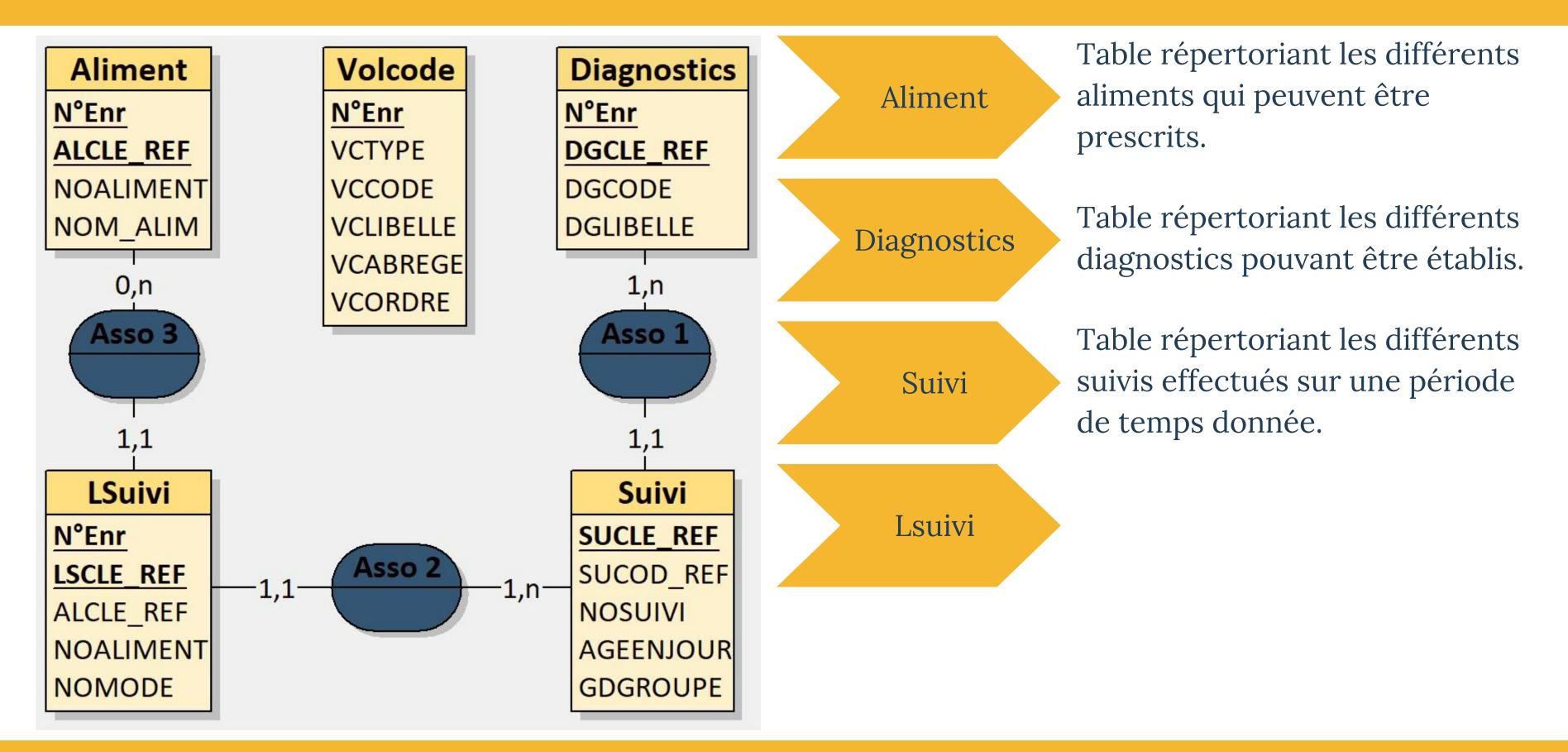
Table répertoriant les différents aliments qui peuvent être prescrits.

