# 两种常用的R语言分类包 ——SVM和xgboost

• 组长: 彭巍

• 组员: 欧阳添荣 王蒙 陈煜斌





# SVM的原理



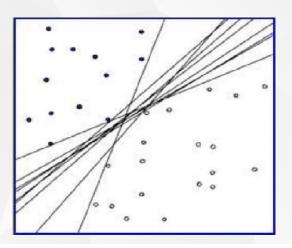
- 01 SVM简介
- 02 SVM算法原理

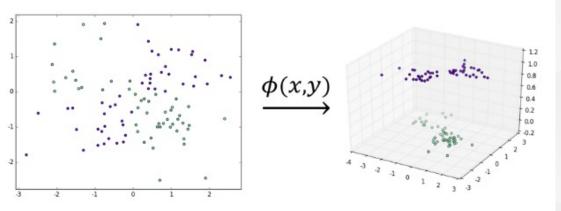


SVM简介

#### SVM简介

支持向量机(support vector machines, SVM) 是一种二分类模型,它的基 本模型是定义在特征空间上 的间隔最大的线性分类器, 间隔最大使它有别于感知机; SVM还包括核技巧,这使它 成为实质上的非线性分类器。 SVM的的学习策略就是间隔 最大化,可形式化为一个求 解凸二次规划的问题,也等 价于正则化的合页损失函数 的最小化问题。SVM的的学 习算法就是求解凸二次规划 的最优化算法。







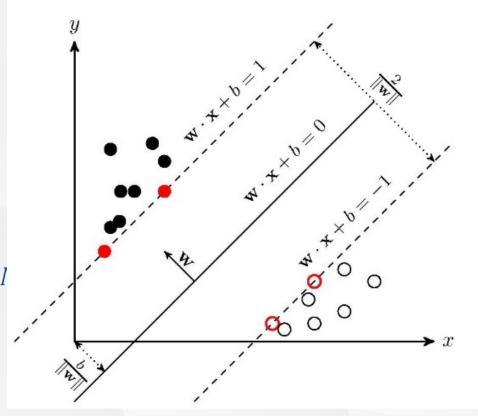
# SVM算法原理

原理的思想是求解能够正确 划分训练数据集并且几何间 隔最大的分离超平面。

在推导之前,先给出一些定义。假设给定一个特征空间上的训练数据集。

$$T = \{(x1, y1), (x2, y2), \dots, (xN, yl)\}$$

xi 为i个特征向量; y i 为类标记, 当它等于+1时为正例; 为-1时 为负例。再假设训练数据集是 线性可分的。



### 用数学表达式表示就是

$$\max margin(w,b) = \max_{1 \le i \le n} distance(w,b,x_i)$$

$$= \max_{1 \le i \le n} \frac{\min_{1 \le i \le n} \frac{1}{||w||} (w^T x_i + b)$$

$$st. (w^T x_i + b) > 0, y_i = +1, for \ \forall i = 1 \dots n$$

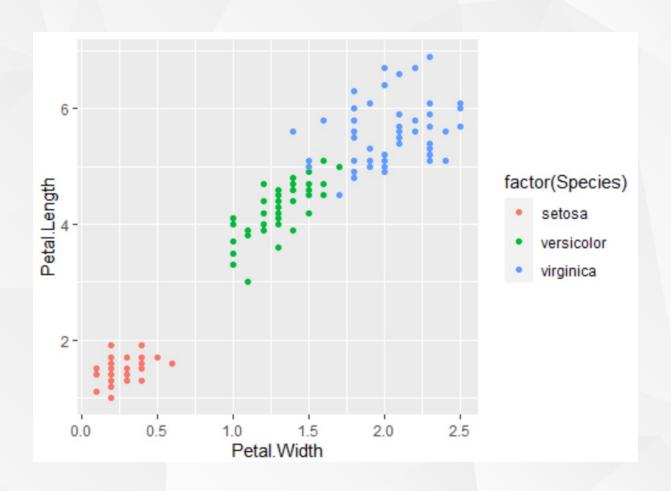
$$st. (w^T x_i + b) < 0, y_i = -1, for \ \forall i = 1 \dots n$$

