Vấn đề Phylogeny dựa trên khoảng cách bình phương tối thiểu: Cho một ma trận khoảng cách, tìm cây có tổng bình phương sai số nhỏ nhất.

**Input**: Một ma trận khoảng cách n×n D.

**Output**: Một cây có trọng số T mà sao cho giá trị Discrepancy(T, D) nhỏ nhất trong tất cả các cây có nnn lá.

Công thức tính Discrepancy được cho bởi:

**Discrepancy(T,D)=1≤i<j≤n∑​(di, j​(T)−Di, j​)2\**

Trong đó, di, j(T) là khoảng cách giữa hai lá i và j trong cây T.

Mục tiêu là tìm cây T sao cho Discrepancy(T, D) là nhỏ nhất.