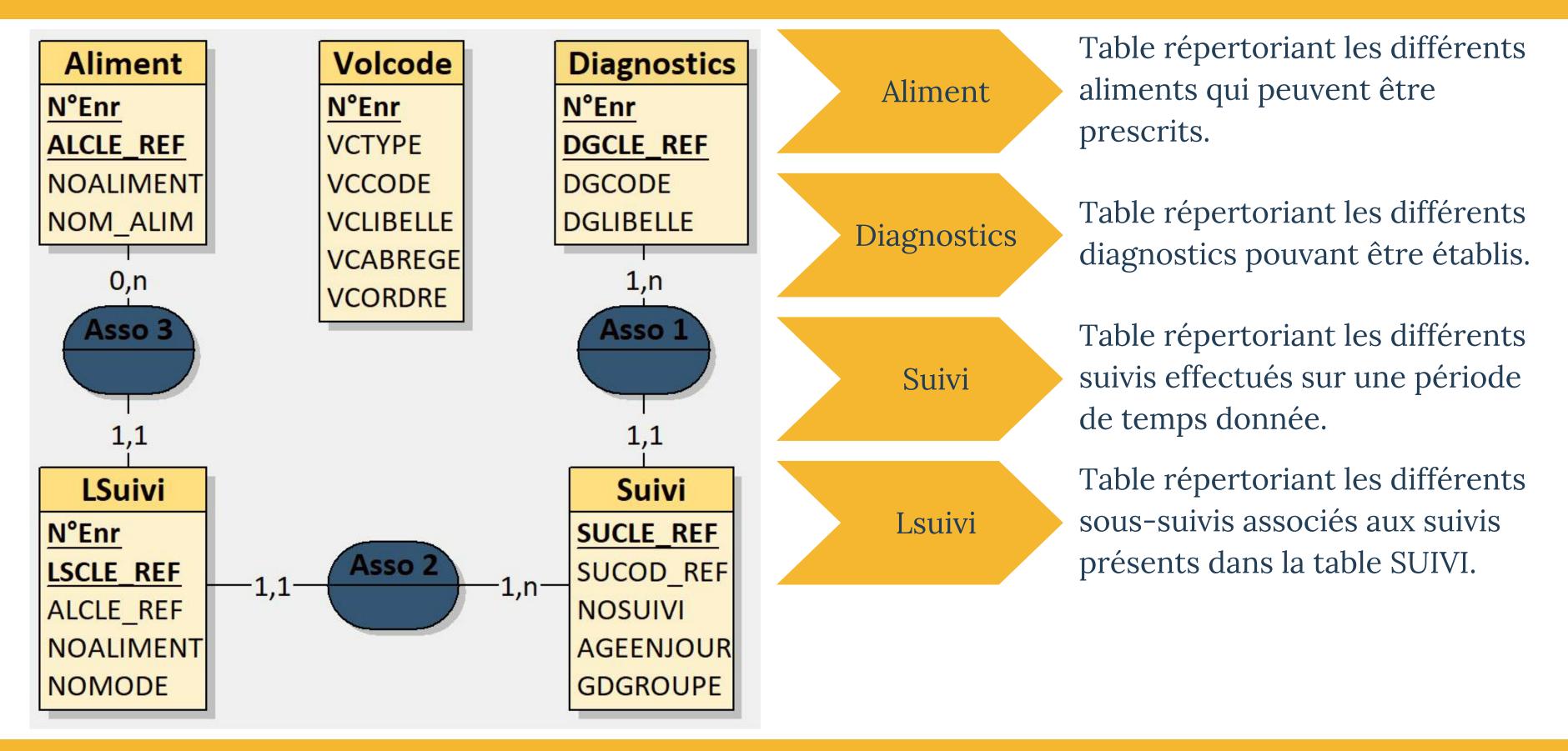
Diagnostics

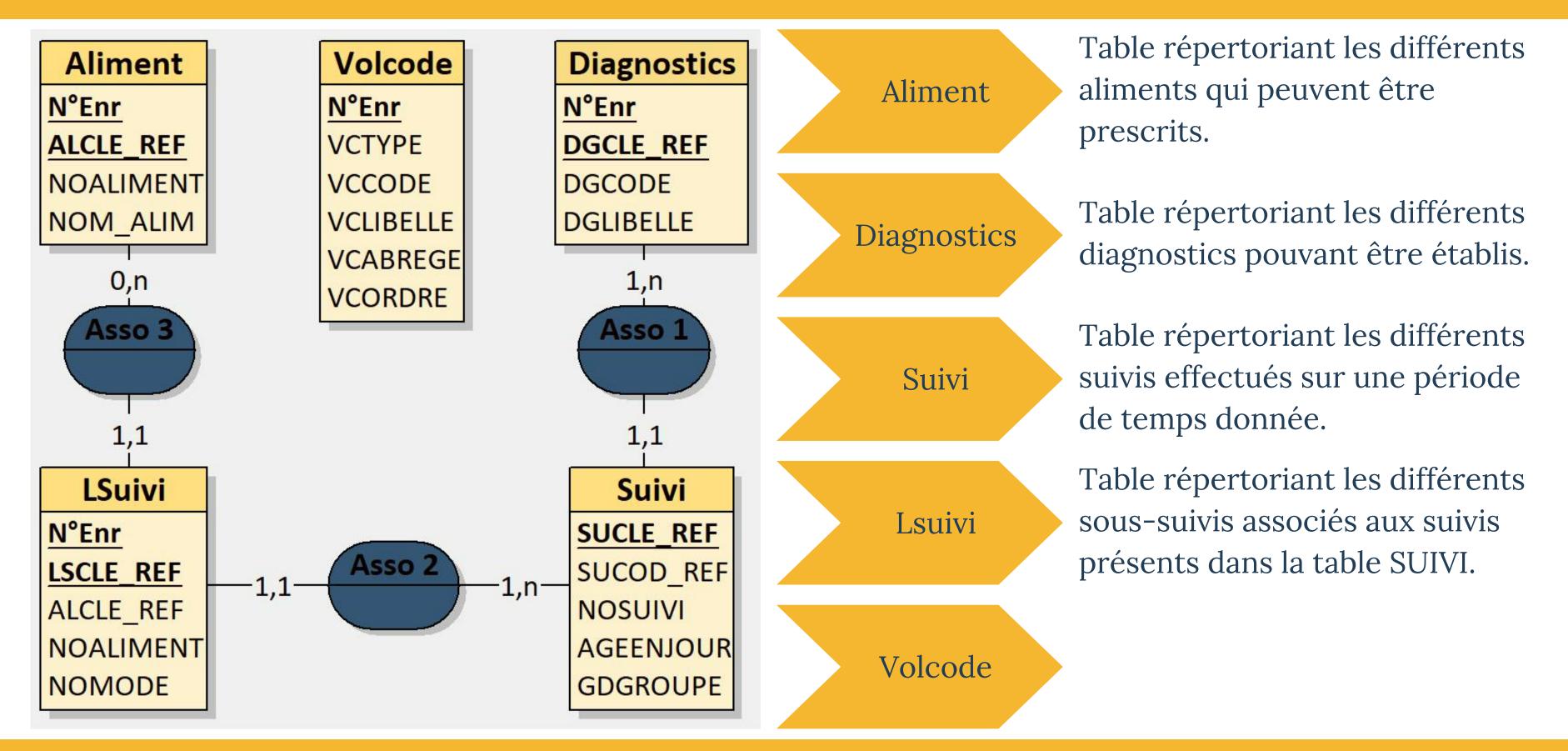
Table répertoriant les différents diagnostics pouvant être établis.

