Unsupervised Learning (Principal Component Analysis)

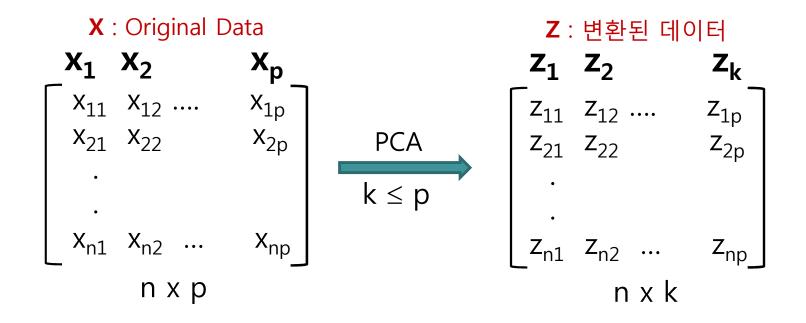
Unsupervised Learning (자율학습)

- Target/답 역할을 해주는 Y 없이 학습이 이루어지는 형태
- feature (X₁, X₂, . . . , X_p)만 갖고서 이것들로부터 유용한 패턴, 그룹핑,
 또는 기타 정보를 추출 함이 목표
- 정답 역할을 하는 response Y가 없으므로 학습이 제대로 이루어지고 있는지, 학습 결과가 잘 된 것인지 판단하기가 어려움
- Response가 없으므로 training set, test set으로 나누기도 의미 없음
- CRM에서 고객들을 유사성에 따라 그룹으로 나누는 Clustering이 대표적인 사례이며, supervised learning의 전단계로 많이 활용

Principal Component Analysis

정보를 **간단하게 요약하고** 싶을 때가 많다. 중요하고 핵심적인 것은 놓치지 않으면서 중복되고, 정보가치가 없는 것들은 제거하여. Principal Component Analysis (PCA)는 이런 필요가 있을 때 쓸 수 있는 기술 중 하나

p개의 feature를 갖는 n개의 observation들로 된 데이터를 p보다 작은 수 'k' 개의 feature들로 나타낼 수 있을까이다. 이 때 k개 feature들은 feature 선정을 통해 구한 원래 n개 feature 중의 '중요한' feature들이 아니라 새롭게 만들어진 feature 임. 이를 matrix 식으로 표현하면;



Principal Component Analysis (주성분 분석) 의미

- PCA는 p 개의 변수(feature)를 갖는 n observation 들이 있을 때, 기존 p개의 feature들을 분석·재조합해서 일련의 **새로운** feature들을 생성하는데, feature들이 가장 중요한 것(정보를 많이 담고 있는 것) 부터 만들어진다. 이 때 **새로운** feature들은 원래 p개의 feature들이 갖고 있던 가장 흥미로운 정보부터 담으려 하는데, 흥미로운 정보란 원래 데이터에서 variation (변화량)이 큰 feature들이 담고 있는 것을 말한다.
- 새롭게 만든 이 feature들을 principal component (score)라 한다. 첫 번째 principal component가 가장 (variation) 정보를 많이 담고 있고, 두 번째가 그 다음, 이런 형태다.
- 따라서 원래 p개의 변수들의 정보가 서로 많이 연관·중복되어 있을 경우 PCA를 하면 훨씬 적은 **앞쪽의** 몇 principal component만 갖고서도 원래 p개의 변수들이 갖고 있던 정보의 대부분을 담을 수 있다. 즉, PCA를 하면 때론 정보를 많이 잃지 않고서도 원래 변수의 개수(dimension 크기, 데이터 양)를 확 줄일 수 있다. 일종의 데이터 요약/압축으로 생각해도 좋다.
- PCA를 하여 dimension을 줄이면 supervised learning에서 "curse of dimension" 을 피할 수 있어 좋고, 또 PCA 결과를 시각화하여 데이터의 특성을 살펴보기에도 좋을 때가 있다