SVM应用实例

# 数据集

|    | Sepal.Length | Sepal.Width | Petal.Length | Petal.Width |    | Species |
|----|--------------|-------------|--------------|-------------|----|---------|
| 1  | 5.1          | 3.5         | 1.4          | 0.2         | 1  | setosa  |
| 2  | 4.9          | 3.0         | 1.4          | 0.2         | 2  | setosa  |
| 3  | 4.7          | 3.2         | 1.3          | 0.2         | 3  | setosa  |
| 4  | 4.6          | 3.1         | 1.5          | 0.2         | 4  | setosa  |
| 5  | 5.0          | 3.6         | 1.4          | 0.2         | 5  | setosa  |
| 6  | 5.4          | 3.9         | 1.7          | 0.4         | 6  | setosa  |
| 7  | 4.6          | 3.4         | 1.4          | 0.3         | 7  | setosa  |
| 8  | 5.0          | 3.4         | 1.5          | 0.2         | 8  | setosa  |
| 9  | 4.4          | 2.9         | 1.4          | 0.2         | 9  | setosa  |
| 10 | 4.9          | 3.1         | 1.5          | 0.1         | 10 | setosa  |
| 11 | 5.4          | 3.7         | 1.5          | 0.2         | 11 | setosa  |
| 12 | 4.8          | 3.4         | 1.6          | 0.2         | 12 | setosa  |
| 13 | 4.8          | 3.0         | 1.4          | 0.1         | 13 | setosa  |
| 14 | 4.3          | 3.0         | 1.1          | 0.1         | 14 | setosa  |
| 15 | 5.8          | 4.0         | 1.2          | 0.2         | 15 | setosa  |
| 16 | 5.7          | 4.4         | 1.5          | 0.4         | 16 | setosa  |
| 17 | 5.4          | 3.9         | 1.3          | 0.4         | 17 | setosa  |
| 18 | 5.1          | 3.5         | 1.4          | 0.3         | 18 | setosa  |
| 19 | 5.7          | 3.8         | 1.7          | 0.3         | 19 | setosa  |
| 20 | 5.1          | 3.8         | 1.5          | 0.3         | 20 | setosa  |

# 由ggplot2得到的散点图



# SVM函数 (e1071)

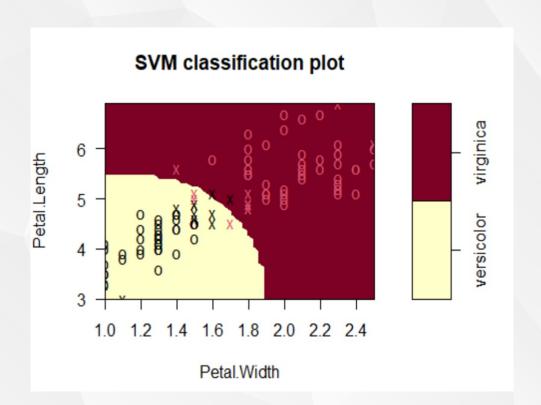
#### svm函数的重要参数:

| 参数      | 意义   |
|---------|--|
| formula | $y\sim x_1+1_2+\ldots+x_n$ ,确定自变量和因变量  |
| data    | 使用的数据集   |
| type    | 分类: C-classification(default)/nu-classification; 文本分类: one-classification; 回归: eps-regression(default)/nu-regression |
| kernel  | linear/polynomial/radial/sigmoid   |

### 具体实现过程:

```
install.packages("e1071")
library("e1071")
library("ggplot2")
ggplot(iris,aes(x=Petal.Width,y=Petal.Length))+geom
_point(aes(color=factor(Species)))

subdata<-iris[iris$Species !="setosa",]
subdata
subdata$Species <- factor(subdata$Species)
subdata
model1 <- svm(Species ~ Petal.Length + Petal.Width,
data = subdata)
plot(model1, subdata, Petal.Length ~ Petal.Width)
summary(model1)
```



# Xgboost原理



### | 引言

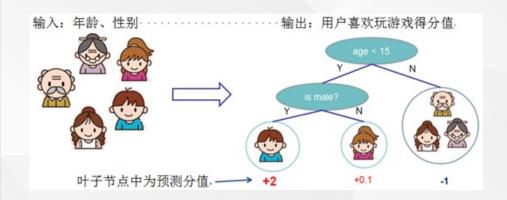


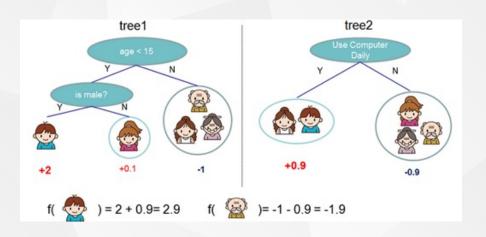
XGBoost全名叫 (eXtreme Gradient Boosting) 极端梯度提升,是现阶段许多竞赛最常用的工具之一,其效果显著。它是大规模并行boosted tree的工具,它是目前最快最好的开源boosted tree工具包。下面我们将XGBoost的介绍分为3步: ①集成思想②目标函数③算法,对他们进行简单介绍。