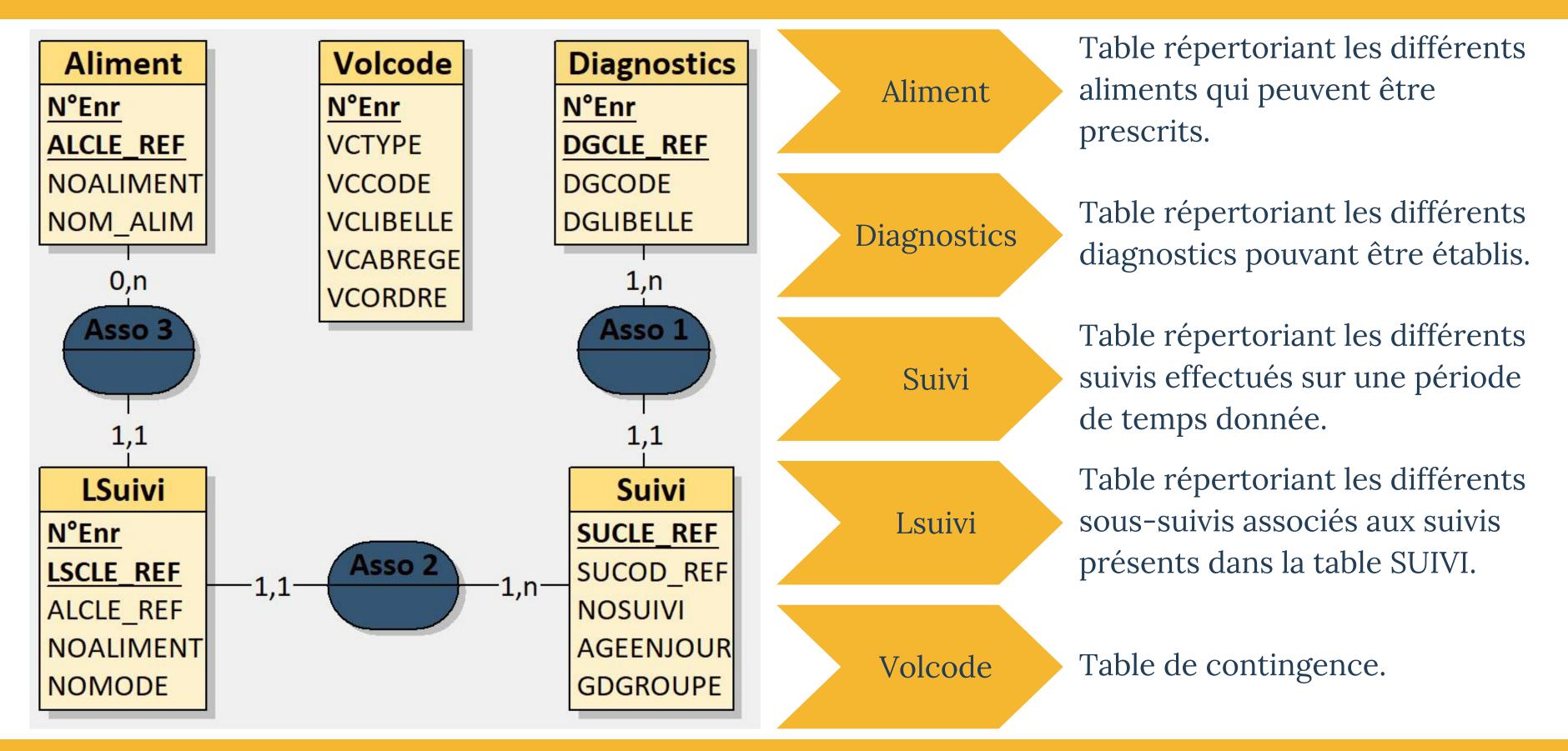












Ecosystème Hadoop

Calcul et stockage distribués

hadoop HDFS, MapReduce: traitement et insertion, base NoSQL HBase

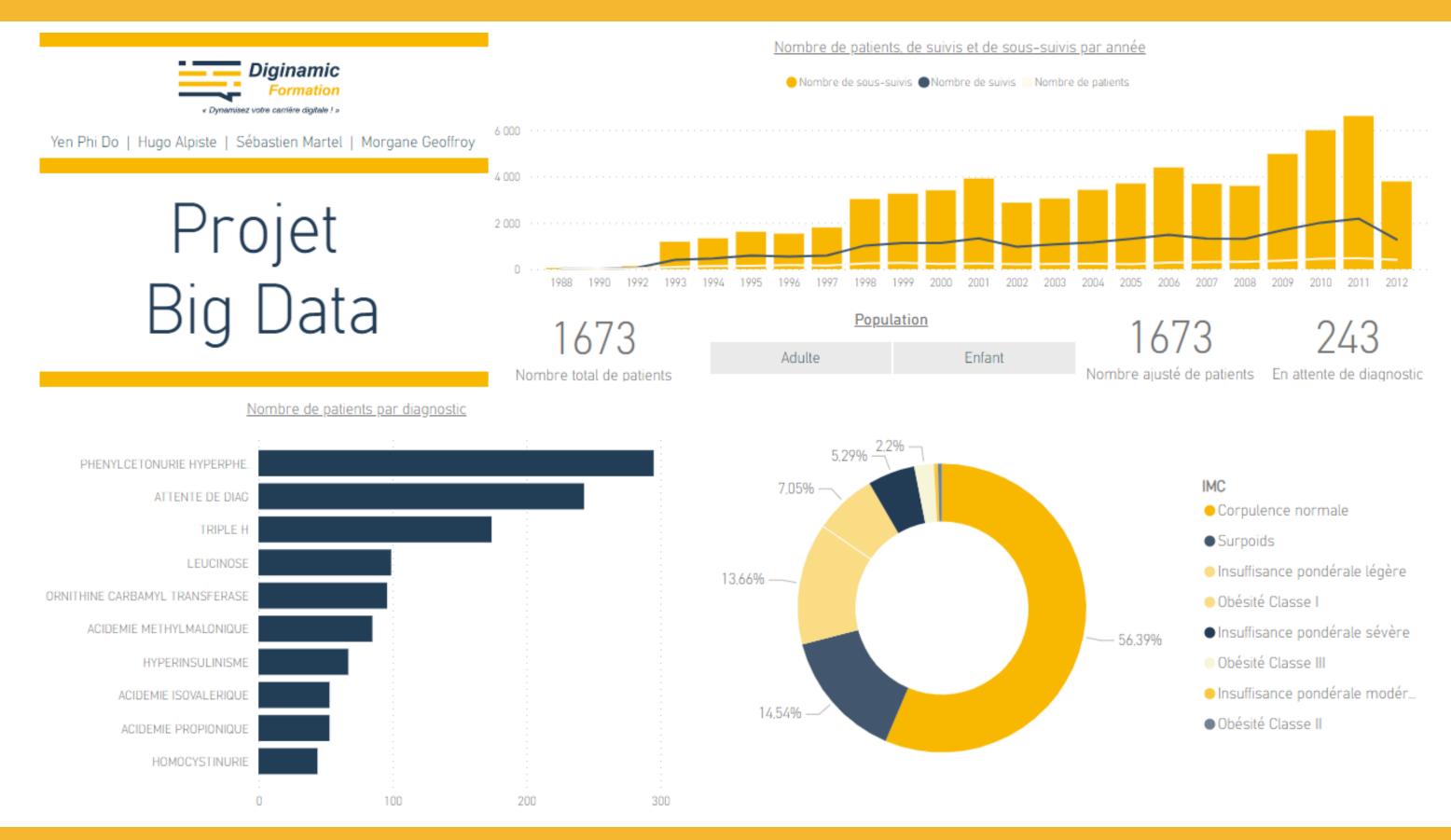
Trois conteneurs Docker / un réseau : NameNode et deux Slaves

setup.ps1:

- Envoi sur le NameNode : données, mapper et reducer
 - Envoi et lancement du script de configuration