Principal Component Analysis 설명

- 데이터가 X_1 , X_2 , . . . , X_p feature들로 구성되어있다 하자 (X_i , i=1, ... p : 길이 n의 column vector).
- X₁, X₂, . . . , X_p 의 **첫 번째 principal component (score)** Z₁은 X들의 nomalized linear combination 로써 가장 **큰 variation을 갖도록 한** combination 이다 .

$$Z_1 = \phi_{11}X_1 + \phi_{21}X_2 + \ldots + \phi_{p1}X_p$$

이때 normalized라 함은 $\sum_{j=1}^p \phi_{j1}^2 = 1$ 를 뜻한다

- 위 식에서 $\mathbf{Z_1}$ 은 p개의 feature들 각각에 weight \emptyset_{11} , ..., \emptyset_{p1} 들을 곱해 합을 구한 형태이다. 이 때 feature들은 이미 관찰된 것이니, 핵심은 \emptyset_{11} , ..., \emptyset_{p1} 들을 무슨 값으로 해야 $\mathbf{Z_1}$ 의 분산이 가장 클 가 이다. Weight \emptyset_{11} , ..., \emptyset_{p1} 들을 첫번째 principal component의 loading 이라고 한다. 우리는 loading의 "sum of squares" 를 1로 제한을 건다. PCA는 X에서 loading \emptyset , Principal Components $\mathbf{Z_5}$ 구함.
- n observation과 p feature를 갖는 데이터에서 계산할 수 있는 principal component
 의 개수는 min(n-1, p) 이다. 즉, 전체 Principal Component를 나타내는 Z는 n x (n-1) 또는 n x p 행렬 형태가 된다.

5

Principal Components Analysis 결과는,

• 일반적으로 p < n 이므로 min(n-1, p)=p 라 간주하면 principal components Z와 feature X, 그리고 우리가 구하려는 loading \emptyset , PC **Z** 관계가 다음과 같이 표현된다.

$$Z_{\text{nxp}} = X_{\text{nxp}} \varnothing_{\text{pxp}}$$

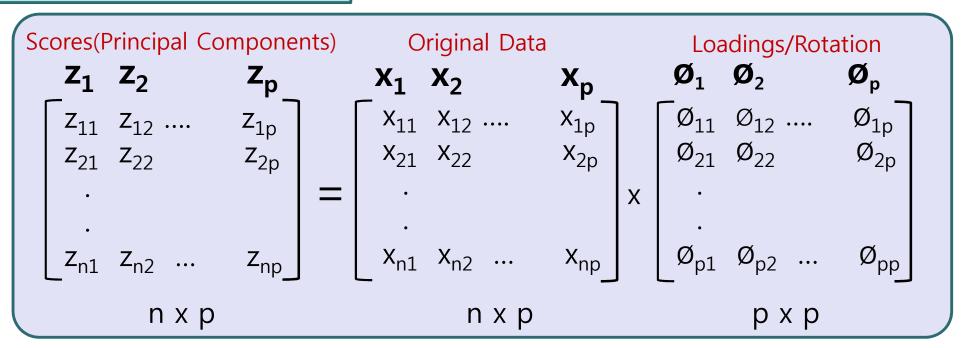
$$* Z_{\text{nx(n-1)}} = X_{\text{nxp}} \cdot \varnothing_{\text{px(n-1)}} \text{ if p>n}$$

$$\varnothing_{1} : \text{loadings of first principal component of } X$$

$$X_{1} : \text{first feature vector}$$

$$Z_{1} : Z_{11}, Z_{21}, \dots, Z_{n1}; \text{ scores of first principal component of } X$$

* $Z_{nx(n-1)} = X_{nxp} \cdot \emptyset_{px(n-1)}$ if p>n Z_1 : $z_{11}, z_{21}, \ldots, z_{n1}$; scores of first principal component



• 위 식에서 $\mathbf{Z_1} = \emptyset_{11}\mathbf{X_1} + \emptyset_{21}\mathbf{X_2} + \ldots + \emptyset_{p1}\mathbf{X_p}$ 임을 알 수 있다. 그리고 column 벡 터 \emptyset_1 은 첫 번째 PC Z_1 을 구할 때만 관여한다는 것을 알 수 있다.