### /集成思想



在学习XGBoost之前,我们得需要先明白集成思想。集成学习方法是指将多个学习模型组合,以获得更好的效果,使组合后的模型具有更强的泛化能力。另外XGBoost是以分类回归树(CART树)进行组合。故在此之前,我们先看下CART树。如下,通过输入用户年龄、性别进行判断用户是否喜欢玩游戏的得分值。由此得到一颗CART树模型。





我们知道对于单个的决策树模型容易出现过拟合,并且不能在实际中有效应用。所以出现了集成学习方法。如下图,通过两棵树组合进行玩游戏得分值预测。其中treel中对小男生的预测分值为2,tree2对小男生的预测分值为0.9。则该小男生的最后得分值为2.9。

### 02/目标函数



$$Obj(\theta) = \sum_{i=1}^{n} l(y_i, \hat{y}_i) + \sum_{k=1}^{K} \Omega(f_k)$$

其中为 $I(v_i,\hat{v}_i)$ 样本的训练误差, $\Omega(f_i)$ 表示第k棵树的正则项,表示树的复杂度的函数,值越小复杂度越低,泛化能力越强。

### 03/核心算法思想



XGBoost的核心算法思想,基本就是:

不断地添加树,不断地进行特征分裂来生长一棵树,每次添加一个树,其实是学习一个新函数f(x),去拟合上次预测的残差。

当我们训练完成得到k棵树,我们要预测一个样本的分数,其实就是根据这个样本的特征,在每棵树中会落到对应的一个叶子节点,每个叶子节点就对应一个分数

最后只需要将每棵树对应的分数加起来就是该样本的预测值。

Start from constant prediction, add a new function each time

Model at training round t Keep functions added in previous round

我们如何选择每一轮加入什么f呢?答案是非常直接的,选取一个f来使得我们的目标函数尽量最大地降低。



# xgboost分类案例——红酒质量分类







### 01/案例简介





### 数据内容

红酒质量分类数据集

包括非挥发性酸性、挥发性酸性、柠檬酸、剩余糖分、氯化物、游离二氧化硫、二氧化硫总量、浓度、pH、硫酸盐、酒精、质量等十二个属性。共1599条记录



### 分类目标

选取70%的数据为训练集,30%的数据为测试集 根据数据集中的前十一个属性,将测试集中所有的记录分为"低质量"和"高质量"两类。





PART TWO

数据读取与处理

### 02/数据读取与处理



```
install.packages("openxlsx")
library(openxlsx)
wine = read.xlsx( "winequality-red.xlsx" ) #读取数据

train_sub = sample(nrow(wine),7/10*nrow(wine))
train_data = wine[train_sub,]
test_data = wine[-train_sub,] #将数据集分为训练集和测试集,
比例为7:3
```





PART THREE

Xgboost实现



### 训练集的数据预处理

library(Matrix)
# 将自变量转化为矩阵
traindata1 <- data.matrix(train\_data[,c(1:11)])
# 利用Matrix函数,将sparse参数设置为TRUE,转化为稀疏矩阵
traindata2 <- Matrix(traindata1,sparse=T)#自变量
traindata3 <- train\_data[,13]#因变量
# 将自变量和因变量拼接为list
traindata4 <- list(data=traindata2,label=traindata3)
# 构造模型需要的xgb.DMatrix对象,处理对象为稀疏矩阵
dtrain <- xgb.DMatrix(data = traindata4\$data, label =
traindata4\$label)



### 测试集的数据预处理

# 将自变量转化为矩阵
testset1 <- data.matrix(test\_data[,c(1:11)])
# 利用Matrix函数,将sparse参数设置为TRUE,转化为稀疏矩阵
testset2 <- Matrix(testset1,sparse=T)
# 将因变量转化为numerictestset3 <- test\_data[,13]
# 将自变量和因变量拼接为list
testset4 <- list(data=testset2,label=testset3)
# 构造模型需要的xgb.DMatrix对象,处理对象为稀疏矩阵
dtest <- xgb.DMatrix(data = testset4\$data, label = testset4\$label)



### 得到测试集的分类结果

xgb <- xgboost(data = dtrain,max\_depth=6, eta=0.5,
objective='binary:logistic', nround=25)</pre>

pre\_xgb = round(predict(xgb,newdata = dtest))
pre\_xgb 是一个长度等于测试集中的记录个数的0—1向量,
第i个分量为0代表第i个记录为"低质量",第i个分量为1代表
第i个记录为"高质量"



在测试集上的分类结果

# 请老师批评指正