1 ligne de code pour lancer le traitement

Dashboard



Dashboard

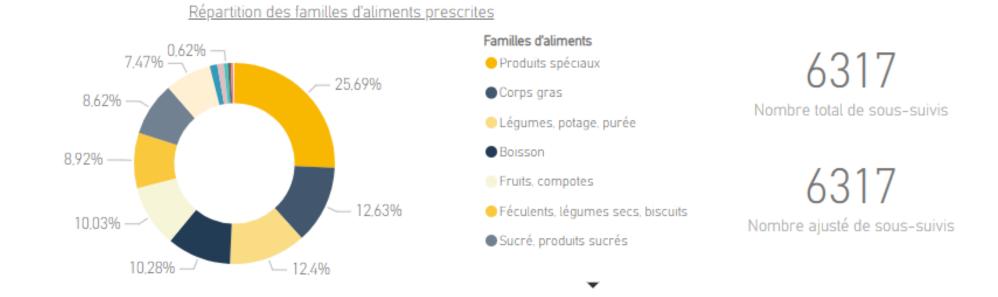


Yen Phi Do | Hugo Alpiste | Sébastien Martel | Morgane Geoffroy

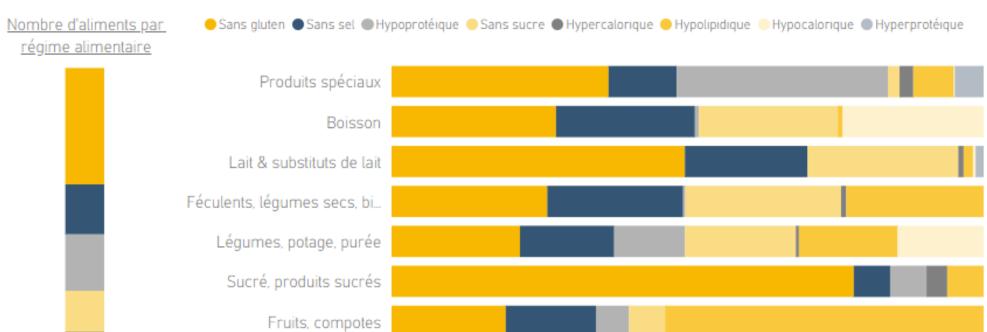
Projet Big Data

Régime sans gluten Régime san... Régime h... Régime san... Régime h... Régime san... Régime h... Régime hypercalorique 1031 Régime hypoprotéique 884

Focus sur le diagnostic de la Phénylcétonurie Hyperphe



Répartition des régimes alimentaires par famille d'aliments



20%

40%

60%

80%

100%

Corps gras

0%



Projet n°3

"Concevoir un système d'intelligence artificielle et d'apprentissage automatique"

Prédire la survenue probable d'un incident cardiaque sur la base de réponses renseignées par le patient dans un questionnaire.

Etapes de réalisation du projet

1 - Analyse exploratoire

Exploration des données afin de pouvoir en évaluer la pertinence et résumer leurs principales caractéristiques.

Prédire la survenue probable d'un incident cardiaque sur la base de réponses renseignées par le patient dans un questionnaire.

Etapes de réalisation du projet

2 - Pré-traitement

Formatage du jeu de données initial, résultant de l'analyse exploratoire, dans le but de l'adapter à une utilisation dans des algorithmes de Machine Learning

Prédire la survenue probable d'un incident cardiaque sur la base de réponses renseignées par le patient dans un questionnaire.

Etapes de réalisation du projet

3 - Entraînement, optimisation et évaluation des performances de plusieurs modèles

Comparaison de trois modèles adaptés à la classification dont les hyperparamètres auront été optimisés et dont les performances auront été évaluées.

Prédire la survenue probable d'un incident cardiaque sur la base de réponses renseignées par le patient dans un questionnaire.

Etapes de réalisation du projet

4 - Choix d'un modèle

Choix du modèle qui permettra de prédire la possibilité d'une atteinte cardiaque sur la base d'un certain nombre de paramètres renseignés en interface.

Prédire la survenue probable d'un incident cardiaque sur la base de réponses renseignées par le patient dans un questionnaire.

Etapes de réalisation du projet

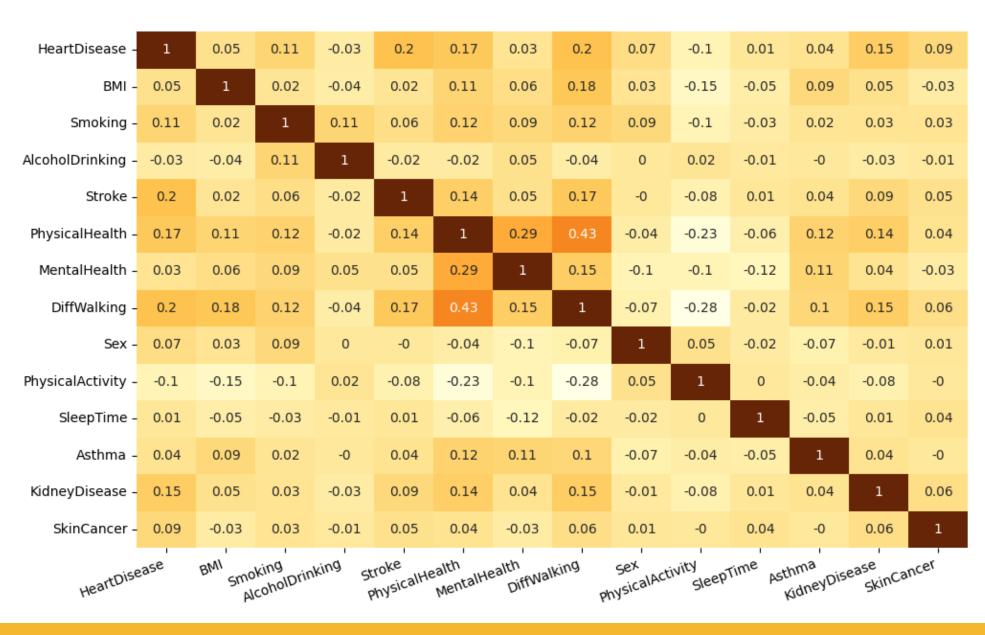
5 - Application finale

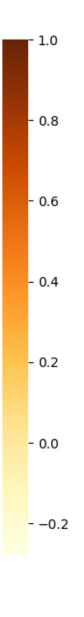
Mise en place d'une interface web fonctionnelle et facile d'utilisation afin de fournir une prédiction à partir des données d'entrée.

Existe-t-il des variables fortement corrélées ?

Existe-t-il des variables fortement corrélées ?