Principal Components 결과를 설명하면,

A가 m x n 행렬이고, B가 column 들 \mathbf{b}_1 , . . . , \mathbf{b}_p 로 된 n x p 행렬이면, 행렬 곱 AB는 m x p 행렬로써,

$$AB = A[b_1 \ b_2 \ \dots b_p] = [Ab_1 \ Ab_2 \ \dots \ Ab_p]$$

즉, **AB**의 각 column은 행렬 **A**와 행렬 **B**의 해당 column과의 Matric-Vector 곱, 즉 Linear Combination

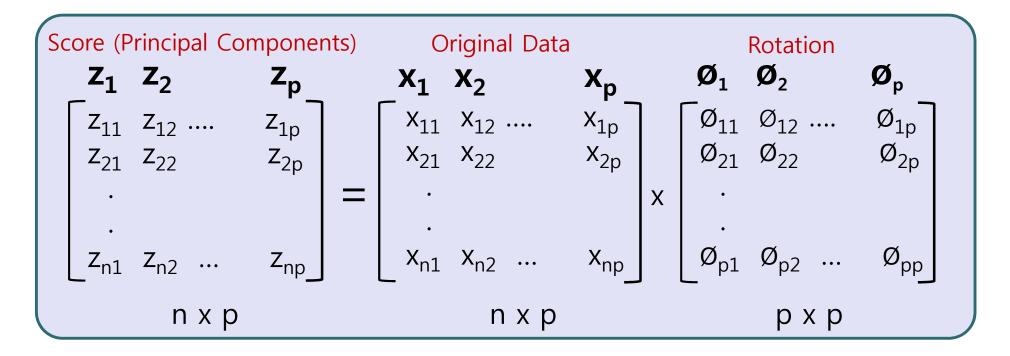
따라서 PCA 에서 $Z = X\emptyset$ 이니,

$$Z_1 = X \emptyset_1$$
 (Z_1, \emptyset_1 : column vector, $X : n \times p \text{ idd}$)
= $\emptyset_{11} X_1 + \emptyset_{21} X_2 + \dots + \emptyset_{p1} X_p$

- \to Z_1 은 Loading 행렬의 첫 번째 loading column \varnothing_1 을 weight로 하는 오리지널 feature $X_{1, 1}$ $X_{2, 1}$. . . X_p 들의 linear combination
- \rightarrow 마찬가지로, Z_i 는 Loading 행렬의 i 번째 loading column \emptyset_i 를 weight로 하는 feature $X_{1,j}X_{2,j}$. . . X_p 들의 linear combination

R의 "prcomp" 함수:

- pc <- prcomp(): Score, 즉 rotate된 principal component (new) data는 pc\$x 임
- pc\$x == orignal_data X rotation_matrix 가 정확히 일치하려면 "original_data"가 standardized 되어야 함.



- Rotation \emptyset_1 is weights for variables X for the first principal component

Loading 행렬 – 첫번째 loading 구하기,

- 첫 번째 PC의 score인 $\mathbf{Z_1} = [z_{11}, z_{21}, \ldots, z_{n1}]^T$ 분산을 최대로 만들자.
- X의 모든 feature, 즉 column들의 기대값을 0 으로 한다. 즉 $\frac{1}{n}\sum_{i=1}^{n}x_{ij}=0$
- 이 경우 z₁₁, z₂₁, . . . , z_{n1} 들의 기대값도 0이 된다.
- 따라서 z_{11} , z_{21} , . . . , z_{n1} 의 가장 큰 분산값을 찾는 $\mathbf{Z_1}$ 구하기는 다음과 같다

$$\underset{\phi_{11},...,\phi_{p1}}{\text{maximize}} \left\{ \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} \left(\sum_{j=1}^{p} \phi_{j1} x_{ij} \right)^{2} \right\} \text{ subject to } \sum_{j=1}^{p} \phi_{j1}^{2} = 1$$