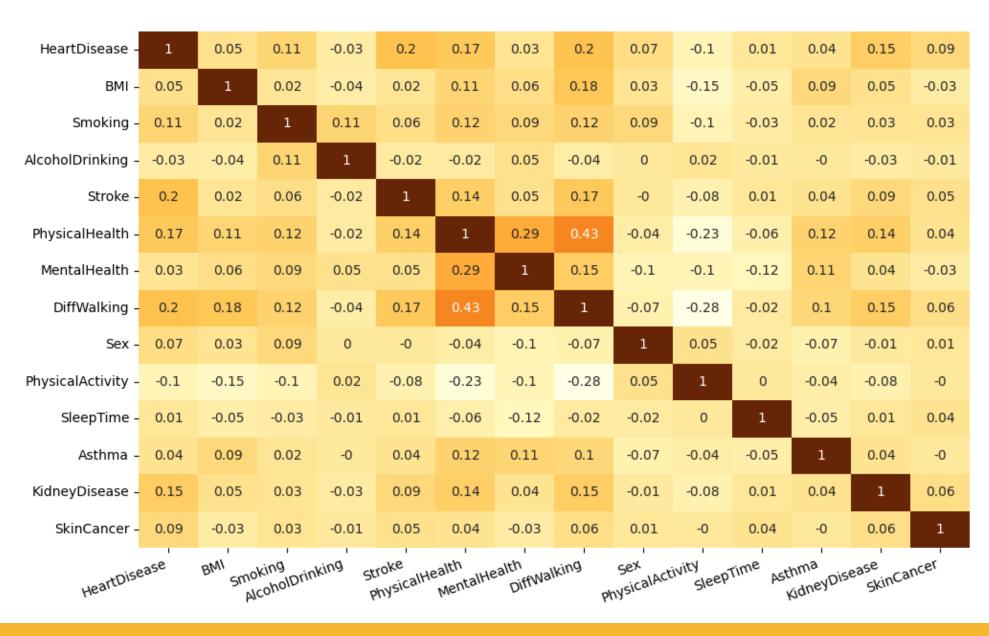
Matrice de corrélations

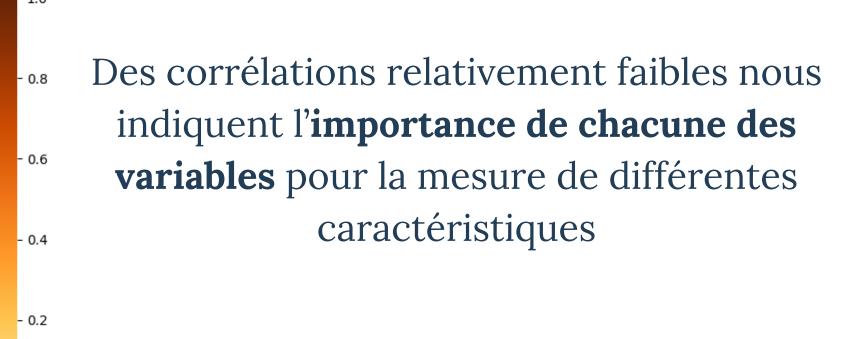




Existe-t-il des variables fortement corrélées ?

Matrice de corrélations





- 0.0

- -0.2

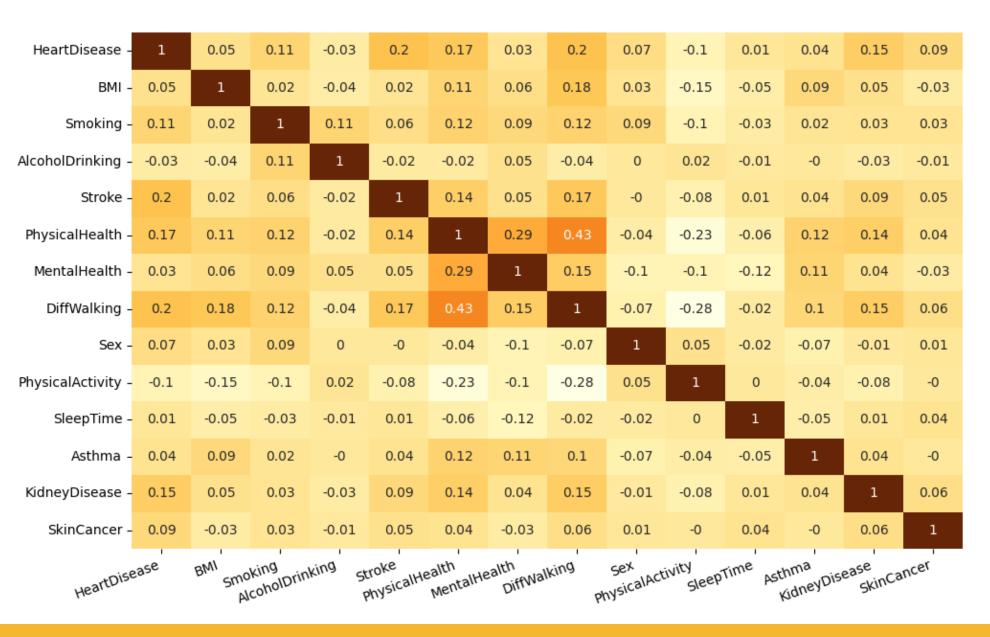
Existe-t-il des variables fortement corrélées?

Matrice de corrélations

- 0.4

- 0.0

- -0.2



Des corrélations relativement faibles nous indiquent l'**importance de chacune des variables** pour la mesure de différentes caractéristiques

Deux corrélations plus importantes

DiffWalking et PhysicalHealth PhysicalHealth et MentalHealth

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Variables catégorielles

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Variables catégorielles

Test du Chi2

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Variables catégorielles

Test du Chi2

Au moins 5 individus dans chaque groupe

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Variables catégorielles

Test du Chi2

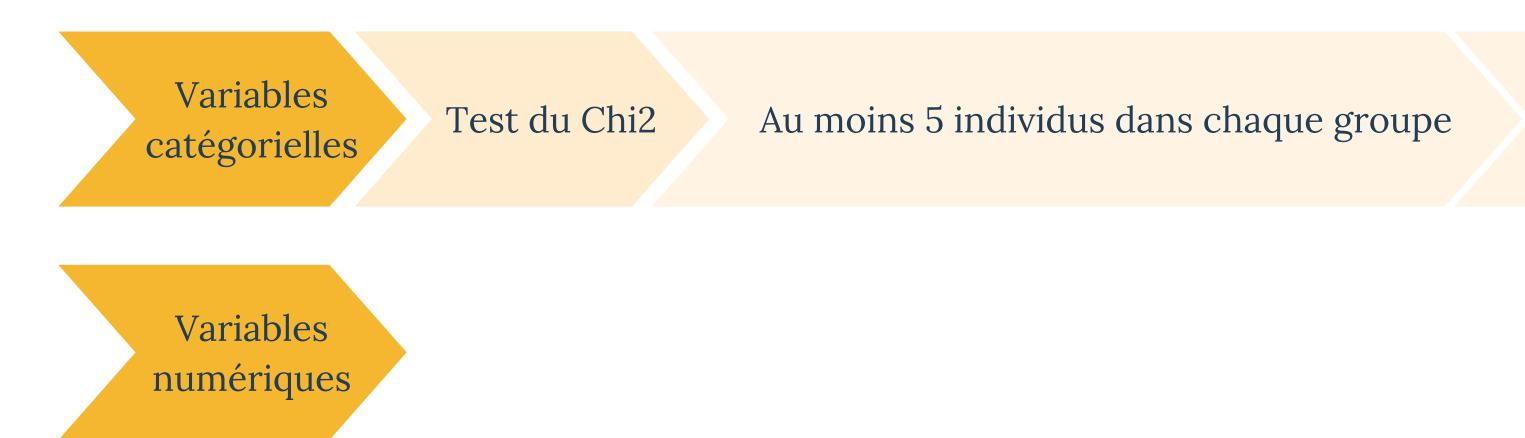
Au moins 5 individus dans chaque groupe

ok

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

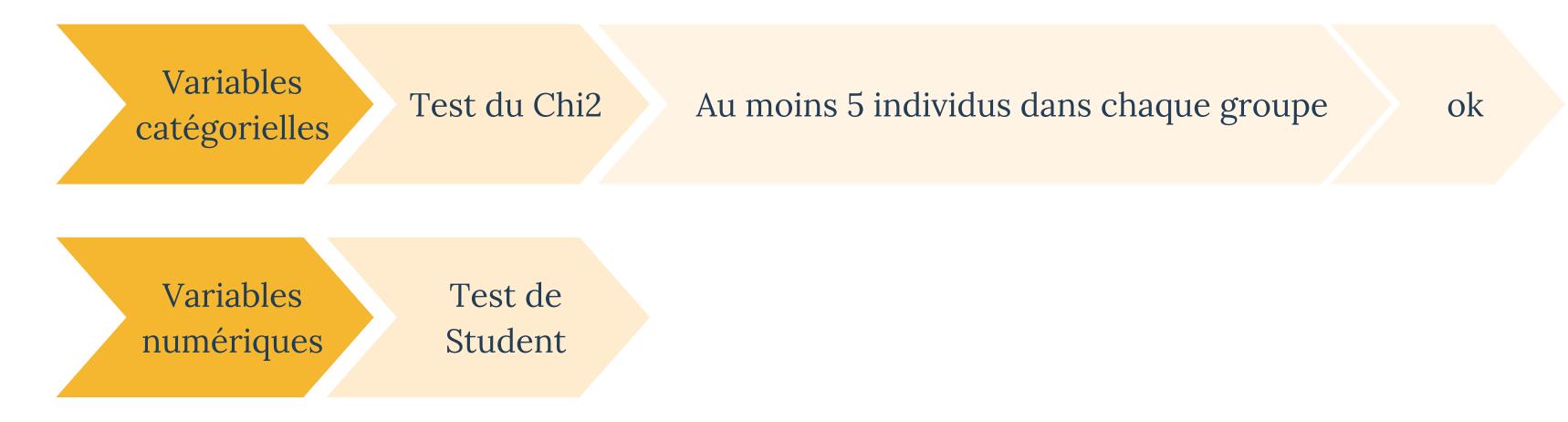


ok

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

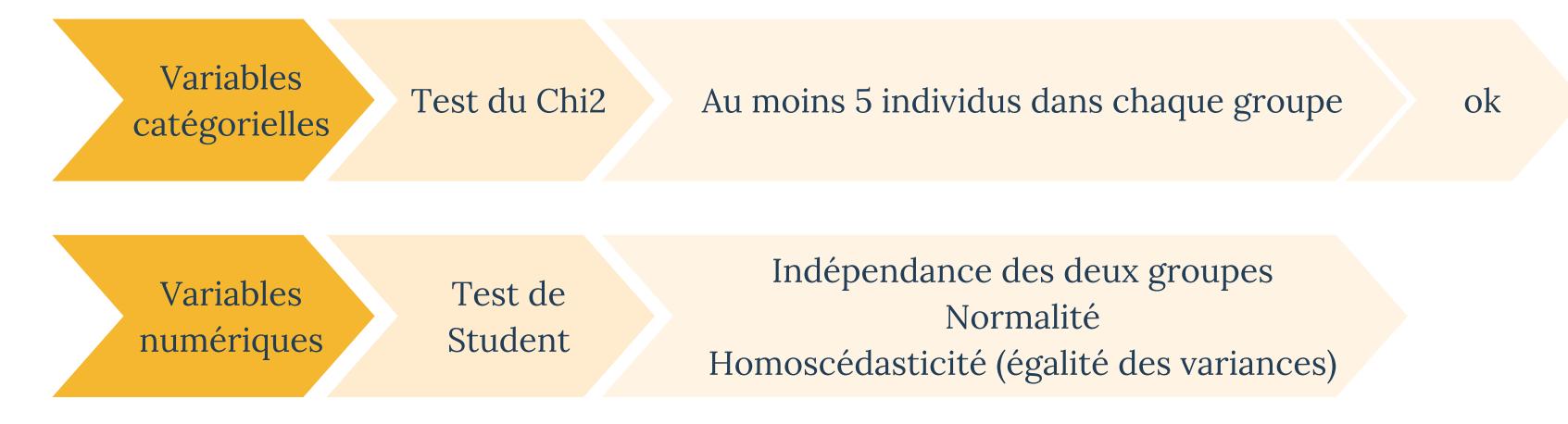
En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.



Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.



Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Analyses univariées

En analyse préliminaire, on observe une différence significative (pvalue < 0.001) entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque pour chaque variable.

Variables catégorielles	Test du Chi2	Au moins 5 individus dans chaque groupe	ok
Variables numériques	Test de Student	Indépendance des deux groupes Normalité Homoscédasticité (égalité des variances)	ok ~ X

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Variables catégorielles

Observations

- Condition d'application respectée : n > 5
- Très (trop ?) petits effectifs dans certaines catégories de AgeCategory
- Formatage des variables non optimisé

Décisions

- Regroupement des classes d'âge deux à deux afin d'en étoffer les effectifs.
- Recodage des variables dichotomiques en binaire
- One-hot encodeage des variables à plus de deux catégories

Existe-t-il, pour chaque variable, une différence significative entre le groupe de patients sains et celui de patients atteints d'une maladie cardiaque ?

Variables numériques

Indépendance des échantillons

Les valeurs observées dans les différents groupes sont indépendantes les unes des autres.

Normalité

Vérification visuelle car supposée (TCL) pout de grands effectifs.

Homoscédasticité

Vérification de l'égalité des variances au sein des deux groupes (sains et malades) pour les variables BMI et SleepTime à l'aide du test de Bartlett. Sans surprise, elle n'est pas vérifiée, on décide donc de s'en affranchir.