을 최대화하는 \emptyset_{11} , \emptyset_{21} , ... \emptyset_{p1} 들을 구한다

위 문제는 행렬 X 에 대한 singular value decomposition 방법으로도 풀 수 있다

Loading(Rotation) 행렬 – Covariance matrix의 eigenvector들

Data Matrix : Feature 들로 된 nxp Matrix (n: observation 수, p: feature 수)



Covariance Matrix : Feature 들간 Covariance를 나타내는 pxp matrix

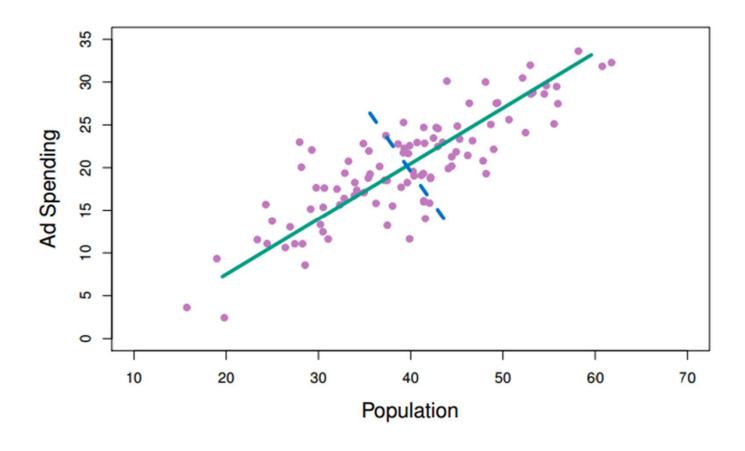


eigenvalue, eigenvector

eigenvalue가 큰 것 부터 eigenvector 정렬

Ø: Loading Matrix

Principal Component 의 기하학적 의미



$$n = 100$$

 $p = 2$
 $Min(99, 2) = 2$

$$\emptyset_1 = [\emptyset_{11} \ \emptyset_{21}]^T$$

= $[0.839 \ 0.544]^T$

$$\emptyset_2 = [\emptyset_{12} \ \emptyset_{22}]^T$$

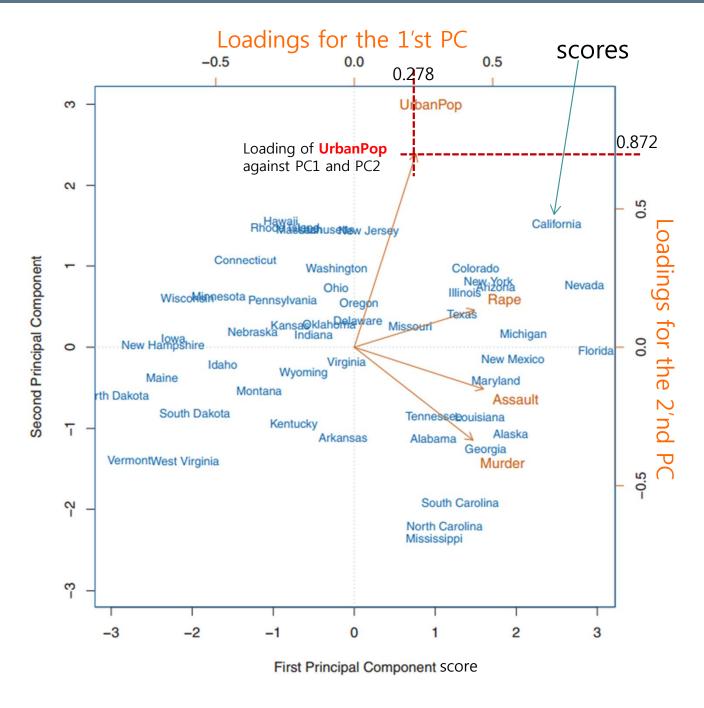
= $[0.544 \ -0.839]^T$

$$\emptyset_1$$
 과 \emptyset_2 은 직각

- 첫번째 principal component의 loading vector \emptyset_1 (초록색 선) 은 feature space에 위치한 데이터 점들이 가장 많이 변화하는 (분산도가 최고인) 방향을 나타낸다
- 두번째 principal component Z_2 (파란 점선) 역시 p개의 feature vector X_1, X_2, \ldots, X_p 의 linear combination인데, Z_1 와 uncorrelated인 것 중 가장 큰 variance를 갖는 방향이다

Principal Component Analysis 시각화

- USAarrests data: For each of the fifty states in the United States, the data set contains the number of arrests per 100,000 residents for each of three crimes: Assault, Murder, and Rape. We also record UrbanPop (the percent of the population in each state living in urban areas).
- The principal component score vectors have length n = 50, and the principal component loading vectors have length p = 4.
- PCA was performed after standardizing each variable to have mean zero and standard deviation one.