Quel algorithme utiliser?

Quel algorithme utiliser?

K-Nearest Neighbors Modèle qui repose sur le principe que des points similaires peuvent être trouvés à proximité les uns des autres.

Logistic Regression Modèle statistique de régression qui permet de prédire la probabilité qu'un événement arrive ou non.

Random Forest Effectue un apprentissage sur de multiples arbres de décision entraînés sur des sous-ensembles de données légèrement différents.

Quels sont les différentes étapes d'implémentation ? (librairie scikit_learn)

1 - Séparation des données

train_test_split()

Génération d'un jeu d'entraînement et d'un jeu test.

"random_state" : assure la reproductibilité des résultats

"stratify" : assure le respect de la repartition de la cible

dans les nouveaux jeux de données.

Quels sont les différentes étapes d'implémentation ? (librairie scikit_learn)

2 - Optimisation des paramètres

GridSearchCV()

Création d'un dictionnaire de paramètres à tester que l'on passe à la fonction GridSearchCV() qui teste les différentes combinaisons de ces paramètres.

Quels sont les différentes étapes d'implémentation ? (librairie scikit_learn)

3 - Récupération des informations du modèle

gscv.best_estimator_ et gscv.best_score_

Enregistrement du modèle dans une variable afin de pouvoir le réutiliser et récupération du meilleur score (accuracy) d'apprentissage afin de pouvoir évaluer la performance du modèle.

Quels sont les différentes étapes d'implémentation ? (librairie scikit_learn)

4 - Prédictions sur le jeu test predict()

On teste le modèle sur le jeu de données afin de récupérer les prédictions associées à chacun des individus testés.

Quels sont les différentes étapes d'implémentation ? (librairie scikit_learn)

5 - Mesure de l'adéquation des prédictions

accuracy_score()

Vérification de l'adéquation des prédictions aux étiquettes connues.

K-Nearest Neighbors

Logistic Regression

Random Forest

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

90.6 % (90.5)

K-Nearest Neighbors

Logistic Regression

Random Forest

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

90.6 % (90.5)

Overfitting: Non! Underfitting: Non!

Modèles cohérents et valides

K-Nearest Neighbors

Logistic Regression

Random Forest

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

90.6 % (90.5)

Overfitting: Non! Underfitting: Non!

Modèles cohérents et valides

Quel modèle choisir?

K-Nearest Neighbors

Logistic Regression

Random Forest

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

91.6 % (91.6)

Accuracy

90.6 % (90.5)

Overfitting: Non! Underfitting: Non!

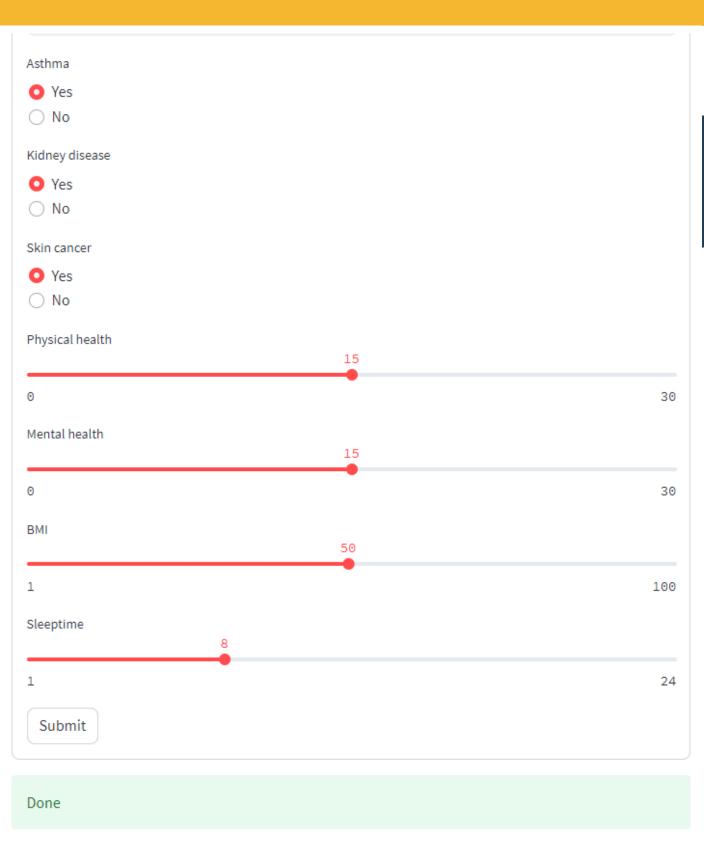
Modèles cohérents et valides

Quel modèle choisir?

K-Nearest Neighbors



Streamlit





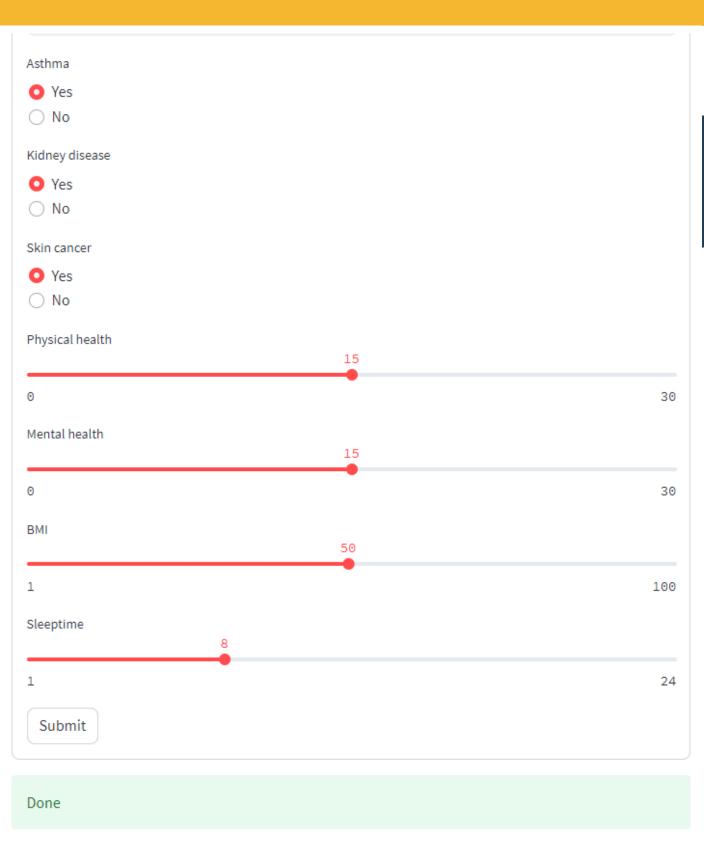
Streamlit



Prise en main de l'outil

Mise en place d'un formulaire adapté

D'apres notre étude ce patient n'a pas de prédispotions à une maladie cardiaque





Streamlit

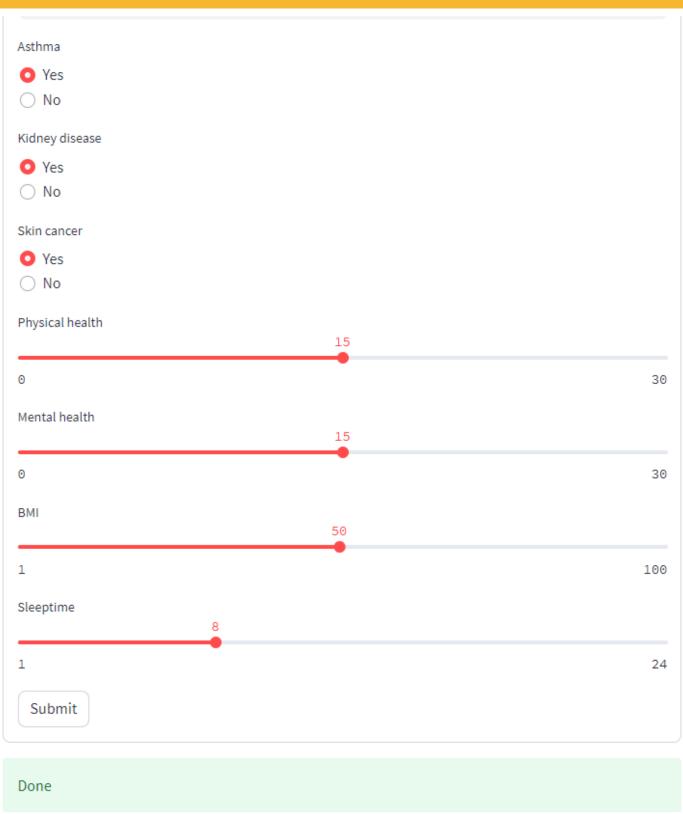
Submit dataPreprocessing

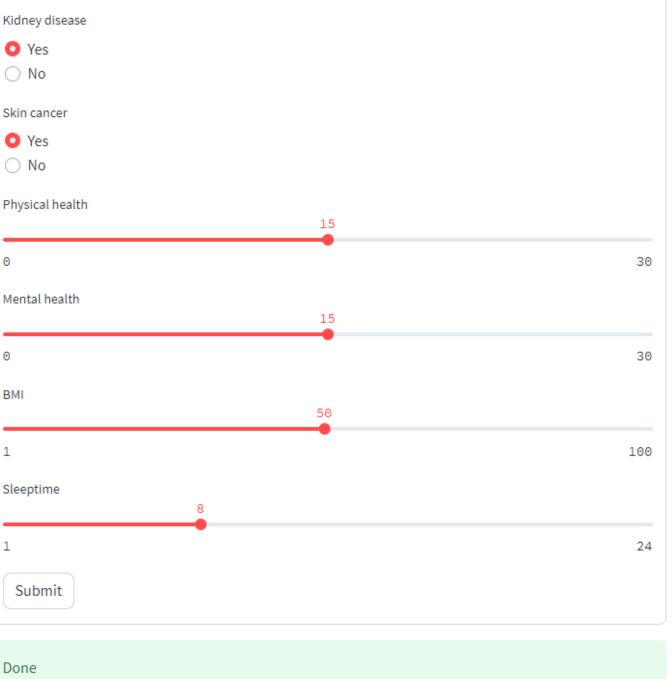
Prise en main de l'outil

Mise en place d'un formulaire adapté

Utilisation de la fonction dataPreprocessing

D'apres notre étude ce patient n'a pas de prédispotions à une maladie cardiaque





D'apres notre étude ce patient n'a pas de prédispotions à une maladie cardiaque



Streamlit

Submit dataPreprocessing

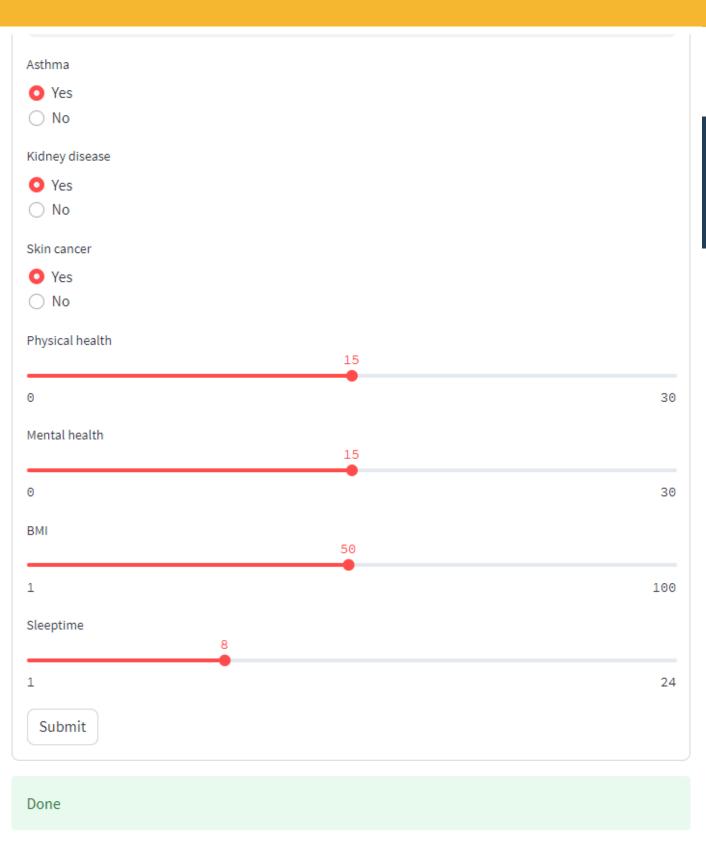
Machine Learning

Prise en main de l'outil

Mise en place d'un formulaire adapté

Utilisation de la fonction dataPreprocessing

Utilisation du modèle pour prédire la donnée nouvellement entrée







Streamlit

Submit dataPreprocessing

Machine Learning

Résultat

Prise en main de l'outil

Mise en place d'un formulaire adapté

Utilisation de la fonction dataPreprocessing

Utilisation du modèle pour prédire la donnée nouvellement entrée

Démonstration

Conclusion

Projets multiples

Améliorations significatives

Défis technique

Engagement envers l'Innovation



Merci pour votre attention!

Yen Phi Do | Hugo Alpiste | Sébastien Martel | Morgane Geoffroy