PCA loadings(Rotations in R)

| | PC1 | PC2 |
|----------|-----------|------------|
| Murder | 0.5358995 | -0.4181809 |
| Assault | 0.5831836 | -0.1879856 |
| UrbanPop | 0.2781909 | 0.8728062 |
| Rape | 0.5434321 | 0.1673186 |

첫번째 principal component PC1은 Murder, Assult, Rape feature 들에게 0.55 근방의 모두 유사한 값(loading)을 주었고, UrbanPop에는 다른 3개의 loading과 떨어진 값 0.278을 주었다. 이런 식으로 feature들의 loading/weight를 주면 observation들의 가장 큰 variation 방향을 잡을 수 있다. PC1은 전 반적인 범죄발생률 포착하는 것 같다

두번째 principal component PC2 는

UrbanPopulation에 큰 플러스 loading을 주었고, Murder에는 상당한 마이너스값을 주었다. PC2는 따라서 전반적인 도시화 경향을 포착하며, 도시화와 Murder는 반대의 특성을 보인다고 할 수 있겠다

PC1과 PC2에 대해 모두 큰 **positive** score를 보인 California는 범죄율과 도시화가 크고, Vermont/West Virginia는 그반대이다

Principal Component Analysis: Scaling the Variables

1. PCA를 수행하기 변수들의 평균을 0 으로 해야 한다

2. PCA는 feature들의 scale에 영향 받음. 따라서, 변수들의 표준 편차가 1이 되게끔 변수들의 값을 scale함이 좋다

3. 하지만, 변수들의 단위가 같다면, 경우에 따라 scale할 수도, 하지 않는 것이 좋을 수도 있다

각 Principal Component가 얼마나 데이터를 설명하나?

- 1. 첫번째 컴포너트 PC1이 원 데이터의 variance를 가장 많이 설명하기에 가장 중요하다
- 2. 그러면, 앞으로부터 몇 개의 principal component를 채택하면 원 데이터의 정보를 충분히 포함하도록 할 수 있을까?
- 3. Proportion of Variance Explained (PVE): 개별 principal component가 원 데이터의 전체 variance중 얼마를 설명하고 있나를 나타내는 값으로 0 ~ 1 사이의 값을 갖는다. 가령 PC1 의 PVE=0.75라면 PC1이 원 데이터의 variance(정보)의 75%를 설명/포함

몇개의 Principal Component를 사용하면 되나?

- 1. 정답은 없다. 분명한 것은 모든 PC들의 PVE을 합치면 1이 되기는 할 것이다. Z_1 부터 시작해 몇 번째 PC까지 포함할 까는 그 때 그 때 상황에 맞추는 수 밖에 없다. 만약 PVE 값이 급격히 낮아지는 지점이 보이면 해당 지점까지의 PC score만 이용하면 되겠다.
- 2. PCA를 한 후 Supervised Learning을 할 생각이면, 일부 앞쪽에 있는 score vector Z_M 들만을 사용할 수도 있다. 즉, $n \times p$ 전체 데이터 말고 $n \times M$ (where M < p) $\begin{bmatrix} Z_1 & Z_2 & \dots & Z_M \end{bmatrix}$ 행렬을 이용해 regression 이나 classification을 하게 된다. 이 경우 M 이 p 보다 작으므로 차원이 줄어들어(feature 가 줄어들어) cross-validation이나 supervised 모델이나 clustering을 할 때도 유리할 수 있다. 무조건 PCA부터 하고 시작하지는 말자